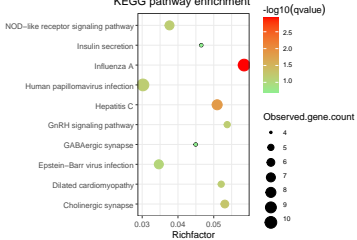
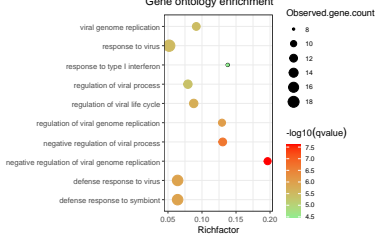


Supplementary Figure S1: KEGG and GO enrichment plot of GSE45291

KEGG pathway enrichment



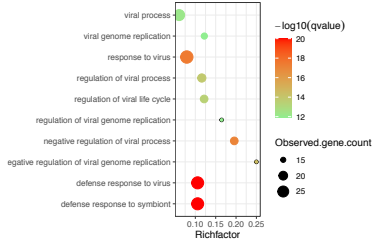
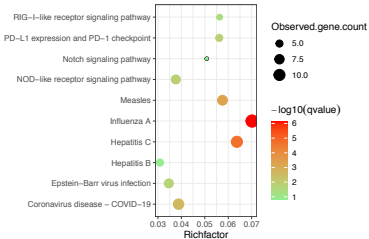
Gene ontology enrichment



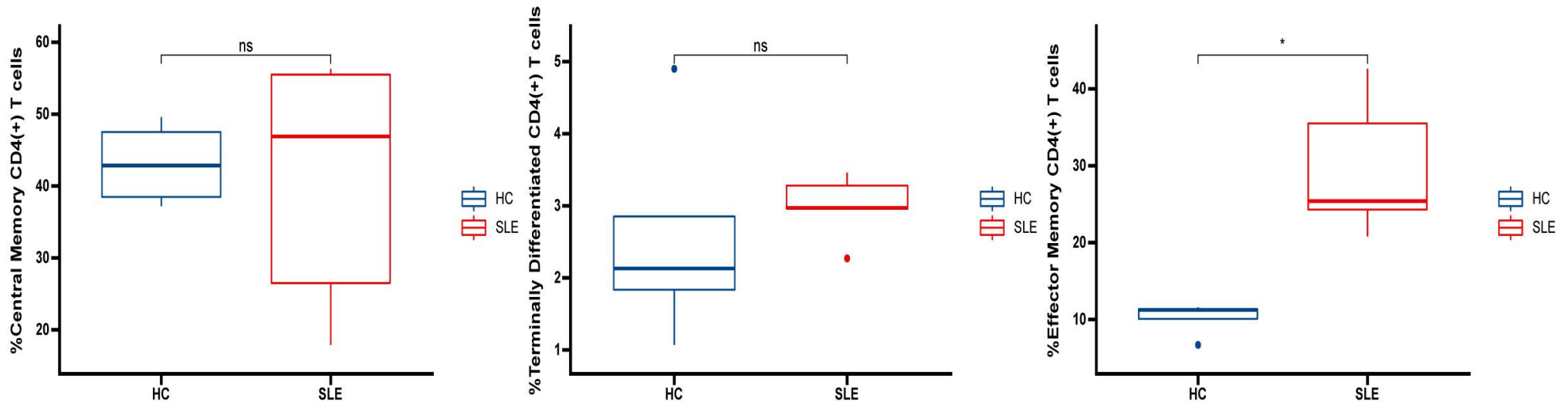
Supplementary Figure S2: KEGG and GO enrichment plot of GSE121239

KEGG pathway enrichment

Gene ontology enrichment



Supplementary Figure S3: The proportions of CD4(+) T cell subsets in SLE patients and HCs



ns: no significance, *P < 0.05 by Student' t-test.

Supplementary Table S1. Basic information for the human subjects

NUMBER	SEX	AGE	SLEDAI score
SLE1	women	34	4
SLE2	women	19	4
SLE3	women	38	4
SLE4	women	22	4
SLE5	women	42	5
SLE6	women	58	6
SLE7	women	56	6
SLE8	women	35	6
SLE9	women	52	6
SLE10	women	50	6
SLE11	women	22	7
SLE12	women	48	7
SLE13	women	16	7
SLE14	women	34	8
SLE15	women	43	9
SLE16	women	32	9
SLE17	women	34	9
SLE18	women	32	9
SLE19	women	56	10
SLE20	women	41	10
SLE21	women	18	10
SLE22	women	41	10
SLE23	women	23	10
SLE24	women	40	10
SLE25	women	52	11
SLE26	women	34	11
SLE27	women	57	12
SLE28	women	48	12
SLE29	women	35	13
SLE30	women	18	14
healthy control1	women	25	
healthy control2	women	32	
healthy control3	women	30	
healthy control4	women	27	
healthy control5	women	27	
healthy control6	women	36	
healthy control7	women	43	

Supplementary Table S2. Differential expression profiles in TRIM5-lower and TRIM5-higher groups

	logFC	AveExpr	t	P.Value	adj. P.ValB	Index
rsad2	4.971345	9.365531	32.17957	3.49E-54	6.03E-50	112.5626 Up
herc5	3.962705	8.828937	31.22323	5.28E-53	3.04E-49	109.9272 Up
ifi44	4.214755	9.227789	31.27449	4.56E-53	3.04E-49	110.0702 Up
ifit5	2.839566	8.589769	31.05428	8.60E-53	3.72E-49	109.4541 Up
xaf1	2.97285	7.996065	30.96388	1.12E-52	3.86E-49	109.2001 up
cmpk2	4.319945	8.608415	29.23204	1.90E-50	5.46E-47	104.204 Up
epst11	3.788178	8.613102	29.08363	2.98E-50	7.36E-47	103.7641 Up
ddx60	3.269006	8.900666	28.96917	4.22E-50	9.13E-47	103.4235 Up
ifi441	5.402758	8.94662	28.8056	6.97E-50	1.34E-46	102.9349 Up
ifit3	3.504681	9.724524	28.6539	1.11E-49	1.92E-46	102.4795 Up
zcchc2	2.353623	6.98635	28.00261	8.43E-49	1.32E-45	100.5012 Up
trim5	1.372316	5.437804	27.76583	1.78E-48	2.56E-45	99.77252 Up
oas2	2.561535	6.63792	27.20886	1.05E-47	1.39E-44	98.03789 Up
oas1	3.499501	8.685817	27.04591	1.77E-47	2.18E-44	97.52493 Up
isgl5	4.223066	9.298188	26.44417	1.25E-46	1.44E-43	95.60856 Up
ifit2	2.597929	10.11274	26.29321	2.06E-46	2.22E-43	95.12228 Up
ifit1	4.616174	9.175892	26.11767	3.67E-46	3.73E-43	94.55404 Up
oas3	2.399768	5.950923	25.613	1.97E-45	1.90E-42	92.90327 Up
oas1	3.451841	8.506565	25.44069	3.53E-45	3.21E-42	92.33379 Up
uspl8	4.585046	5.63847	25.39468	4.12E-45	3.56E-42	92.18122 Up
rnf213	1.42013	7.799751	25.06632	1.26E-44	1.03E-41	91.08607 Up
parp14	2.218779	9.070833	24.71801	4.15E-44	3.26E-41	89.91216 Up
shisa5	0.938095	12.32494	23.59103	2.16E-42	1.62E-39	86.02576 Up
ifi6	2.159903	6.932791	23.52951	2.69E-42	1.94E-39	85.80968 Up
parp9	1.869081	8.774181	23.37663	4.65E-42	3.21E-39	85.2708 Up
lipa	1.342526	6.080131	23.19888	8.80E-42	5.85E-39	84.64103 Up
mx1	3.48178	9.792886	23.15128	1.05E-41	6.69E-39	84.47179 Up
ifil6	1.291119	10.51773	23.13959	1.09E-41	6.73E-39	84.43019 Up
siglec1	4.89373	7.789253	22.70925	5.21E-41	3.11E-38	82.88802 Up
samd91	2.38753	9.034361	22.37524	1.78E-40	1.03E-37	81.67651 Up
parp12	1.779557	10.30354	22.17827	3.70E-40	2.06E-37	80.95609 Up
ube216	1.438967	10.78001	21.82473	1.39E-39	7.49E-37	79.65167 Up
eif2ak2	1.100431	5.96604	21.17837	1.61E-38	8.44E-36	77.22884 Up
rtp4	3.457955	6.606897	20.74008	8.75E-38	4.45E-35	75.55746 Up
ly6e	3.198435	7.079015	20.68709	1.07E-37	5.31E-35	75.35383 Up
ddx601	1.59845	8.473865	20.63931	1.29E-37	6.22E-35	75.16991 Up
samd9	1.72126	8.90732	20.35643	3.92E-37	1.83E-34	74.07528 Up
stat1	1.479798	8.813508	20.0446	1.34E-36	6.10E-34	72.85724 Up
lamp3	3.477335	5.552895	19.91838	2.22E-36	9.82E-34	72.36077 Up
mx2	1.481607	10.89954	19.63141	6.98E-36	2.94E-33	71.22463 Up
plscr1	1.526555	6.586064	19.6365	6.84E-36	2.94E-33	71.24485 Up
trim6	3.000802	4.600694	19.35188	2.16E-35	8.88E-33	70.10798 Up
zbp1	2.007482	7.053909	18.96503	1.04E-34	4.20E-32	68.54636 Up
serping1	3.211746	6.271244	18.92273	1.24E-34	4.88E-32	68.37445 Up
tnfsf13b	1.300932	10.93069	18.74185	2.61E-34	1.00E-31	67.63679 Up
apol6	1.690096	7.590149	18.40499	1.06E-33	3.97E-31	66.25179 Up
herc6	0.815854	3.843528	18.33531	1.41E-33	5.20E-31	65.96348 Up

trim22	1.667347	10.16291	18.19824	2.51E-33	9.04E-31	65.39455	Up
chmp5	1.337446	9.348649	18.0753	4.21E-33	1.48E-30	64.88218	Up
ifih1	1.560361	5.177159	17.88918	9.24E-33	3.19E-30	64.10279	Up
zc3hav1	1.127959	8.32117	17.67944	2.25E-32	7.63E-30	63.21912	Up
trim38	1.213629	8.561765	17.64893	2.56E-32	8.52E-30	63.09006	Up
nt5c3a	1.566388	9.082432	17.54538	3.99E-32	1.30E-29	62.6513	Up
sp100	1.071605	7.385677	17.46835	5.55E-32	1.78E-29	62.32397	Up
ifitm1	1.040509	12.02491	17.43385	6.44E-32	2.02E-29	62.17713	Up
gbp1	2.010425	7.280079	17.18492	1.88E-31	5.81E-29	61.11299	Up
phf11	1.529986	7.269539	17.07442	3.04E-31	9.20E-29	60.63808	Up
ddx58	2.133649	8.518871	16.9442	5.35E-31	1.59E-28	60.07632	Up
dtx31	1.144827	9.919663	16.80549	9.79E-31	2.87E-28	59.47554	Up
tnfsf10	1.318574	9.947771	16.70531	1.52E-30	4.37E-28	59.04011	Up
sp110	0.929786	10.13835	16.54628	3.05E-30	8.65E-28	58.34616	Up
ifi27	5.292142	8.541514	16.01494	3.23E-29	9.00E-27	56.00401	Up
batf2	2.729671	6.051932	15.78277	9.15E-29	2.51E-26	54.96921	Up
nmi	1.053145	10.50854	15.59716	2.12E-28	5.71E-26	54.13699	Up
nub1	0.741592	6.434512	15.51266	3.10E-28	8.25E-26	53.75668	Up
timm10	2.031785	8.040782	15.49165	3.41E-28	8.94E-26	53.66196	Up
tnfaip6	2.076232	8.372289	15.48127	3.58E-28	9.23E-26	53.61514	Up
acot9	1.063007	8.538548	15.43801	4.35E-28	1.11E-25	53.41991	Up
ifi35	1.990243	8.36869	15.34383	6.68E-28	1.67E-25	52.99409	Up
ifitm3	1.203478	12.63151	15.09051	2.13E-27	5.25E-25	51.84318	Up
tdrd7	1.492464	8.127384	14.9958	3.29E-27	8.00E-25	51.41084	Up
spats21	1.055761	3.376732	14.81122	7.70E-27	1.85E-24	50.56506	Up
cysltrl	1.018389	6.063449	14.72017	1.17E-26	2.78E-24	50.14627	Up
tor1b	1.467606	8.913916	14.47134	3.73E-26	8.71E-24	48.99674	Up
trafd1	0.991357	8.521617	14.43763	4.36E-26	1.01E-23	48.84046	Up
lap3	1.921274	8.815293	14.31758	7.64E-26	1.74E-23	48.2827	Up
tmem123	1.433777	8.8169	14.29317	8.57E-26	1.92E-23	48.16907	Up
shfl	1.02695	7.924481	14.02255	3.06E-25	6.69E-23	46.90478	Up
trim69	0.88431	5.379901	13.98226	3.70E-25	7.99E-23	46.71586	Up
pnpt1	2.128375	4.835567	13.97757	3.78E-25	8.06E-23	46.69382	Up
cmtrl	1.182986	7.93947	13.86965	6.29E-25	1.33E-22	46.18671	Up
usp25	0.690841	5.956457	13.63031	1.96E-24	4.08E-22	45.05737	Up
gnb4	0.976311	6.839693	13.48951	3.83E-24	7.89E-22	44.39005	Up
pml	0.71518	3.914907	13.31316	8.91E-24	1.77E-21	43.55115	Up
clgalt1	1.205659	5.863999	13.3143	8.86E-24	1.77E-21	43.55658	Up
mt2a	1.786041	8.994532	13.31576	8.80E-24	1.77E-21	43.56358	Up
irf7	2.071499	7.887606	13.29383	9.77E-24	1.92E-21	43.459	Up
caspl	0.745878	9.385882	13.16889	1.78E-23	3.46E-21	42.8624	Up
smchd1	1.042768	9.277244	13.07522	2.80E-23	5.37E-21	42.41407	Up
mvb12a	0.999272	5.264982	13.06069	3.00E-23	5.69E-21	42.34445	Up
fam8a1	1.067052	9.013819	13.00771	3.87E-23	7.27E-21	42.09037	Up
agr1	0.734988	4.505909	12.98152	4.39E-23	8.16E-21	41.96469	Up
irf9	0.922	10.07772	12.9575	4.93E-23	9.07E-21	41.84936	Up
acol	1.266805	5.462823	12.67655	1.92E-22	3.50E-20	40.49603	Up
fbxo6	1.822643	5.565254	12.57073	3.22E-22	5.79E-20	39.98428	Up
etv7	1.844325	5.275238	12.46983	5.26E-22	9.37E-20	39.4954	Up
ntng2	1.389045	9.772718	12.41444	6.89E-22	1.22E-19	39.22665	Up
ccr1	1.26429	8.998688	12.36724	8.68E-22	1.52E-19	38.99735	Up

dhx58	1.379711	5.647082	12.31054	1.14E-21	1.98E-19	38.72171	Up
stat2	0.593754	6.004302	12.25945	1.47E-21	2.52E-19	38.47307	Up
pat11	0.600048	4.576443	12.19871	1.98E-21	3.35E-19	38.17721	Up
trim34	0.813448	7.518122	12.04635	4.18E-21	7.02E-19	37.43366	Up
ptp4a1	0.611863	5.361408	11.83391	1.19E-20	1.98E-18	36.3938	Up
gbp7	1.420256	8.753532	11.74608	1.83E-20	3.02E-18	35.96288	Up
ceacam1	1.449293	6.46448	11.73064	1.98E-20	3.23E-18	35.88704	Up
mov10	0.761143	4.067361	11.69059	2.41E-20	3.90E-18	35.69034	Up
helz2	0.700693	4.774836	11.59232	3.92E-20	6.28E-18	35.20711	Up
galm	1.554697	7.035927	11.49766	6.27E-20	9.94E-18	34.74103	Up
mtle	1.028682	7.095848	11.49001	6.51E-20	1.02E-17	34.70331	Up
ly96	0.791705	11.49338	11.35394	1.28E-19	1.99E-17	34.03223	Up
illrn	0.756544	5.272955	11.30074	1.67E-19	2.57E-17	33.76955	Up
trim14	0.603776	4.970745	11.24626	2.18E-19	3.34E-17	33.50035	Up
rsph9	1.512834	3.503747	11.23122	2.35E-19	3.57E-17	33.42602	Up
trim21	0.831599	9.920221	11.16674	3.24E-19	4.87E-17	33.10718	Up
smtnl1	0.917229	6.834397	11.14889	3.54E-19	5.24E-17	33.01887	Up
gbp5	1.366494	9.003849	11.14911	3.54E-19	5.24E-17	33.01995	Up
mtlx	1.069223	6.583977	11.14233	3.66E-19	5.36E-17	32.98637	Up
parp11	0.905839	4.876025	10.94279	9.90E-19	1.43E-16	31.99792	Up
srgap2c	0.969955	6.166062	10.89272	1.27E-18	1.82E-16	31.74961	Up
dhrs9	1.597429	7.520422	10.85958	1.50E-18	2.11E-16	31.58517	Up
tap2	0.808156	6.199682	10.80845	1.94E-18	2.70E-16	31.3314	Up
tent5a	0.976506	8.976073	10.7909	2.11E-18	2.92E-16	31.24424	Up
dock4	0.714674	4.923101	10.77586	2.28E-18	3.12E-16	31.16956	Up
mtlh11	1.03317	7.127248	10.75336	2.55E-18	3.44E-16	31.05784	Up
gbp4	1.438843	6.310526	10.7469	2.63E-18	3.53E-16	31.02577	Up
klhdc7b	1.25921	4.090962	10.73897	2.74E-18	3.64E-16	30.98635	Up
lgals3bp	1.636152	5.536507	10.46468	1.08E-17	1.40E-15	29.62249	Up
abca1	0.661207	4.911438	10.43307	1.27E-17	1.63E-15	29.46516	Up
sp140	1.182895	8.939355	10.3841	1.62E-17	2.07E-15	29.22138	Up
aim2	1.584243	8.654621	10.30135	2.45E-17	3.11E-15	28.80931	Up
ffar2	1.278708	7.154654	10.24457	3.26E-17	4.11E-15	28.52644	Up
srbdl	1.049782	6.282642	10.22196	3.65E-17	4.57E-15	28.41382	Up
isg20	1.000754	10.09411	10.20101	4.05E-17	5.04E-15	28.30943	Up
sell	0.694509	12.21137	10.1816	4.46E-17	5.51E-15	28.21272	Up
gbp3	1.045379	7.742499	10.12068	6.06E-17	7.43E-15	27.90916	Up
znf496	0.603024	3.514664	10.06058	8.19E-17	9.90E-15	27.60958	Up
dapp1	0.741952	7.678354	10.0616	8.15E-17	9.90E-15	27.6147	Up
bst2	0.974582	7.395385	10.05336	8.50E-17	1.02E-14	27.57359	Up
myd88	0.607819	10.24946	9.894796	1.88E-16	2.23E-14	26.78317	Up
cdlc	-1.17287	6.670407	-9.77176	3.49E-16	4.08E-14	26.16981	Down
trim25	0.633872	8.142802	9.681938	5.48E-16	6.36E-14	25.72207	Up
micb	0.835366	8.514388	9.628932	7.15E-16	8.19E-14	25.45788	Up
slc25a6	-0.85183	9.914302	-9.60909	7.90E-16	8.99E-14	25.359	Down
srgap2	0.922998	5.50379	9.593996	8.52E-16	9.63E-14	25.28378	Up
cd164	0.6475	8.644183	9.587607	8.80E-16	9.85E-14	25.25194	Up
scarb2	0.675881	4.240237	9.586929	8.83E-16	9.85E-14	25.24856	Up
apol1	0.952281	7.995688	9.430224	1.94E-15	2.12E-13	24.4679	Up
slc26a11	-0.86531	6.077696	-9.41623	2.08E-15	2.26E-13	24.3982	Down
btn3a1	0.688714	8.726827	9.413997	2.10E-15	2.27E-13	24.3871	Up

csrnpl	0.978956	5.30463	9.346093	2.96E-15	3.16E-13	24.04902	Up
elf1	0.76347	9.118146	9.338883	3.07E-15	3.25E-13	24.01313	Up
sco2	1.443772	8.742433	9.180184	6.80E-15	7.08E-13	23.22362	Up
EIF31	-0.70424	11.34693	-9.15836	7.58E-15	7.80E-13	23.11514	Down
mtla	0.773806	6.548182	9.085734	1.09E-14	1.12E-12	22.7542	Up
gadd45b	0.75402	7.2402	8.987155	1.79E-14	1.81E-12	22.26469	Up
ndc80	0.814343	6.263108	8.94689	2.19E-14	2.20E-12	22.0649	Up
kptn	0.876098	5.474802	8.863345	3.32E-14	3.30E-12	21.65063	Up
xrn1	0.597945	7.146668	8.761867	5.51E-14	5.35E-12	21.14801	Up
trex1	0.833775	5.949012	8.74893	5.88E-14	5.65E-12	21.08399	Up
cd274	1.084505	5.964877	8.736605	6.25E-14	5.94E-12	21.023	Up
tmem140	0.844912	7.788476	8.67338	8.57E-14	8.10E-12	20.71031	Up
rbm43	0.624997	4.411631	8.629181	1.07E-13	9.98E-12	20.49189	Up
trank1	0.753487	9.49053	8.623557	1.10E-13	1.02E-11	20.46411	Up
kiaa1958	0.800482	3.765671	8.573446	1.41E-13	1.30E-11	20.21668	Up
znf684	1.102125	3.478294	8.559623	1.51E-13	1.39E-11	20.14847	Up
ap5b1	0.816635	8.664706	8.477544	2.27E-13	2.07E-11	19.74374	Up
hsh2d	1.033501	7.782749	8.471574	2.34E-13	2.12E-11	19.71433	Up
cxcl10	1.601465	3.530682	8.294497	5.64E-13	5.03E-11	18.84337	Up
prrg4	0.985175	6.631875	8.236265	7.53E-13	6.61E-11	18.55763	Up
rictor	0.631348	6.392474	8.225785	7.93E-13	6.88E-11	18.50625	Up
mobla	0.631756	7.727332	8.223959	8.00E-13	6.88E-11	18.4973	Up
slfn12	0.852318	5.8751	8.22414	8.00E-13	6.88E-11	18.49819	Up
nbn	0.602169	7.731188	8.149717	1.16E-12	9.79E-11	18.13364	Up
ppmlk	0.707661	6.577289	8.060457	1.80E-12	1.50E-10	17.69727	Up
sptlc2	0.756189	6.837643	8.03348	2.05E-12	1.71E-10	17.56557	Up
irf2	0.631475	9.530228	8.02817	2.11E-12	1.74E-10	17.53966	Up
lmnb1	0.730515	8.462525	7.98707	2.58E-12	2.11E-10	17.33922	Up
pabpc4	-0.63779	7.501664	-7.93995	3.25E-12	2.63E-10	17.10967	Down
ampd2	-0.77424	9.300661	-7.89301	4.10E-12	3.26E-10	16.88133	Down
map2k6	0.973121	4.874346	7.888962	4.18E-12	3.31E-10	16.86165	Up
lysmd2	0.776095	7.487515	7.833615	5.49E-12	4.31E-10	16.59281	Up
nexn	0.969496	5.79242	7.832227	5.52E-12	4.32E-10	16.58608	Up
phactr2	0.599427	5.409075	7.826553	5.68E-12	4.42E-10	16.55854	Up
rpl3	-0.64585	11.80236	-7.81425	6.03E-12	4.68E-10	16.49887	Down
fcgr3a	0.684551	11.55642	7.806171	6.28E-12	4.84E-10	16.45967	Up
marcks	0.591805	8.882118	7.802653	6.39E-12	4.88E-10	16.44261	Up
gch1	0.905673	9.592364	7.800581	6.45E-12	4.91E-10	16.43256	Up
tmem268	0.930147	7.06072	7.76814	7.56E-12	5.71E-10	16.27534	Up
stubl	-0.59505	7.366595	-7.74699	8.39E-12	6.28E-10	16.17294	Down
arrdc3	0.6686	8.822118	7.725525	9.32E-12	6.91E-10	16.06905	Up
rhbdf2	0.931661	6.893127	7.716466	9.74E-12	7.19E-10	16.02523	Up
ccl12	1.078375	6.166019	7.692218	1.10E-11	8.07E-10	15.90801	Up
rplp0	-0.66291	11.18715	-7.65847	1.29E-11	9.43E-10	15.74501	Down
tymp	0.642029	5.5074	7.640738	1.41E-11	1.02E-09	15.65944	Up
napa	0.697539	5.187672	7.635477	1.45E-11	1.04E-09	15.63406	Up
tmem252	0.780271	5.267373	7.588974	1.82E-11	1.29E-09	15.40993	Up
nfil3	0.698833	9.725349	7.54744	2.22E-11	1.54E-09	15.21005	Up
tap1	0.650437	10.57792	7.539487	2.31E-11	1.59E-09	15.17181	Up
nsmccl	-0.67164	7.623293	-7.50611	2.72E-11	1.86E-09	15.01141	Down
clec7a	0.59972	7.977226	7.499575	2.80E-11	1.89E-09	14.98006	Up

illlra	-0.62048	6.180456	-7.48917	2.95E-11	1.98E-09	14.93013	Down
tuft1	0.963772	7.108936	7.481293	3.07E-11	2.05E-09	14.89232	Up
vps51	-0.65412	7.355674	-7.45927	3.41E-11	2.26E-09	14.78672	Down
EIF4B	-0.59992	9.855845	-7.39024	4.77E-11	3.12E-09	14.45623	Down
acadv1	-0.71037	7.572942	-7.37405	5.16E-11	3.36E-09	14.37882	Down
bri3bp	-0.72055	6.695825	-7.31528	6.85E-11	4.35E-09	14.09833	Down
cenpt	-0.61477	6.527979	-7.31567	6.84E-11	4.35E-09	14.10016	Down
znf200	0.704586	6.112733	7.293929	7.60E-11	4.76E-09	13.99659	Up
EIF2D	-0.80743	6.485537	-7.28986	7.75E-11	4.82E-09	13.9772	Down
clec4e	0.945294	9.134784	7.279399	8.15E-11	5.00E-09	13.9274	Up
cmc2	0.626209	8.370323	7.261601	8.88E-11	5.40E-09	13.84271	Up
slc26a8	1.459032	6.307615	7.260254	8.93E-11	5.42E-09	13.8363	Up
cyb561d1	-0.6333	8.559202	-7.17071	1.37E-10	8.06E-09	13.41116	Down
slfn5	0.8523	6.307465	7.148553	1.53E-10	8.87E-09	13.30623	Up
rbck1	0.667101	7.927253	7.143565	1.57E-10	9.05E-09	13.28262	Up
siglec10	-0.84414	7.850056	-7.12096	1.75E-10	9.93E-09	13.17567	Down
lgals9	0.898992	8.03394	7.097987	1.95E-10	1.09E-08	13.06712	Up
clec2b	0.614455	10.28356	7.066717	2.26E-10	1.25E-08	12.91953	Up
mtlf	0.654201	7.590274	7.060903	2.33E-10	1.28E-08	12.89211	Up
otof	1.301356	3.323283	7.032568	2.66E-10	1.45E-08	12.7586	Up
lhfp12	0.853656	8.084877	7.019322	2.84E-10	1.54E-08	12.69624	Up
pmaip1	0.846877	7.501715	6.985513	3.34E-10	1.79E-08	12.53725	Up
ccl8	1.105682	2.963893	6.880748	5.49E-10	2.84E-08	12.04627	Up
septin1	-0.71067	7.215831	-6.87653	5.60E-10	2.88E-08	12.02657	Down
impa2	-0.73891	7.779592	-6.85247	6.28E-10	3.17E-08	11.91416	Down
gimap2	0.61583	8.968671	6.818027	7.39E-10	3.68E-08	11.75356	Up
psmb9	0.611216	10.15639	6.80158	7.99E-10	3.93E-08	11.67696	Up
tmem60	0.71439	7.45659	6.787624	8.53E-10	4.16E-08	11.61201	Up
bcl2a1	0.590254	10.76053	6.744457	1.05E-09	5.05E-08	11.41144	Up
znf419	-0.63063	6.088588	-6.71037	1.23E-09	5.83E-08	11.25341	Down
znfx1	0.750549	8.329129	6.657265	1.58E-09	7.21E-08	11.00775	Up
ubqln1	0.620863	3.99046	6.624667	1.84E-09	8.25E-08	10.85733	Up
fbl	-0.69825	8.721409	-6.57486	2.32E-09	1.02E-07	10.62805	Down
fcgr1a	0.968785	9.746003	6.542247	2.70E-09	1.16E-07	10.47829	Up
rpl8	-0.63615	11.46934	-6.53431	2.80E-09	1.20E-07	10.44188	Down
cd247	-0.75961	7.234058	-6.48754	3.48E-09	1.47E-07	10.22775	Down
tiam1	-0.80886	7.190695	-6.44987	4.15E-09	1.72E-07	10.05568	Down
camk1d	-0.58746	6.660913	-6.40436	5.13E-09	2.08E-07	9.848358	Down
hacl1	-0.63672	7.053977	-6.39907	5.25E-09	2.12E-07	9.824335	Down
sigirr	-0.68032	8.648223	-6.38309	5.66E-09	2.27E-07	9.751673	Down
clec4d	1.121512	7.805779	6.37829	5.78E-09	2.32E-07	9.729887	Up
pik3r6	-0.72991	6.193252	-6.33664	7.01E-09	2.79E-07	9.541026	Down
rnf214	-0.79316	6.029726	-6.3318	7.17E-09	2.84E-07	9.519101	Down
ms4a4a	0.70704	4.460885	6.328983	7.26E-09	2.86E-07	9.506347	Up
rrm2	1.14004	4.820096	6.323121	7.46E-09	2.91E-07	9.479818	Up
c12orf57	-0.70223	7.252835	-6.319	7.60E-09	2.95E-07	9.461163	Down
abcg1	0.58774	6.034076	6.300542	8.28E-09	3.19E-07	9.377736	Up
znf211	-0.63831	5.395384	-6.29078	8.66E-09	3.31E-07	9.333644	Down
znf438	0.641438	5.105346	6.282656	8.99E-09	3.42E-07	9.296979	Up
adhfe1	-0.64442	6.975171	-6.27414	9.35E-09	3.55E-07	9.25858	Down
fbln7	-0.85096	5.791792	-6.24903	1.05E-08	3.93E-07	9.145446	Down

c3ar1	0.834326	8.03904	6.210042	1.25E-08	4.64E-07	8.970142	Up
rnf19b	0.605124	8.332552	6.191721	1.36E-08	4.99E-07	8.887941	Up
fcgr1b	0.922739	9.01934	6.174738	1.47E-08	5.35E-07	8.811835	Up
prpf8	-0.63902	6.336068	-6.16174	1.56E-08	5.65E-07	8.753658	Down
cryl1	-0.58782	6.216296	-6.13381	1.78E-08	6.32E-07	8.628811	Down
lck	-0.69831	7.34811	-6.10228	2.05E-08	7.23E-07	8.488159	Down
ankrd22	1.307288	4.938004	6.101947	2.05E-08	7.23E-07	8.486693	Up
mterf2	-0.64605	5.902408	-6.0978	2.09E-08	7.29E-07	8.468208	Down
ubash3a	-0.59601	5.547696	-6.03485	2.78E-08	9.36E-07	8.188515	Down
rab33b	0.626412	7.807233	6.029767	2.85E-08	9.56E-07	8.165999	Up
amigo1	-0.8964	7.140285	-5.94776	4.12E-08	1.35E-06	7.803794	Down
eno2	-0.63276	7.441449	-5.90131	5.08E-08	1.63E-06	7.599645	Down
rps5	-0.60282	10.72246	-5.89243	5.28E-08	1.69E-06	7.560704	Down
rph3a	1.681689	6.055707	5.868718	5.87E-08	1.86E-06	7.45688	Up
prss33	-1.30302	6.92957	-5.86357	6.01E-08	1.90E-06	7.434343	Down
pdzd4	-0.94967	6.610929	-5.8607	6.09E-08	1.92E-06	7.421814	Down
ccl2	0.892383	3.69669	5.850625	6.37E-08	2.00E-06	7.377787	Up
map4k1	-0.58818	7.268941	-5.8274	7.06E-08	2.17E-06	7.276411	Down
abhd14b	-0.60147	6.741711	-5.73113	1.08E-07	3.18E-06	6.858419	Down
znf662	-1.05288	4.976618	-5.71616	1.16E-07	3.39E-06	6.793693	Down
card6	0.600988	8.392987	5.677083	1.37E-07	3.95E-06	6.625241	Up
tcn1	1.102537	5.884501	5.654241	1.52E-07	4.32E-06	6.527035	Up
cacna2d3	-0.73276	5.565261	-5.63559	1.65E-07	4.65E-06	6.447008	Down
jak2	0.599054	5.666618	5.628161	1.70E-07	4.78E-06	6.415154	Up
ubxn11	-0.66908	7.106841	-5.60112	1.92E-07	5.28E-06	6.299419	Down
asflb	-0.59365	4.847396	-5.57988	2.11E-07	5.71E-06	6.208716	Down
narf	-0.60172	8.644912	-5.53041	2.61E-07	6.97E-06	5.998203	Down
golga8a	-0.61174	8.707744	-5.52996	2.62E-07	6.97E-06	5.996289	Down
bcs11	-0.59949	6.40587	-5.52665	2.66E-07	7.04E-06	5.982239	Down
carns1	-0.68582	4.341513	-5.52343	2.69E-07	7.12E-06	5.968571	Down
ldlrpl	-0.62938	7.789698	-5.49681	3.02E-07	7.82E-06	5.85576	Down
frmd3	0.808869	5.405856	5.462972	3.50E-07	8.93E-06	5.712767	Up
pat12	0.636168	8.24775	5.426611	4.10E-07	1.03E-05	5.559652	Up
sipa112	0.725858	6.691275	5.397893	4.64E-07	1.15E-05	5.439107	Up
tgfbi	-0.70355	9.439909	-5.38576	4.88E-07	1.21E-05	5.388292	Down
bst1	0.618939	9.149264	5.34272	5.87E-07	1.41E-05	5.208499	Up
ill18r1	1.173351	8.145027	5.319034	6.50E-07	1.54E-05	5.109897	Up
cd52	-0.59018	11.37786	-5.28279	7.59E-07	1.77E-05	4.959484	Down
kiaa03191	0.600368	7.417979	5.263055	8.25E-07	1.91E-05	4.877828	Up
asprv1	0.83947	6.979697	5.249953	8.72E-07	2.00E-05	4.823709	Up
arfip1	0.611957	7.195317	5.245888	8.87E-07	2.03E-05	4.806934	Up
rmil	0.59354	7.649742	5.199027	1.08E-06	2.41E-05	4.614084	Up
milr1	0.625981	5.976724	5.196031	1.10E-06	2.43E-05	4.601788	Up
vps28	-0.61035	9.427455	-5.17465	1.20E-06	2.62E-05	4.514153	Down
jup	0.735242	5.290422	5.174064	1.20E-06	2.62E-05	4.511753	Up
ptprn2	0.703397	5.222261	5.142722	1.37E-06	2.91E-05	4.38367	Up
klhdc8b	0.915056	6.378336	5.130018	1.45E-06	3.05E-05	4.331882	Up
nrn1	0.800727	4.336413	5.125357	1.48E-06	3.09E-05	4.3129	Up
sf3a3	-0.60094	6.921772	-5.07997	1.78E-06	3.67E-05	4.12859	Down
nlrc3	-0.58995	8.385472	-5.05487	1.98E-06	4.00E-05	4.027051	Down
cd2	-0.63774	8.109979	-5.05074	2.01E-06	4.06E-05	4.010374	Down

hdc	-0.83509	5.003852	-5.03712	2.13E-06	4.25E-05	3.955456	Down
apobec3a	0.959569	10.78059	5.021801	2.27E-06	4.47E-05	3.893765	Up
cripl	-0.85356	8.612049	-5.00458	2.44E-06	4.74E-05	3.824551	Down
mctpl	0.605098	6.338962	4.960122	2.93E-06	5.51E-05	3.646526	Up
fanc1	0.724942	6.280352	4.946949	3.09E-06	5.78E-05	3.59396	Up
prxl2b	-0.5969	5.939503	-4.90954	3.61E-06	6.57E-05	3.445125	Down
nap113	-0.69897	3.404684	-4.73139	7.43E-06	0.000121	2.74596	Down
cbr3	-0.6126	5.780771	-4.72686	7.57E-06	0.000123	2.728384	Down
znf600	-0.80299	7.575684	-4.7237	7.66E-06	0.000125	2.716161	Down
ptgds	-0.60156	5.47965	-4.66707	9.61E-06	0.000152	2.49751	Down
atp6v0e2	-0.59248	7.162929	-4.61376	1.19E-05	0.000181	2.293236	Down
hla-dmb	-0.61062	9.537679	-4.61121	1.20E-05	0.000183	2.283491	Down
pi3	-0.91266	10.29849	-4.55017	1.53E-05	0.000224	2.051543	Down
gapt	0.656962	6.134953	4.467253	2.11E-05	0.000293	1.739701	Up
tppp3	-0.60218	5.041757	-4.39697	2.77E-05	0.000366	1.478341	Down
gpr183	-0.81484	7.505117	-4.38478	2.90E-05	0.000382	1.433295	Down
gstm2	-0.91919	6.727486	-4.3708	3.06E-05	0.000399	1.381745	Down
ddhd2	-0.61326	6.399102	-4.27812	4.36E-05	0.000537	1.042769	Down
tbcl4	-0.6403	8.392388	-4.21144	5.60E-05	0.000661	0.802008	Down
fhit	-0.73061	5.054509	-4.11427	8.05E-05	0.00089	0.455842	Down
trabd2a	-0.74946	7.678159	-4.11054	8.16E-05	0.000899	0.442642	Down
adgre3	-0.60661	8.694525	-4.03722	0.000107	0.001104	0.185411	Down
klrg1	-0.63243	5.058708	-3.96616	0.000138	0.001364	-0.06075	Down
pdzklip1	-0.88005	9.478307	-3.90255	0.000174	0.001631	-0.27839	Down
anxa3	0.719883	8.596751	3.79188	0.000257	0.002231	-0.65089	Up
siglec5	0.638887	9.558956	3.638824	0.000438	0.003487	-1.15281	Up
gzmk	-0.62253	8.162854	-3.50491	0.000688	0.005002	-1.57896	Down
nog	-0.82541	6.770373	-3.45156	0.000821	0.005772	-1.7453	Down
mmp8	0.852985	3.912066	3.345483	0.001162	0.007667	-2.07003	Up
gprasp1	-0.67174	5.431109	-3.33718	0.001194	0.007852	-2.09511	Down
foxo3b	-0.62303	6.668353	-3.27424	0.001461	0.00924	-2.2836	Down
fgf13	0.610742	3.458791	3.208352	0.0018	0.010929	-2.4778	Up
mpo	0.640457	3.931845	3.169467	0.002033	0.01204	-2.59092	Up
fgfbp2	-0.77662	7.684949	-3.15421	0.002132	0.012515	-2.635	Down
slc4a1	-0.68264	7.568999	-3.10191	0.002506	0.014159	-2.78477	Down
gnly	-0.65607	9.825869	-2.9712	0.003724	0.019551	-3.15001	Down
klrf1	-0.79776	7.324955	-2.86849	0.005043	0.0247	-3.42778	Down
fam118a	-0.71116	6.24803	-2.84832	0.005347	0.025913	-3.48136	Down
zbtb16	0.58567	5.01451	2.818216	0.005833	0.027747	-3.56074	Up
prosl	-0.61278	6.290339	-2.73259	0.007445	0.033684	-3.78256	Down
hp	0.633501	7.046322	2.687778	0.008441	0.037239	-3.89631	Up
nfx11	-0.70957	5.674428	-2.60895	0.010492	0.044167	-4.09245	Down

Supplementary Table S3: TOP10 Differential expression in TRIM5 groups.

	logFC	AveExpr	t	P. Value	adj. P. Val	B
rsad2	4.97134477	9.365530817	32.17957429	3.49E-54	6.03E-50	112.5626014
ifi44	4.214755025	9.22778859	31.27448527	4.56E-53	3.04E-49	110.0702226
herc5	3.962705354	8.828937046	31.2232289	5.28E-53	3.04E-49	109.9271636
ifit5	2.839565767	8.589769383	31.05427982	8.60E-53	3.72E-49	109.4541435
xaf1	2.972849951	7.996064957	30.96387663	1.12E-52	3.86E-49	109.2001007
cmpk2	4.319944979	8.608414798	29.23204008	1.90E-50	5.46E-47	104.2040453
epstil	3.788177626	8.613102007	29.08362668	2.98E-50	7.36E-47	103.7641219
ddx60	3.269006228	8.90066634	28.96916976	4.22E-50	9.13E-47	103.4235445
ifi441	5.402757737	8.946620132	28.80560499	6.97E-50	1.34E-46	102.9348545
ifit3	3.504680805	9.724523726	28.65389694	1.11E-49	1.92E-46	102.4794857
cd1c	-1.172865759	6.670406549	-9.771761265	3.49E-16	4.08E-14	26.16981191
slc25a6	-0.851834856	9.914302254	-9.609091627	7.90E-16	8.99E-14	25.35900419
slc26a11	-0.86530511	6.077695741	-9.416227542	2.08E-15	2.26E-13	24.3982026
eif31	-0.704239249	11.34693212	-9.158363762	7.58E-15	7.80E-13	23.11513759
pabpc4	-0.63778735	7.501663705	-7.939945453	3.25E-12	2.63E-10	17.10966895
ampd2	-0.774244666	9.300660947	-7.893008838	4.10E-12	3.26E-10	16.88132534
rpl3	-0.645847088	11.80236361	-7.814254911	6.03E-12	4.68E-10	16.49887477
stub1	-0.595048252	7.366594536	-7.746992495	8.39E-12	6.28E-10	16.17293519
rplp0	-0.662914347	11.18714842	-7.658468481	1.29E-11	9.43E-10	15.74500521
nsmce1	-0.671640772	7.623293011	-7.506105287	2.72E-11	1.86E-09	15.01141254

Index

Up

Up

Up

Up

Up

Up

Up

Up

Up

Up

Down

Down

Down

Down

Down

Down

Down

Down

Down

Down

Supplementary Table S4: KEGG and GO functional analysis of GSE45291.

ID	descripti	GeneRatic	BgRatio	pValue	FDR	qvalue	geneID
hsa05164	hsa05164	Influenza	4月27日	170/8009	2.35E-03	0.159829818	0.143214191
hsa04912	hsa04912	GnRH sign	3月27日	93/8009	3.62E-03	0.159829818	0.143214191
hsa05414	hsa05414	Dilated c	3月27日	96/8009	3.96E-03	0.159829818	0.143214191
hsa04725	hsa04725	Cholinerg	3月27日	112/8009	6.10E-03	0.184492726	0.165313187
hsa04913	hsa04913	Ovarian s	2月27日	51/8009	1.26E-02	0.25576474	0.229175887
hsa04934	hsa04934	Cushing s	3月27日	155/8009	1.48E-02	0.25576474	0.229175887
hsa05160	hsa05160	Hepatitis	3月27日	155/8009	1.48E-02	0.25576474	0.229175887
hsa04929	hsa04929	GnRH secr	2月27日	64/8009	1.94E-02	0.258259516	0.231411311
hsa04927	hsa04927	Cortisol	2月27日	65/8009	2.00E-02	0.258259516	0.231411311
hsa04924	hsa04924	Renin sec	2月27日	69/8009	2.23E-02	0.258259516	0.231411311
hsa05165	hsa05165	Human pap	4月27日	330/8009	2.35E-02	0.258259516	0.231411311
hsa05412	hsa05412	Arrhythmc	2月27日	77/8009	2.74E-02	0.276356037	0.247626549
hsa04911	hsa04911	Insulin s	2月27日	86/8009	3.36E-02	0.276356037	0.247626549
hsa04024	hsa04024	cAMP sign	3月27日	216/8009	3.52E-02	0.276356037	0.247626549
hsa04727	hsa04727	GABAergic	2月27日	89/8009	3.58E-02	0.276356037	0.247626549
hsa05410	hsa05410	Hypertrop	2月27日	90/8009	3.65E-02	0.276356037	0.247626549
hsa04925	hsa04925	Aldosterc	2月27日	98/8009	4.27E-02	0.302841095	0.271358267
hsa04916	hsa04916	Melanogen	2月27日	101/8009	4.51E-02	0.302841095	0.271358267
hsa04670	hsa04670	Leukocyte	2月27日	112/8009	5.42E-02	0.343801508	0.308060507
hsa04726	hsa04726	Serotoner	2月27日	115/8009	5.68E-02	0.343801508	0.308060507
hsa04935	hsa04935	Growth hc	2月27日	119/8009	6.04E-02	0.347855816	0.311693336
hsa04611	hsa04611	Platelet	2月27日	124/8009	6.49E-02	0.356997974	0.319885092
hsa04270	hsa04270	Vascular	2月27日	132/8009	7.24E-02	0.380893323	0.341296323
hsa05162	hsa05162	Measles	2月27日	138/8009	7.82E-02	0.394252998	0.353267149
hsa04514	hsa04514	Cell adhe	2月27日	147/8009	8.72E-02	0.3997347	0.358178983
hsa04723	hsa04723	Retrograd	2月27日	148/8009	8.82E-02	0.3997347	0.358178983
hsa04261	hsa04261	Adrenergi	2月27日	149/8009	8.92E-02	0.3997347	0.358178983
hsa04921	hsa04921	Oxytocin	2月27日	153/8009	9.33E-02	0.403220938	0.361302798
hsa05310	hsa05310	Asthma	1月27日	31/8009	9.96E-02	0.415439827	0.372251432
hsa04022	hsa04022	cGMP-PKG	2月27日	167/8009	1.08E-01	0.436080539	0.390746372
hsa04621	hsa04621	NOD-like	2月27日	181/8009	1.24E-01	0.464344087	0.416071692
hsa00513	hsa00513	Various t	1月27日	39/8009	1.24E-01	0.464344087	0.416071692
hsa05033	hsa05033	Nicotine	1月27日	40/8009	1.27E-01	0.464344087	0.416071692
hsa04510	hsa04510	Focal adh	2月27日	199/8009	1.44E-01	0.464779042	0.416461429
hsa05169	hsa05169	Epstein-E	2月27日	201/8009	1.46E-01	0.464779042	0.416461429
hsa05030	hsa05030	Cocaine a	1月27日	49/8009	1.53E-01	0.464779042	0.416461429
hsa00330	hsa00330	Arginine	1月27日	50/8009	1.56E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04810	hsa04810	Regulatic	2月27日	213/8009	1.61E-01	0.464779042	0.416461429
hsa05132	hsa05132	Salmonell	2月27日	214/8009	1.62E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04330	hsa04330	Notch sig	1月27日	53/8009	1.64E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04923	hsa04923	Regulatic	1月27日	55/8009	1.70E-01	0.464779042	0.416461429
hsa00240	hsa00240	Pyrimidin	1月27日	57/8009	1.76E-01	0.464779042	0.416461429
hsa00140	hsa00140	Steroid h	1月27日	60/8009	1.84E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04213	hsa04213	Longevity	1月27日	62/8009	1.90E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04623	hsa04623	Cytosolic	1月27日	63/8009	1.92E-01	0.464779042	0.416461429
hsa05217	hsa05217	Basal cel	1月27日	63/8009	1.92E-01	0.464779042	0.416461429
hsa05321	hsa05321	Inflammat	1月27日	65/8009	1.98E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04664	hsa04664	Fc epsilc	1月27日	68/8009	2.06E-01	0.464779042	0.416461429
hsa05031	hsa05031	Amphetami	1月27日	69/8009	2.09E-01	0.464779042	0.416461429

hsa05230	hsa05230	Central c	1月27日	69/8009	2.09E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04622	hsa04622	RIG-I-lik	1月27日	70/8009	2.11E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04917	hsa04917	Prolactin	1月27日	70/8009	2.11E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04976	hsa04976	Bile secr	1月27日	72/8009	2.17E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04918	hsa04918	Thyroid h	1月27日	74/8009	2.22E-01	0.464779042	0.416461429
hsa01230	hsa01230	Biosynthe	1月27日	75/8009	2.25E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04971	hsa04971	Gastric a	1月27日	75/8009	2.25E-01	0.464779042	0.416461429
hsa00980	hsa00980	Metabolis	1月27日	76/8009	2.27E-01	0.464779042	0.416461429
hsa03320	hsa03320	PPAR sign	1月27日	76/8009	2.27E-01	0.464779042	0.416461429
hsa05133	hsa05133	Pertussis	1月27日	76/8009	2.27E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04610	hsa04610	Complemen	1月27日	85/8009	2.51E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04260	hsa04260	Cardiac n	1月27日	86/8009	2.53E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04512	hsa04512	ECM-recep	1月27日	88/8009	2.58E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04540	hsa04540	Gap junct	1月27日	88/8009	2.58E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04211	hsa04211	Longevity	1月27日	89/8009	2.61E-01	0.464779042	0.416461429
hsa05235	hsa05235	PD-L1 exp	1月27日	89/8009	2.61E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04060	hsa04060	Cytokine-	2月27日	294/8009	2.61E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04970	hsa04970	Salivary	1月27日	90/8009	2.63E-01	0.464779042	0.416461429
hsa05032	hsa05032	Morphine	1月27日	91/8009	2.66E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04658	hsa04658	Th1 and T	1月27日	92/8009	2.68E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04657	hsa04657	IL-17 sig	1月27日	94/8009	2.73E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04713	hsa04713	Circadian	1月27日	97/8009	2.81E-01	0.464779042	0.416461429
hsa01522	hsa01522	Endocrine	1月27日	98/8009	2.83E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04914	hsa04914	Progester	1月27日	99/8009	2.86E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04061	hsa04061	Viral prc	1月27日	100/8009	2.88E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04750	hsa04750	Inflammat	1月27日	100/8009	2.88E-01	0.464779042	0.416461429
hsa04972	hsa04972	Pancreati	1月27日	102/8009	2.93E-01	0.466389566	0.417904527
hsa04620	hsa04620	Toll-like	1月27日	104/8009	2.98E-01	0.467908191	0.419265278
hsa04928	hsa04928	Parathyrc	1月27日	106/8009	3.03E-01	0.469338764	0.420547131
hsa04080	hsa04080	Neuroacti	2月27日	340/8009	3.19E-01	0.486107102	0.435572262
hsa04724	hsa04724	Glutamate	1月27日	114/8009	3.21E-01	0.486107102	0.435572262
GO:004507	GO:004507	negative	5/65	61/18866	2.13E-06	0.002800235	0.002506369
GO:19039C	GO:19039C	negative	5/65	86/18866	1.17E-05	0.004194879	0.003754655
GO:19039C	GO:19039C	regulatic	6/65	157/18866	1.66E-05	0.004194879	0.003754655
GO:006033	GO:006033	type I in	5/65	95/18866	1.89E-05	0.004194879	0.003754655
GO:007135	GO:007135	cellular	5/65	95/18866	1.89E-05	0.004194879	0.003754655
GO:003434	GO:003434	response	5/65	99/18866	2.31E-05	0.004194879	0.003754655
GO:004506	GO:004506	regulatic	5/65	100/18866	2.43E-05	0.004194879	0.003754655
GO:000961	GO:000961	response	8/65	349/18866	2.55E-05	0.004194879	0.003754655
GO:004852	GO:004852	negative	5/65	104/18866	2.94E-05	0.004292016	0.003841598
GO:001907	GO:001907	viral gen	5/65	127/18866	7.64E-05	0.010048602	0.00899407
GO:005079	GO:005079	regulatic	6/65	217/18866	1.01E-04	0.01212998	0.010857021
GO:00439C	GO:00439C	regulatic	6/65	231/18866	1.43E-04	0.01565161	0.01400908
GO:001905	GO:001905	viral lif	7/65	341/18866	1.68E-04	0.016989517	0.015206582
GO:00516C	GO:00516C	defense r	6/65	258/18866	2.60E-04	0.024029934	0.021508155
GO:006033	GO:006033	interferc	4/65	91/18866	2.74E-04	0.024029934	0.021508155
GO:009059	GO:009059	sensory c	6/65	269/18866	3.25E-04	0.026690129	0.023889181
GO:003953	GO:003953	MDA-5 sig	2/65	10/18866	5.17E-04	0.039998023	0.035800502
GO:002152	GO:002152	ventral s	2/65	11/18866	6.30E-04	0.043643328	0.039063257
GO:006057	GO:006057	cell fate	2/65	11/18866	6.30E-04	0.043643328	0.039063257
GO:006057	GO:006057	ventral s	2/65	15/18866	1.19E-03	0.074716492	0.066875503

GO:006058GO:006058cell fate2/65	15/18866	1.19E-03	0.074716492	0.066875503
GO:002151GO:002151ventral s2/65	17/18866	1.54E-03	0.087968622	0.078736913
GO:004244GO:004244progester2/65	17/18866	1.54E-03	0.087968622	0.078736913
GO:000914GO:000914pyrimidin2/65	19/18866	1.92E-03	0.10419658	0.093261857
GO:000165GO:000165eye devel6/65	384/18866	2.05E-03	0.10419658	0.093261857
GO:004859GO:004859eye morph4/65	156/18866	2.06E-03	0.10419658	0.093261857
GO:015006GO:015006visual sy6/65	388/18866	2.16E-03	0.105453233	0.094386633
GO:004888GO:004888sensory s6/65	394/18866	2.34E-03	0.109789661	0.098267982
GO:002151GO:002151spinal cc2/65	22/18866	2.58E-03	0.11328885	0.101399955
GO:003206GO:003206regulatic2/65	22/18866	2.58E-03	0.11328885	0.101399955
GO:000914GO:000914pyrimidin2/65	23/18866	2.82E-03	0.119809684	0.107236471
GO:002151GO:002151spinal cc2/65	24/18866	3.07E-03	0.12633657	0.113078405
GO:007134GO:007134cellular 4/65	182/18866	3.59E-03	0.141622192	0.126759905
GO:000195GO:000195regulatic4/65	183/18866	3.66E-03	0.141622192	0.126759905
GO:005166GO:005166localizat3/65	95/18866	4.31E-03	0.1621004	0.145089064
GO:006075GO:006075regulatic4/65	196/18866	4.67E-03	0.170628678	0.152722357
GO:006220GO:006220regulatic3/65	99/18866	4.84E-03	0.170773149	0.152851667
GO:000622GO:000622pyrimidin2/65	31/18866	5.10E-03	0.170773149	0.152851667
GO:003952GO:003952cytoplasm2/65	31/18866	5.10E-03	0.170773149	0.152851667
GO:003434GO:003434response 4/65	202/18866	5.19E-03	0.170773149	0.152851667
GO:004301GO:004301camera-ty5/65	332/18866	5.71E-03	0.183278667	0.164044816
GO:004866GO:004866neuron fa2/65	34/18866	6.11E-03	0.191366261	0.171283671
GO:004246GO:004246eye photc2/65	35/18866	6.46E-03	0.193310557	0.173023927
GO:006033GO:006033regulatic2/65	35/18866	6.46E-03	0.193310557	0.173023927
GO:006220GO:006220positive 2/65	37/18866	7.20E-03	0.210636037	0.188531215
GO:000300GO:000300regionali5/65	355/18866	7.53E-03	0.215422882	0.192815713
GO:000820GO:000820C21-sterc2/65	40/18866	8.38E-03	0.229744764	0.205634612
GO:005128GO:005128positive 2/65	40/18866	8.38E-03	0.229744764	0.205634612
GO:003089GO:003089positive 2/65	41/18866	8.79E-03	0.231354001	0.20707497
GO:007252GO:007252pyrimidin2/65	41/18866	8.79E-03	0.231354001	0.20707497
GO:004859GO:004859camera-ty3/65	125/18866	9.20E-03	0.237393463	0.212480631
GO:004259GO:004259glucose h4/65	245/18866	1.01E-02	0.2547788	0.228041495
GO:003350GO:003350carbohydr4/65	246/18866	1.03E-02	0.2547788	0.228041495
GO:003509GO:003509response 2/65	45/18866	1.05E-02	0.256354307	0.229451663
GO:000175GO:000175eye photc2/65	46/18866	1.10E-02	0.257865717	0.230804461
GO:000622GO:000622pyrimidin2/65	46/18866	1.10E-02	0.257865717	0.230804461
GO:004246GO:004246photorece2/65	48/18866	1.19E-02	0.274890953	0.246043015
GO:002151GO:002151ventral s2/65	49/18866	1.24E-02	0.276264023	0.24727199
GO:004851GO:004851circadian2/65	49/18866	1.24E-02	0.276264023	0.24727199
GO:000196GO:000196positive 2/65	50/18866	1.29E-02	0.277727148	0.24858157
GO:000762GO:000762rhythmic 2/65	50/18866	1.29E-02	0.277727148	0.24858157
GO:000283GO:000283regulatic5/65	409/18866	1.33E-02	0.279270468	0.249962929
GO:003517GO:003517social be2/65	51/18866	1.34E-02	0.279270468	0.249962929
GO:005170GO:005170intraspec2/65	53/18866	1.44E-02	0.295809377	0.264766191
GO:001052GO:001052positive 2/65	54/18866	1.49E-02	0.299549747	0.268114035
GO:006004GO:006004retina de3/65	150/18866	1.50E-02	0.299549747	0.268114035
GO:004311GO:004311receptor 2/65	56/18866	1.60E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005073GO:005073negative 2/65	56/18866	1.60E-02	0.301526572	0.269883406
GO:002151GO:002151cell diff2/65	57/18866	1.65E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006076GO:006076positive 2/65	57/18866	1.65E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006117GO:006117regulatic2/65	57/18866	1.65E-02	0.301526572	0.269883406

GO:004327GO:004327positive 4/65	284/18866	1.66E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006004GO:006004retina mc2/65	60/18866	1.82E-02	0.301526572	0.269883406
GO:19033CGO:190330regulatic3/65	162/18866	1.84E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004557GO:004557mast cell2/65	61/18866	1.88E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004666GO:004666male sex 3/65	164/18866	1.90E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003088GO:003088regulatic2/65	62/18866	1.94E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004582GO:004582negative 2/65	62/18866	1.94E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004653GO:004653photorece2/65	63/18866	1.99E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000738GO:000738pattern s5/65	455/18866	2.02E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000687GO:000687cellular 5/65	456/18866	2.04E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003577GO:003577insulin s2/65	65/18866	2.11E-02	0.301526572	0.269883406
GO:009858GO:009858cellular 2/65	65/18866	2.11E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004508GO:004508regulatic4/65	307/18866	2.14E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000301GO:000301muscle sy5/65	467/18866	2.23E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004866GO:004866neuron fa2/65	67/18866	2.24E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005507GO:005507calcium i5/65	468/18866	2.25E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000275GO:000275cytoplasm2/65	68/18866	2.30E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004253GO:004253positive 2/65	71/18866	2.49E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00072CGO:000720positive 4/65	322/18866	2.50E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00034CGO:000340neural re2/65	72/18866	2.56E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190442GO:190442positive 2/65	72/18866	2.56E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000741GO:000741synapse a3/65	184/18866	2.56E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003412GO:003412regulatic2/65	74/18866	2.69E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00725CGO:007250cellular 5/65	492/18866	2.72E-02	0.301526572	0.269883406
GO:002195GO:002195central n3/65	192/18866	2.86E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000742GO:000742periphera2/65	77/18866	2.90E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000762GO:000762locomotor3/65	198/18866	3.09E-02	0.301526572	0.269883406
GO:20003CGO:200030regulatic2/65	80/18866	3.11E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000196GO:000196negative 2/65	81/18866	3.18E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005127GO:005127regulatic2/65	81/18866	3.18E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000222GO:000222pattern r3/65	201/18866	3.21E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000914GO:000914nucleosid2/65	82/18866	3.25E-02	0.301526572	0.269883406
GO:002195GO:002195central n2/65	82/18866	3.25E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00507CGO:005070regulatic4/65	352/18866	3.31E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000208GO:000208lens deve2/65	83/18866	3.33E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000184GO:000184neural pll/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000617GO:000617cAMP bios1/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000622GO:000622UTP biosyl/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000656GO:000656proline n1/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000913GO:000913nucleosid1/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:001569GO:001569ammonium 1/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:002156GO:002156vestibulc1/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003064GO:003064aminoglyc1/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003415GO:003415toll-like1/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003416GO:003416regulatic1/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006114GO:006114lung secr1/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007131GO:007131cellular 1/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007248GO:007248ammonium 1/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:009727GO:009727complemen1/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:20001CGO:200010regulatic1/65	10/18866	3.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005148GO:005148regulatic4/65	357/18866	3.46E-02	0.301526572	0.269883406

GO:007252GO:007252pyrimidin2/65	85/18866	3.47E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000961GO:000961response 3/65	209/18866	3.55E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00425CGO:00425Cregulatic2/65	86/18866	3.55E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000693GO:000693muscle cc4/65	362/18866	3.62E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006076GO:006076negative 2/65	87/18866	3.62E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000618GO:000618GTP biosyl/65	11/18866	3.73E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000719GO:000719adenylate1/65	11/18866	3.73E-02	0.301526572	0.269883406
GO:001904GO:001904viral lat1/65	11/18866	3.73E-02	0.301526572	0.269883406
GO:001953GO:001953oxalate t1/65	11/18866	3.73E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003386GO:003386regulatic1/65	11/18866	3.73E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004267GO:004267retinal c1/65	11/18866	3.73E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004605GO:004605UTP metabol/65	11/18866	3.73E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004654GO:004654retinal c1/65	11/18866	3.73E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006043GO:006043bronchus 1/65	11/18866	3.73E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190247GO:190247positive 1/65	11/18866	3.73E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190432GO:190432response 1/65	11/18866	3.73E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190432GO:190432cellular 1/65	11/18866	3.73E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190538GO:190538protein 11/65	11/18866	3.73E-02	0.301526572	0.269883406
GO:200055GO:200055regulatic1/65	11/18866	3.73E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000726GO:000726tyrosine 2/65	89/18866	3.78E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004642GO:004642positive 2/65	90/18866	3.86E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000184GO:000184neural tu2/65	91/18866	3.93E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00076CGO:00076Cvisual pe3/65	218/18866	3.94E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000995GO:000995anterior/3/65	219/18866	3.98E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000995GO:000995dorsal/ve2/65	92/18866	4.01E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00606CGO:00606Ctube clos2/65	92/18866	4.01E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000186GO:000186complemen1/65	12/18866	4.06E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006001GO:006001radial gl1/65	12/18866	4.06E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007107GO:007107positive 1/65	12/18866	4.06E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007134GO:007134skeletal 1/65	12/18866	4.06E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007188GO:007188macrophag1/65	12/18866	4.06E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190201GO:190201negative 1/65	12/18866	4.06E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190489GO:190489positive 2/65	93/18866	4.09E-02	0.301526572	0.269883406
GO:001715GO:001715regulatic3/65	222/18866	4.12E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005095GO:005095sensory p3/65	222/18866	4.12E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000269GO:000269positive 3/65	223/18866	4.17E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000279GO:000279regulatic4/65	381/18866	4.23E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00507CGO:00507Cnegative 2/65	95/18866	4.25E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000197GO:000197G protein1/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000292GO:000292negative 1/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000926GO:0009262'-deoxyr1/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:002155GO:002155optic ner1/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:002179GO:002179thalamus 1/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00336CGO:00336Cpositive 1/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003558GO:003558G protein1/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004575GO:004575negative 1/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004638GO:004638deoxyribc1/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004893GO:004893peripheral/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004893GO:004893peripheral/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005509GO:005509phospholil/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006034GO:006034positive 1/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406

GO:007141GO:007141cellular 1/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:009017GO:009017planar cel/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:009749GO:009749protein 11/65	13/18866	4.39E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00421CGO:004210B cell pr2/65	97/18866	4.41E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000283GO:000283negative 2/65	98/18866	4.50E-02	0.301526572	0.269883406
GO:001402GO:001402primary n2/65	98/18866	4.50E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000716GO:000716cell-matr3/65	230/18866	4.50E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00027CGO:000270positive 2/65	100/18866	4.66E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00973CGO:009730response 3/65	234/18866	4.69E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000624GO:000624CTP biosyl/65	14/18866	4.72E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000687GO:000687cellular 1/65	14/18866	4.72E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003316GO:003316histone H1/65	14/18866	4.72E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004603GO:004603CTP metab1/65	14/18866	4.72E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004694GO:004694nucleosid1/65	14/18866	4.72E-02	0.301526572	0.269883406
GO:009017GO:009017regulatic1/65	14/18866	4.72E-02	0.301526572	0.269883406
GO:015001GO:015001regulatic1/65	14/18866	4.72E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190107GO:190107guanosine1/65	14/18866	4.72E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00017CGO:000170cell fate2/65	101/18866	4.75E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000279GO:000279negative 2/65	101/18866	4.75E-02	0.301526572	0.269883406
GO:001052GO:001052regulatic2/65	101/18866	4.75E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004263GO:004263cholester2/65	101/18866	4.75E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005509GO:005509sterol hc2/65	102/18866	4.83E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004247GO:004247inner ear2/65	103/18866	4.92E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006007GO:006007excitator2/65	103/18866	4.92E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004327GO:004327response 2/65	104/18866	5.00E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000763GO:000763mechanose1/65	15/18866	5.05E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00092CGO:000920pyrimidin1/65	15/18866	5.05E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003574GO:003574T-helper 1/65	15/18866	5.05E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004257GO:004257retinal n1/65	15/18866	5.05E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006002GO:006002convergen1/65	15/18866	5.05E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006013GO:006013prepulse 1/65	15/18866	5.05E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007057GO:007057negative 1/65	15/18866	5.05E-02	0.301526572	0.269883406
GO:009017GO:009017establish1/65	15/18866	5.05E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000184GO:000184neural tu2/65	106/18866	5.17E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004692GO:004692regulatic2/65	106/18866	5.17E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00509CGO:005090neuromusc2/65	107/18866	5.26E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000722GO:000722integrin-2/65	108/18866	5.35E-02	0.301526572	0.269883406
GO:001635GO:001635dendrite 3/65	247/18866	5.36E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000283GO:000283positive 1/65	16/18866	5.37E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00092CGO:000920pyrimidin1/65	16/18866	5.37E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000926GO:000926deoxyribc1/65	16/18866	5.37E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003222GO:003222regulatic1/65	16/18866	5.37E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00330CGO:003300positive 1/65	16/18866	5.37E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003303GO:003303negative 1/65	16/18866	5.37E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003411GO:003411positive 1/65	16/18866	5.37E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004248GO:004248regulatic1/65	16/18866	5.37E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004253GO:004253negative 1/65	16/18866	5.37E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00433CGO:004330positive 1/65	16/18866	5.37E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00800CGO:008000mRNA meth1/65	16/18866	5.37E-02	0.301526572	0.269883406
GO:002151GO:002151spinal cc2/65	109/18866	5.44E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000914GO:000914nucleosid2/65	110/18866	5.53E-02	0.301526572	0.269883406

GO:000908GO:000908glutamine1/65	17/18866	5.70E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003029GO:003029intestinal/65	17/18866	5.70E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00310CGO:003100response 1/65	17/18866	5.70E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004224GO:004224establish1/65	17/18866	5.70E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004453GO:004453long-chain1/65	17/18866	5.70E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004476GO:004476multi-org1/65	17/18866	5.70E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005507GO:005507copper ic1/65	17/18866	5.70E-02	0.301526572	0.269883406
GO:014035GO:014035lipid imp1/65	17/18866	5.70E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190167GO:190167regulatic1/65	17/18866	5.70E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190235GO:190235sulfate t1/65	17/18866	5.70E-02	0.301526572	0.269883406
GO:009956GO:009956chemical 2/65	112/18866	5.70E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00070CGO:000700plasma me2/65	113/18866	5.79E-02	0.301526572	0.269883406
GO:009869GO:009869regulatic2/65	114/18866	5.89E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000681GO:000681calcium i4/65	426/18866	5.92E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000682GO:000682copper ic1/65	18/18866	6.03E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000759GO:000759blood coal/65	18/18866	6.03E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000827GO:000827sulfate t1/65	18/18866	6.03E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00092CGO:000920deoxyribc1/65	18/18866	6.03E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003419GO:003419activatic1/65	18/18866	6.03E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003537GO:003537protein ll/65	18/18866	6.03E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003599GO:003599response 1/65	18/18866	6.03E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004301GO:004301myeloid dl/65	18/18866	6.03E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004321GO:004321myelin mal/65	18/18866	6.03E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004518GO:004518regulatic1/65	18/18866	6.03E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007178GO:007178endoplasm1/65	18/18866	6.03E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190527GO:190527regulatic1/65	18/18866	6.03E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004218GO:004218cellular 3/65	260/18866	6.06E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00321CGO:003210negative 4/65	433/18866	6.21E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00508CGO:005080synapse c4/65	433/18866	6.21E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005073GO:005073regulatic3/65	263/18866	6.23E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00512CGO:005120release c2/65	118/18866	6.25E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003432GO:003432cell junc4/65	434/18866	6.25E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005128GO:005128negative 2/65	119/18866	6.35E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000921GO:000921pyrimidin1/65	19/18866	6.35E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003634GO:003634post-anal1/65	19/18866	6.35E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003953GO:003953regulatic1/65	19/18866	6.35E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004205GO:004205regulatic1/65	19/18866	6.35E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004206GO:004206regulatic1/65	19/18866	6.35E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00509CGO:005090detection1/65	19/18866	6.35E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005096GO:005096detection1/65	19/18866	6.35E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00550CGO:005500cardiac m1/65	19/18866	6.35E-02	0.301526572	0.269883406
GO:009885GO:009885intestinal/65	19/18866	6.35E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000916GO:000916nucleotid3/65	266/18866	6.40E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005158GO:005158regulatic2/65	120/18866	6.44E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000761GO:000761memory 2/65	121/18866	6.53E-02	0.301526572	0.269883406
GO:001607GO:001607synaptic 2/65	121/18866	6.53E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005128GO:005128regulatic2/65	121/18866	6.53E-02	0.301526572	0.269883406
GO:012025GO:012025olefinic 2/65	121/18866	6.53E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003134GO:003134negative 3/65	269/18866	6.57E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190129GO:190129nucleosid3/65	269/18866	6.57E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004547GO:004547response 2/65	122/18866	6.63E-02	0.301526572	0.269883406

GO:005192GO:005192positive 2/65	122/18866	6.63E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000272GO:000272positive 1/65	20/18866	6.67E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003272GO:003272positive 1/65	20/18866	6.67E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007107GO:007107regulatic1/65	20/18866	6.67E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190264GO:190264tertiary 1/65	20/18866	6.67E-02	0.301526572	0.269883406
GO:200019GO:200019positive 1/65	20/18866	6.67E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004247GO:004247ear morph2/65	123/18866	6.72E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000181GO:000181positive 4/65	447/18866	6.81E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004343GO:004343response 4/65	447/18866	6.81E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00512CGO:005120sequester2/65	124/18866	6.82E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000183GO:000183embryonic2/65	125/18866	6.91E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000301GO:000301renal sys2/65	125/18866	6.91E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004856GO:004856embryonic4/65	451/18866	6.99E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000269GO:000269positive 1/65	21/18866	6.99E-02	0.301526572	0.269883406
GO:001613GO:001613glycoside1/65	21/18866	6.99E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003545GO:003545response 1/65	21/18866	6.99E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004424GO:004424lipid dig1/65	21/18866	6.99E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190488GO:190488beta-cate1/65	21/18866	6.99E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000754GO:000754sex diffe3/65	280/18866	7.22E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190165GO:190165glycosyl 2/65	129/18866	7.30E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000208GO:000208lens morp1/65	22/18866	7.32E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000692GO:000692inflammat1/65	22/18866	7.32E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000919GO:000919cyclic nul/65	22/18866	7.32E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000922GO:000922pyrimidin1/65	22/18866	7.32E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00330CGO:003300positive 1/65	22/18866	7.32E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003361GO:003361mitochond1/65	22/18866	7.32E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003953GO:003953regulatic1/65	22/18866	7.32E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004274GO:004274regulatic1/65	22/18866	7.32E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004565GO:004565regulatic1/65	22/18866	7.32E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004605GO:004605cAMP meta1/65	22/18866	7.32E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00508CGO:005080circadian1/65	22/18866	7.32E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005265GO:005265cyclic pul/65	22/18866	7.32E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006048GO:006048lung epit1/65	22/18866	7.32E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003286GO:003286response 3/65	283/18866	7.41E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00093CGO:000930protein s4/65	462/18866	7.49E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003559GO:003559establish4/65	463/18866	7.54E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000727GO:000727neuromusc1/65	23/18866	7.64E-02	0.301526572	0.269883406
GO:001015GO:001015regulatic1/65	23/18866	7.64E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003574GO:003574CD4-posit1/65	23/18866	7.64E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004245GO:004245purine nul/65	23/18866	7.64E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004245GO:004245ribonucle1/65	23/18866	7.64E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004612GO:004612purine ril/65	23/18866	7.64E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005086GO:005086negative 1/65	23/18866	7.64E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006047GO:006047lung cell1/65	23/18866	7.64E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000616GO:000616nucleosid2/65	133/18866	7.70E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007217GO:007217epithelia2/65	133/18866	7.70E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000749GO:000749mesoderm 2/65	134/18866	7.80E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003475GO:003475cellular 2/65	134/18866	7.80E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007133GO:007133cellular 2/65	134/18866	7.80E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000269GO:000269regulatic4/65	470/18866	7.87E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007169GO:007169protein 14/65	470/18866	7.87E-02	0.301526572	0.269883406

GO:004693GO:004693nucleotid2/65	135/18866	7.90E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007083GO:007083divalent 4/65	471/18866	7.92E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000921GO:000921pyrimidin1/65	24/18866	7.95E-02	0.301526572	0.269883406
GO:001655GO:001655mRNA modif/65	24/18866	7.95E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003134GO:003134negative 1/65	24/18866	7.95E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003412GO:003412positive 1/65	24/18866	7.95E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004874GO:004874smooth mul/65	24/18866	7.95E-02	0.301526572	0.269883406
GO:009010GO:009010cochlea n1/65	24/18866	7.95E-02	0.301526572	0.269883406
GO:009016GO:009016regulatic1/65	24/18866	7.95E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005067GO:005067positive 2/65	136/18866	8.00E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007133GO:007133cellular 2/65	136/18866	8.00E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003053GO:003053adult beh2/65	137/18866	8.10E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003294GO:003294positive 2/65	137/18866	8.10E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007132GO:007132cellular 2/65	137/18866	8.10E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000270GO:000270positive 2/65	138/18866	8.20E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007251GO:007251divalent 4/65	478/18866	8.26E-02	0.301526572	0.269883406
GO:001084GO:001084retina la1/65	25/18866	8.27E-02	0.301526572	0.269883406
GO:002241GO:002241circadian1/65	25/18866	8.27E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003264GO:003264regulatic1/65	25/18866	8.27E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003416GO:003416toll-like1/65	25/18866	8.27E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003952GO:003952RIG-I sig1/65	25/18866	8.27E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004330GO:004330positive 1/65	25/18866	8.27E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004603GO:004603GTP metab1/65	25/18866	8.27E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005189GO:005189positive 1/65	25/18866	8.27E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006033GO:006033regulatic1/65	25/18866	8.27E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006033GO:006033regulatic1/65	25/18866	8.27E-02	0.301526572	0.269883406
GO:009755GO:009755calcium i2/65	140/18866	8.41E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000740GO:000740axonogene4/65	482/18866	8.45E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000858GO:000858male gona2/65	141/18866	8.51E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000958GO:000958detection2/65	141/18866	8.51E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000670GO:000670C21-sterc1/65	26/18866	8.59E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000853GO:000853respiratc1/65	26/18866	8.59E-02	0.301526572	0.269883406
GO:002188GO:002188forebrain1/65	26/18866	8.59E-02	0.301526572	0.269883406
GO:002195GO:002195central n1/65	26/18866	8.59E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003411GO:003411regulatic1/65	26/18866	8.59E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004273GO:004273fibrinoly1/65	26/18866	8.59E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004283GO:004283defense r1/65	26/18866	8.59E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006021GO:006021camera-ty1/65	26/18866	8.59E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007063GO:007063transepit1/65	26/18866	8.59E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007137GO:007137cellular 1/65	26/18866	8.59E-02	0.301526572	0.269883406
GO:014005GO:014005neuron pr1/65	26/18866	8.59E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004856GO:004856embryonic3/65	302/18866	8.61E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004642GO:004642regulatic2/65	142/18866	8.61E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004654GO:004654developme2/65	142/18866	8.61E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190352GO:190352regulatic3/65	303/18866	8.67E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003476GO:003476regulatic4/65	489/18866	8.80E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004851GO:004851rhythmic 3/65	305/18866	8.81E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000270GO:000270regulatic2/65	144/18866	8.82E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000958GO:000958detection2/65	144/18866	8.82E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006007GO:006007regulatic2/65	144/18866	8.82E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000156GO:000156response 1/65	27/18866	8.90E-02	0.301526572	0.269883406

GO:000196GO:000196synaptic 1/65	27/18866	8.90E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000202GO:000202regulatic1/65	27/18866	8.90E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000651GO:000651glycoprot1/65	27/18866	8.90E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000762GO:000762adult wall/65	27/18866	8.90E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00326CGO:003260interferc1/65	27/18866	8.90E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004248GO:004248regulatic1/65	27/18866	8.90E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004642GO:004642negative 1/65	27/18866	8.90E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004866GO:004866collateral1/65	27/18866	8.90E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190247GO:190247regulatic1/65	27/18866	8.90E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007132GO:007132cellular 2/65	145/18866	8.92E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004881GO:004881dendrite 2/65	146/18866	9.03E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190406GO:190406positive 2/65	147/18866	9.13E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000196GO:000196startle r1/65	28/18866	9.22E-02	0.301526572	0.269883406
GO:002201GO:002201myelinatil/65	28/18866	9.22E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003229GO:003229peripheral/65	28/18866	9.22E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004274GO:004274circadian1/65	28/18866	9.22E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007237GO:007237protein a1/65	28/18866	9.22E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007237GO:007237blood coal/65	28/18866	9.22E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00902CGO:009020positive 1/65	28/18866	9.22E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00955CGO:009550acetylchc1/65	28/18866	9.22E-02	0.301526572	0.269883406
GO:200019GO:200019regulatic1/65	28/18866	9.22E-02	0.301526572	0.269883406
GO:200046GO:200046positive 1/65	28/18866	9.22E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007058GO:007058calcium i3/65	312/18866	9.27E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00226CGO:002260regulatic4/65	499/18866	9.31E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003514GO:003514tube form2/65	150/18866	9.45E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007066GO:007066positive 2/65	150/18866	9.45E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000177GO:000177myeloid d1/65	29/18866	9.53E-02	0.301526572	0.269883406
GO:001572GO:001572bile acid1/65	29/18866	9.53E-02	0.301526572	0.269883406
GO:00216CGO:002160cranial n1/65	29/18866	9.53E-02	0.301526572	0.269883406
GO:003303GO:003303regulatic1/65	29/18866	9.53E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004303GO:004303positive 1/65	29/18866	9.53E-02	0.301526572	0.269883406
GO:004824GO:004824sperm cap1/65	29/18866	9.53E-02	0.301526572	0.269883406
GO:006109GO:006109negative 1/65	29/18866	9.53E-02	0.301526572	0.269883406
GO:007007GO:007007histone l1/65	29/18866	9.53E-02	0.301526572	0.269883406
GO:009065GO:009065walking b1/65	29/18866	9.53E-02	0.301526572	0.269883406
GO:015011GO:015011positive 1/65	29/18866	9.53E-02	0.301526572	0.269883406
GO:001633GO:001633morphogen2/65	151/18866	9.55E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005087GO:005087positive 2/65	151/18866	9.55E-02	0.301526572	0.269883406
GO:005122GO:005122negative 2/65	151/18866	9.55E-02	0.301526572	0.269883406
GO:190489GO:190489regulatic2/65	151/18866	9.55E-02	0.301526572	0.269883406
GO:000222GO:000222toll-like2/65	152/18866	9.66E-02	0.301947143	0.27025984
GO:190316GO:190316regulatic2/65	152/18866	9.66E-02	0.301947143	0.27025984
GO:000167GO:000167cellular 2/65	153/18866	9.77E-02	0.301947143	0.27025984
GO:000727GO:000727synaptic 1/65	30/18866	9.84E-02	0.301947143	0.27025984
GO:001657GO:001657histone d1/65	30/18866	9.84E-02	0.301947143	0.27025984
GO:003051GO:003051positive 1/65	30/18866	9.84E-02	0.301947143	0.27025984
GO:003272GO:003272positive 1/65	30/18866	9.84E-02	0.301947143	0.27025984
GO:003566GO:003566TRIF-depel/65	30/18866	9.84E-02	0.301947143	0.27025984
GO:012003GO:012003negative 1/65	30/18866	9.84E-02	0.301947143	0.27025984
GO:190384GO:190384positive 1/65	30/18866	9.84E-02	0.301947143	0.27025984
GO:190514GO:190514response 1/65	30/18866	9.84E-02	0.301947143	0.27025984

GO:190514GO:190514cellular 1/65	30/18866	9.84E-02	0.301947143	0.27025984
GO:000913GO:000913nucleosid2/65	155/18866	9.98E-02	0.304820015	0.272831224
GO:190495GO:190495negative 2/65	155/18866	9.98E-02	0.304820015	0.272831224
GO:000282GO:000282regulatic1/65	31/18866	1.02E-01	0.307194535	0.274956554
GO:000939GO:0009392'-deoxyr1/65	31/18866	1.02E-01	0.307194535	0.274956554
GO:001404GO:001404Schwann c1/65	31/18866	1.02E-01	0.307194535	0.274956554
GO:005085GO:005085negative 1/65	31/18866	1.02E-01	0.307194535	0.274956554
GO:006040GO:006040calcium i2/65	158/18866	1.03E-01	0.309460694	0.276984895
GO:005077GO:005077negative 2/65	159/18866	1.04E-01	0.309460694	0.276984895
GO:000272GO:000272regulatic1/65	32/18866	1.05E-01	0.309460694	0.276984895
GO:000648GO:000648protein d1/65	32/18866	1.05E-01	0.309460694	0.276984895
GO:000821GO:000821protein d1/65	32/18866	1.05E-01	0.309460694	0.276984895
GO:004330GO:004330regulatic1/65	32/18866	1.05E-01	0.309460694	0.276984895
GO:004632GO:004632regulatic1/65	32/18866	1.05E-01	0.309460694	0.276984895
GO:007052GO:007052protein k1/65	32/18866	1.05E-01	0.309460694	0.276984895
GO:007057GO:007057regulatic1/65	32/18866	1.05E-01	0.309460694	0.276984895
GO:007135GO:007135cellular 1/65	32/18866	1.05E-01	0.309460694	0.276984895
GO:003476GO:003476positive 2/65	161/18866	1.06E-01	0.31226816	0.279497737
GO:000269GO:000269regulatic1/65	33/18866	1.08E-01	0.31226816	0.279497737
GO:000637GO:0006377-methylg1/65	33/18866	1.08E-01	0.31226816	0.279497737
GO:001969GO:001969deoxyribc1/65	33/18866	1.08E-01	0.31226816	0.279497737
GO:003300GO:003300regulatic1/65	33/18866	1.08E-01	0.31226816	0.279497737
GO:003302GO:003302myeloid c1/65	33/18866	1.08E-01	0.31226816	0.279497737
GO:003559GO:003559purinergil/65	33/18866	1.08E-01	0.31226816	0.279497737
GO:012025GO:012025olefinic 1/65	33/18866	1.08E-01	0.31226816	0.279497737
GO:190489GO:190489negative 1/65	33/18866	1.08E-01	0.31226816	0.279497737
GO:003249GO:003249response 3/65	334/18866	1.08E-01	0.31226816	0.279497737
GO:002191GO:002191neural tu2/65	163/18866	1.09E-01	0.31226816	0.279497737
GO:005508GO:005508lipid hor2/65	163/18866	1.09E-01	0.31226816	0.279497737
GO:000725GO:000725receptor 2/65	164/18866	1.10E-01	0.31226816	0.279497737
GO:000275GO:000275MyD88-ind1/65	34/18866	1.11E-01	0.31226816	0.279497737
GO:000288GO:000288positive 1/65	34/18866	1.11E-01	0.31226816	0.279497737
GO:000945GO:0009457-methylg1/65	34/18866	1.11E-01	0.31226816	0.279497737
GO:003043GO:003043sleep 1/65	34/18866	1.11E-01	0.31226816	0.279497737
GO:003626GO:003626RNA cappil/65	34/18866	1.11E-01	0.31226816	0.279497737
GO:004590GO:004590positive 1/65	34/18866	1.11E-01	0.31226816	0.279497737
GO:005148GO:005148positive 1/65	34/18866	1.11E-01	0.31226816	0.279497737
GO:006023GO:006023regulatic1/65	34/18866	1.11E-01	0.31226816	0.279497737
GO:200035GO:200035negative 1/65	34/18866	1.11E-01	0.31226816	0.279497737
GO:190353GO:190353negative 2/65	166/18866	1.12E-01	0.313530908	0.280627968
GO:000647GO:000647protein A1/65	35/18866	1.14E-01	0.313530908	0.280627968
GO:000926GO:000926deoxyribc1/65	35/18866	1.14E-01	0.313530908	0.280627968
GO:001404GO:001404dopamine 1/65	35/18866	1.14E-01	0.313530908	0.280627968
GO:001405GO:001405regulatic1/65	35/18866	1.14E-01	0.313530908	0.280627968
GO:001648GO:001648peptide h1/65	35/18866	1.14E-01	0.313530908	0.280627968
GO:004833GO:004833mesodermal/65	35/18866	1.14E-01	0.313530908	0.280627968
GO:007067GO:007067response 1/65	35/18866	1.14E-01	0.313530908	0.280627968
GO:007131GO:007131cellular 1/65	35/18866	1.14E-01	0.313530908	0.280627968
GO:014044GO:014044signaling1/65	35/18866	1.14E-01	0.313530908	0.280627968
GO:000281GO:000281regulatic2/65	168/18866	1.14E-01	0.313530908	0.280627968
GO:000715GO:000715homophili2/65	168/18866	1.14E-01	0.313530908	0.280627968

GO:000275GO:000275MyD88-dep1/65	36/18866	1.17E-01	0.317305898	0.284006799
GO:002195GO:002195central n1/65	36/18866	1.17E-01	0.317305898	0.284006799
GO:003376GO:003376response 1/65	36/18866	1.17E-01	0.317305898	0.284006799
GO:004667GO:004667negative 1/65	36/18866	1.17E-01	0.317305898	0.284006799
GO:007163GO:007163regulatic1/65	36/18866	1.17E-01	0.317305898	0.284006799
GO:190166GO:190166quinone n1/65	36/18866	1.17E-01	0.317305898	0.284006799
GO:005080GO:005080positive 2/65	172/18866	1.19E-01	0.320293877	0.286681209
GO:000915GO:000915purine ri2/65	173/18866	1.20E-01	0.320293877	0.286681209
GO:009917GO:009917postsynap2/65	173/18866	1.20E-01	0.320293877	0.286681209
GO:004694GO:004694carboxyli3/65	350/18866	1.20E-01	0.320293877	0.286681209
GO:000309GO:000309renal wat1/65	37/18866	1.20E-01	0.320293877	0.286681209
GO:001700GO:001700cytochrom1/65	37/18866	1.20E-01	0.320293877	0.286681209
GO:006042GO:006042lung epit1/65	37/18866	1.20E-01	0.320293877	0.286681209
GO:009892GO:009892postsynap1/65	37/18866	1.20E-01	0.320293877	0.286681209
GO:001571GO:001571monocarbc2/65	174/18866	1.21E-01	0.320599538	0.286954793
GO:009769GO:009769receptor 2/65	174/18866	1.21E-01	0.320599538	0.286954793
GO:000726GO:000726neurotran2/65	175/18866	1.22E-01	0.320599538	0.286954793
GO:009964GO:009964signal re2/65	175/18866	1.22E-01	0.320599538	0.286954793
GO:001584GO:001584organic a3/65	353/18866	1.22E-01	0.320599538	0.286954793
GO:001943GO:001943triglycer1/65	38/18866	1.23E-01	0.320599538	0.286954793
GO:003022GO:003022monocyte 1/65	38/18866	1.23E-01	0.320599538	0.286954793
GO:003273GO:003273positive 1/65	38/18866	1.23E-01	0.320599538	0.286954793
GO:005195GO:005195positive 1/65	38/18866	1.23E-01	0.320599538	0.286954793
GO:007160GO:007160transform1/65	38/18866	1.23E-01	0.320599538	0.286954793
GO:009022GO:009022regulatic1/65	38/18866	1.23E-01	0.320599538	0.286954793
GO:190313GO:190313mononucle1/65	38/18866	1.23E-01	0.320599538	0.286954793
GO:000223GO:000223response 3/65	356/18866	1.24E-01	0.322110801	0.288307459
GO:005125GO:005125positive 3/65	357/18866	1.25E-01	0.322110801	0.288307459
GO:006040GO:006040cytosolic2/65	178/18866	1.25E-01	0.322110801	0.288307459
GO:000665GO:000665phosphatil/65	39/18866	1.26E-01	0.322110801	0.288307459
GO:000719GO:000719activatic1/65	39/18866	1.26E-01	0.322110801	0.288307459
GO:000916GO:000916nucleosid1/65	39/18866	1.26E-01	0.322110801	0.288307459
GO:001403GO:001403Schwann c1/65	39/18866	1.26E-01	0.322110801	0.288307459
GO:004209GO:004209type 2 in1/65	39/18866	1.26E-01	0.322110801	0.288307459
GO:190106GO:190106guanosine1/65	39/18866	1.26E-01	0.322110801	0.288307459
GO:190211GO:190211negative 1/65	39/18866	1.26E-01	0.322110801	0.288307459
GO:003158GO:003158cell-subs3/65	359/18866	1.27E-01	0.323039849	0.289139011
GO:005079GO:005079regulatic2/65	181/18866	1.29E-01	0.326022675	0.29180881
GO:000918GO:000918cyclic nu1/65	40/18866	1.29E-01	0.326022675	0.29180881
GO:003289GO:003289positive 1/65	40/18866	1.29E-01	0.326022675	0.29180881
GO:004241GO:004241dopamine 1/65	40/18866	1.29E-01	0.326022675	0.29180881
GO:005089GO:005089intestinal/65	40/18866	1.29E-01	0.326022675	0.29180881
GO:000244GO:000244lymphocyt3/65	366/18866	1.32E-01	0.329195202	0.294648401
GO:000194GO:000194postsynap1/65	41/18866	1.32E-01	0.329195202	0.294648401
GO:000721GO:000721dopamine 1/65	41/18866	1.32E-01	0.329195202	0.294648401
GO:004549GO:004549photorecel/65	41/18866	1.32E-01	0.329195202	0.294648401
GO:005091GO:005091sensory p1/65	41/18866	1.32E-01	0.329195202	0.294648401
GO:005135GO:005135negative 1/65	41/18866	1.32E-01	0.329195202	0.294648401
GO:190204GO:190204negative 1/65	41/18866	1.32E-01	0.329195202	0.294648401
GO:000926GO:000926ribonucle2/65	186/18866	1.35E-01	0.33501789	0.299860038
GO:009027GO:009027negative 1/65	42/18866	1.35E-01	0.33501789	0.299860038

GO:000246GO:000246adaptive 3/65	370/18866	1.35E-01	0.33501789	0.299860038
GO:003134GO:003134negative 2/65	188/18866	1.37E-01	0.337725263	0.30228329
GO:004312GO:004312positive 2/65	188/18866	1.37E-01	0.337725263	0.30228329
GO:000236GO:000236T cell cyl/65	43/18866	1.38E-01	0.337725263	0.30228329
GO:001570GO:001570bicarbona1/65	43/18866	1.38E-01	0.337725263	0.30228329
GO:005085GO:005085regulatic1/65	43/18866	1.38E-01	0.337725263	0.30228329
GO:190165GO:190165glycosyl 1/65	43/18866	1.38E-01	0.337725263	0.30228329
GO:000736GO:000736gastrulat2/65	189/18866	1.38E-01	0.337725263	0.30228329
GO:001810GO:001810peptidyl-3/65	374/18866	1.38E-01	0.337725263	0.30228329
GO:005104GO:005104negative 2/65	190/18866	1.39E-01	0.339681116	0.30403389
GO:001821GO:001821peptidyl-3/65	377/18866	1.41E-01	0.341188021	0.305382655
GO:003300GO:003300regulatic1/65	44/18866	1.41E-01	0.341188021	0.305382655
GO:004218GO:004218ketone bil/65	44/18866	1.41E-01	0.341188021	0.305382655
GO:009702GO:009702dendritic1/65	44/18866	1.41E-01	0.341188021	0.305382655
GO:006113GO:006113regulatic2/65	193/18866	1.43E-01	0.344169608	0.308051345
GO:000263GO:000263positive 1/65	45/18866	1.44E-01	0.344169608	0.308051345
GO:003236GO:003236intracell1/65	45/18866	1.44E-01	0.344169608	0.308051345
GO:004521GO:004521sarcomere1/65	45/18866	1.44E-01	0.344169608	0.308051345
GO:007258GO:007258clathrin-1/65	45/18866	1.44E-01	0.344169608	0.308051345
GO:009881GO:009881modulatic1/65	45/18866	1.44E-01	0.344169608	0.308051345
GO:004639GO:004639ribose ph2/65	194/18866	1.44E-01	0.344169608	0.308051345
GO:005073GO:005073positive 2/65	195/18866	1.45E-01	0.345610683	0.309341189
GO:005086GO:005086regulatic2/65	195/18866	1.45E-01	0.345610683	0.309341189
GO:000170GO:000170in utero 3/65	383/18866	1.45E-01	0.345610683	0.309341189
GO:005098GO:005098detection1/65	46/18866	1.47E-01	0.348251038	0.311704456
GO:000616GO:000616purine nu2/65	197/18866	1.48E-01	0.348251038	0.311704456
GO:000974GO:000974response 2/65	197/18866	1.48E-01	0.348251038	0.311704456
GO:004883GO:004883inner ear2/65	197/18866	1.48E-01	0.348251038	0.311704456
GO:000854GO:000854visual le1/65	47/18866	1.50E-01	0.351355763	0.314483362
GO:004330GO:004330regulatic1/65	47/18866	1.50E-01	0.351355763	0.314483362
GO:004330GO:004330mast cell1/65	47/18866	1.50E-01	0.351355763	0.314483362
GO:009950GO:009950synaptic 2/65	199/18866	1.50E-01	0.351355763	0.314483362
GO:190188GO:190188regulatic2/65	200/18866	1.51E-01	0.352159026	0.315202327
GO:000227GO:000227mast cell1/65	48/18866	1.53E-01	0.352159026	0.315202327
GO:000820GO:000820bile acid1/65	48/18866	1.53E-01	0.352159026	0.315202327
GO:003264GO:003264regulatic1/65	48/18866	1.53E-01	0.352159026	0.315202327
GO:004222GO:004222response 1/65	48/18866	1.53E-01	0.352159026	0.315202327
GO:004646GO:004646neutral 11/65	48/18866	1.53E-01	0.352159026	0.315202327
GO:004646GO:004646acylglyce1/65	48/18866	1.53E-01	0.352159026	0.315202327
GO:190403GO:190403negative 1/65	48/18866	1.53E-01	0.352159026	0.315202327
GO:000686GO:000686lipid tra3/65	393/18866	1.54E-01	0.352159026	0.315202327
GO:000974GO:000974response 2/65	202/18866	1.54E-01	0.352159026	0.315202327
GO:000206GO:000206glandular1/65	49/18866	1.56E-01	0.352159026	0.315202327
GO:000244GO:000244mast cell1/65	49/18866	1.56E-01	0.352159026	0.315202327
GO:000669GO:000669prostanoid1/65	49/18866	1.56E-01	0.352159026	0.315202327
GO:000669GO:000669prostagla1/65	49/18866	1.56E-01	0.352159026	0.315202327
GO:001587GO:001587dopamine 1/65	49/18866	1.56E-01	0.352159026	0.315202327
GO:006071GO:006071labyrinth1/65	49/18866	1.56E-01	0.352159026	0.315202327
GO:007234GO:007234sulfur cc1/65	49/18866	1.56E-01	0.352159026	0.315202327
GO:009019GO:009019regulatic1/65	49/18866	1.56E-01	0.352159026	0.315202327
GO:012017GO:012017steroid h1/65	49/18866	1.56E-01	0.352159026	0.315202327

GO:20001CGO:200010negative 1/65	49/18866	1.56E-01	0.352159026	0.315202327
GO:003563GO:003563multicell2/65	206/18866	1.58E-01	0.352159026	0.315202327
GO:000177GO:000177microglial/65	50/18866	1.59E-01	0.352159026	0.315202327
GO:000226GO:000226leukocyte1/65	50/18866	1.59E-01	0.352159026	0.315202327
GO:000271GO:000271positive 1/65	50/18866	1.59E-01	0.352159026	0.315202327
GO:000752GO:000752neuromuscl/65	50/18866	1.59E-01	0.352159026	0.315202327
GO:001071GO:001071positive 1/65	50/18866	1.59E-01	0.352159026	0.315202327
GO:003019GO:003019negative 1/65	50/18866	1.59E-01	0.352159026	0.315202327
GO:00326CGO:003260interfercl/65	50/18866	1.59E-01	0.352159026	0.315202327
GO:005087GO:005087brown fat1/65	50/18866	1.59E-01	0.352159026	0.315202327
GO:009905GO:009905presynaps1/65	50/18866	1.59E-01	0.352159026	0.315202327
GO:190372GO:190372positive 1/65	50/18866	1.59E-01	0.352159026	0.315202327
GO:003428GO:003428response 2/65	207/18866	1.60E-01	0.353247554	0.316176622
GO:007252GO:007252purine-cc2/65	208/18866	1.61E-01	0.353247554	0.316176622
GO:002154GO:002154cranial n1/65	51/18866	1.62E-01	0.353247554	0.316176622
GO:002187GO:002187forebrain1/65	51/18866	1.62E-01	0.353247554	0.316176622
GO:004814GO:004814positive 1/65	51/18866	1.62E-01	0.353247554	0.316176622
GO:004825GO:004825mRNA stab1/65	51/18866	1.62E-01	0.353247554	0.316176622
GO:005088GO:005088neuromuscl/65	51/18866	1.62E-01	0.353247554	0.316176622
GO:00901CGO:009010cochlea d1/65	51/18866	1.62E-01	0.353247554	0.316176622
GO:190004GO:190004negative 1/65	51/18866	1.62E-01	0.353247554	0.316176622
GO:000257GO:000257myeloid 12/65	210/18866	1.63E-01	0.355792731	0.3184547
GO:003476GO:003476positive 2/65	210/18866	1.63E-01	0.355792731	0.3184547
GO:000269GO:000269positive 3/65	406/18866	1.64E-01	0.356082232	0.31871382
GO:000994GO:000994anterior/1/65	52/18866	1.64E-01	0.356082232	0.31871382
GO:200123GO:200123positive 1/65	52/18866	1.64E-01	0.356082232	0.31871382
GO:00027CGO:000270regulatic2/65	211/18866	1.65E-01	0.356082232	0.31871382
GO:003007GO:003007insulin s2/65	213/18866	1.67E-01	0.359323804	0.321615211
GO:009027GO:009027regulatic2/65	213/18866	1.67E-01	0.359323804	0.321615211
GO:000763GO:000763visual be1/65	53/18866	1.67E-01	0.359323804	0.321615211
GO:007269GO:007269protein 11/65	53/18866	1.67E-01	0.359323804	0.321615211
GO:009917GO:009917presynaps1/65	53/18866	1.67E-01	0.359323804	0.321615211
GO:004328GO:004328regulatic2/65	215/18866	1.69E-01	0.363055867	0.32495562
GO:000658GO:000658catecholal/65	54/18866	1.70E-01	0.363130174	0.325022128
GO:000971GO:000971catechol-1/65	54/18866	1.70E-01	0.363130174	0.325022128
GO:003085GO:003085negative 1/65	54/18866	1.70E-01	0.363130174	0.325022128
GO:005165GO:005165maintenan2/65	216/18866	1.71E-01	0.363310846	0.32518384
GO:000762GO:000762circadian2/65	218/18866	1.73E-01	0.365689027	0.327312447
GO:000195GO:000195positive 1/65	55/18866	1.73E-01	0.365689027	0.327312447
GO:000272GO:000272positive 1/65	55/18866	1.73E-01	0.365689027	0.327312447
GO:005043GO:005043regulatic1/65	55/18866	1.73E-01	0.365689027	0.327312447
GO:005081GO:005081negative 1/65	55/18866	1.73E-01	0.365689027	0.327312447
GO:000007GO:000007cell cycl2/65	219/18866	1.74E-01	0.366988032	0.32847513
GO:005067GO:005067regulatic2/65	219/18866	1.74E-01	0.366988032	0.32847513
GO:00990CGO:009900vesicle-n2/65	220/18866	1.76E-01	0.368178654	0.329540805
GO:000175GO:000175neural cr1/65	56/18866	1.76E-01	0.368178654	0.329540805
GO:190201GO:190201regulatic1/65	56/18866	1.76E-01	0.368178654	0.329540805
GO:19033CGO:190330positive 1/65	56/18866	1.76E-01	0.368178654	0.329540805
GO:003294GO:003294regulatic2/65	221/18866	1.77E-01	0.368628881	0.329943783
GO:004244GO:004244hormone n2/65	221/18866	1.77E-01	0.368628881	0.329943783
GO:005086GO:005086positive 3/65	421/18866	1.77E-01	0.36863749	0.329951489

GO:001974GO:001974secondary1/65	57/18866	1.79E-01	0.37001838	0.331187464
GO:004438GO:004438protein 11/65	57/18866	1.79E-01	0.37001838	0.331187464
GO:005043GO:005043catecholal/65	57/18866	1.79E-01	0.37001838	0.331187464
GO:00989CGO:00989Cregulatic1/65	57/18866	1.79E-01	0.37001838	0.331187464
GO:00084CGO:00084Cgonad dev2/65	223/18866	1.79E-01	0.370250527	0.331395249
GO:004358GO:004358ear devel2/65	224/18866	1.80E-01	0.370700086	0.331797629
GO:000201GO:000201morphogen1/65	58/18866	1.82E-01	0.370700086	0.331797629
GO:000288GO:000288regulatic1/65	58/18866	1.82E-01	0.370700086	0.331797629
GO:004348GO:004348RNA stabil/65	58/18866	1.82E-01	0.370700086	0.331797629
GO:004612GO:004612purine ril/65	58/18866	1.82E-01	0.370700086	0.331797629
GO:190237GO:190237negative 1/65	58/18866	1.82E-01	0.370700086	0.331797629
GO:190379GO:190379positive 1/65	58/18866	1.82E-01	0.370700086	0.331797629
GO:190305GO:190305regulatic2/65	225/18866	1.82E-01	0.370700086	0.331797629
GO:001606GO:001606immunoglc2/65	227/18866	1.84E-01	0.373520173	0.334321767
GO:00311CGO:00311Cneuron pr1/65	59/18866	1.84E-01	0.373520173	0.334321767
GO:004303GO:004303regulatic1/65	59/18866	1.84E-01	0.373520173	0.334321767
GO:004545GO:004545cell redc1/65	59/18866	1.84E-01	0.373520173	0.334321767
GO:190179GO:190179negative 1/65	59/18866	1.84E-01	0.373520173	0.334321767
GO:000683GO:000683neurotran2/65	229/18866	1.87E-01	0.375758086	0.336324826
GO:004513GO:004513developme2/65	229/18866	1.87E-01	0.375758086	0.336324826
GO:000183GO:000183release c1/65	60/18866	1.87E-01	0.375758086	0.336324826
GO:001922GO:001922regulatic1/65	60/18866	1.87E-01	0.375758086	0.336324826
GO:003265GO:003265regulatic1/65	60/18866	1.87E-01	0.375758086	0.336324826
GO:00619CGO:00619Cglial cell1/65	60/18866	1.87E-01	0.375758086	0.336324826
GO:00100CGO:00100Cglial cel2/65	230/18866	1.88E-01	0.375777198	0.336341933
GO:001972GO:001972B cell me2/65	230/18866	1.88E-01	0.375777198	0.336341933
GO:005254GO:005254regulatic3/65	434/18866	1.88E-01	0.375918057	0.336468009
GO:002187GO:002187forebrain1/65	61/18866	1.90E-01	0.376798002	0.33725561
GO:004227GO:004227purine nul1/65	61/18866	1.90E-01	0.376798002	0.33725561
GO:004688GO:004688negative 1/65	61/18866	1.90E-01	0.376798002	0.33725561
GO:006151GO:006151protein 11/65	61/18866	1.90E-01	0.376798002	0.33725561
GO:190204GO:190204regulatic1/65	61/18866	1.90E-01	0.376798002	0.33725561
GO:000974GO:000974response 2/65	233/18866	1.92E-01	0.378922181	0.339156871
GO:003411GO:003411heterotyp1/65	62/18866	1.93E-01	0.378922181	0.339156871
GO:004885GO:004885neural nul1/65	62/18866	1.93E-01	0.378922181	0.339156871
GO:005508GO:005508anion hom1/65	62/18866	1.93E-01	0.378922181	0.339156871
GO:006099GO:006099dendritic1/65	62/18866	1.93E-01	0.378922181	0.339156871
GO:200035GO:200035regulatic1/65	62/18866	1.93E-01	0.378922181	0.339156871
GO:001087GO:001087lipid loc3/65	440/18866	1.93E-01	0.379465164	0.339642872
GO:00015CGO:00015Cregulatic2/65	235/18866	1.94E-01	0.380150242	0.340256056
GO:000608GO:000608cellular 1/65	63/18866	1.96E-01	0.380427343	0.340504076
GO:003112GO:003112cytoplasm1/65	63/18866	1.96E-01	0.380427343	0.340504076
GO:003261GO:003261interleuk1/65	63/18866	1.96E-01	0.380427343	0.340504076
GO:005189GO:005189regulatic1/65	63/18866	1.96E-01	0.380427343	0.340504076
GO:00901CGO:00901Cregulatic1/65	63/18866	1.96E-01	0.380427343	0.340504076
GO:00486CGO:00486Creproduct3/65	443/18866	1.96E-01	0.380656749	0.340709408
GO:004677GO:004677protein a2/65	237/18866	1.97E-01	0.381076711	0.341085298
GO:000193GO:000193negative 3/65	444/18866	1.97E-01	0.38123923	0.341230761
GO:000958GO:000958detection1/65	64/18866	1.98E-01	0.382442553	0.342307805
GO:004679GO:004679transport1/65	64/18866	1.98E-01	0.382442553	0.342307805
GO:00509CGO:00509Csensory p1/65	64/18866	1.98E-01	0.382442553	0.342307805

GO:200011GO:200011regulatic2/65	239/18866	1.99E-01	0.38310928	0.342904563
GO:006145GO:006145reproduct3/65	447/18866	2.00E-01	0.383536906	0.343287312
GO:007066GO:007066regulatic2/65	240/18866	2.00E-01	0.383847482	0.343565295
GO:000758GO:000758excretion1/65	65/18866	2.01E-01	0.383847482	0.343565295
GO:000920GO:000920purine ril/65	65/18866	2.01E-01	0.383847482	0.343565295
GO:003164GO:003164positive 1/65	65/18866	2.01E-01	0.383847482	0.343565295
GO:009030GO:009030mitotic sl/65	65/18866	2.01E-01	0.383847482	0.343565295
GO:000914GO:000914purine nul/65	66/18866	2.04E-01	0.386314889	0.345773765
GO:004476GO:004476multi-org1/65	66/18866	2.04E-01	0.386314889	0.345773765
GO:015011GO:015011regulatic1/65	66/18866	2.04E-01	0.386314889	0.345773765
GO:190160GO:190160alpha-amil/65	66/18866	2.04E-01	0.386314889	0.345773765
GO:190257GO:190257multi-org1/65	66/18866	2.04E-01	0.386314889	0.345773765
GO:003023GO:003023myofibrill/65	67/18866	2.07E-01	0.389843212	0.348931814
GO:003289GO:003289regulatic1/65	67/18866	2.07E-01	0.389843212	0.348931814
GO:004512GO:004512cellular 1/65	67/18866	2.07E-01	0.389843212	0.348931814
GO:000646GO:000646negative 2/65	246/18866	2.08E-01	0.391447658	0.350367885
GO:000263GO:000263regulatic1/65	68/18866	2.10E-01	0.391647651	0.350546889
GO:004244GO:004244hormone bl/65	68/18866	2.10E-01	0.391647651	0.350546889
GO:005076GO:005076positive 1/65	68/18866	2.10E-01	0.391647651	0.350546889
GO:007257GO:007257endothelil/65	68/18866	2.10E-01	0.391647651	0.350546889
GO:190236GO:190236negative 1/65	68/18866	2.10E-01	0.391647651	0.350546889
GO:005085GO:005085regulatic1/65	69/18866	2.12E-01	0.396194385	0.354616475
GO:000268GO:000268negative 3/65	463/18866	2.14E-01	0.397892954	0.35613679
GO:000283GO:000283positive 2/65	251/18866	2.14E-01	0.397892954	0.35613679
GO:000175GO:000175somitogen1/65	70/18866	2.15E-01	0.397892954	0.35613679
GO:003237GO:003237positive 1/65	70/18866	2.15E-01	0.397892954	0.35613679
GO:005077GO:005077negative 1/65	70/18866	2.15E-01	0.397892954	0.35613679
GO:005079GO:005079regulatic1/65	70/18866	2.15E-01	0.397892954	0.35613679
GO:004312GO:004312regulatic2/65	252/18866	2.15E-01	0.398297878	0.356499221
GO:005254GO:005254regulatic3/65	466/18866	2.17E-01	0.398989599	0.35711835
GO:005192GO:005192regulatic2/65	253/18866	2.17E-01	0.398989599	0.35711835
GO:000702GO:000702endoplasm1/65	71/18866	2.18E-01	0.398989599	0.35711835
GO:000920GO:000920ribonucle1/65	71/18866	2.18E-01	0.398989599	0.35711835
GO:001482GO:001482response 1/65	71/18866	2.18E-01	0.398989599	0.35711835
GO:005089GO:005089multicell1/65	71/18866	2.18E-01	0.398989599	0.35711835
GO:200002GO:200002regulatic2/65	254/18866	2.18E-01	0.399051778	0.357174004
GO:001025GO:001025endomembr3/65	468/18866	2.18E-01	0.399157773	0.357268875
GO:000911GO:000911ribonucle1/65	72/18866	2.20E-01	0.399796226	0.357840327
GO:000912GO:000912nucleosid1/65	72/18866	2.20E-01	0.399796226	0.357840327
GO:001922GO:001922transmiss1/65	72/18866	2.20E-01	0.399796226	0.357840327
GO:005193GO:005193catecholal/65	72/18866	2.20E-01	0.399796226	0.357840327
GO:007098GO:007098demethylal/65	72/18866	2.20E-01	0.399796226	0.357840327
GO:000801GO:000801regulatic2/65	256/18866	2.21E-01	0.399796226	0.357840327
GO:003007GO:003007peptide h2/65	257/18866	2.22E-01	0.401540986	0.359401987
GO:000270GO:000270regulatic1/65	73/18866	2.23E-01	0.402177233	0.359971464
GO:005114GO:005114smooth mul/65	73/18866	2.23E-01	0.402177233	0.359971464
GO:001095GO:001095negative 2/65	258/18866	2.23E-01	0.402177233	0.359971464
GO:000761GO:000761learning 2/65	260/18866	2.26E-01	0.403695147	0.361330083
GO:190336GO:190336regulatic2/65	260/18866	2.26E-01	0.403695147	0.361330083
GO:002153GO:002153diencephal/65	74/18866	2.26E-01	0.403695147	0.361330083
GO:003248GO:003248positive 1/65	74/18866	2.26E-01	0.403695147	0.361330083

GO:00465CGO:004650glycerolil/65	74/18866	2.26E-01	0.403695147	0.361330083
GO:190305GO:190305negative 1/65	74/18866	2.26E-01	0.403695147	0.361330083
GO:00017CGO:000170mesoderm 1/65	75/18866	2.28E-01	0.405180394	0.362659463
GO:000834GO:000834adult loc1/65	75/18866	2.28E-01	0.405180394	0.362659463
GO:000906GO:000906glutamine1/65	75/18866	2.28E-01	0.405180394	0.362659463
GO:00159CGO:001590long-chail/65	75/18866	2.28E-01	0.405180394	0.362659463
GO:003085GO:003085positive 1/65	75/18866	2.28E-01	0.405180394	0.362659463
GO:003241GO:003241lysosome 1/65	75/18866	2.28E-01	0.405180394	0.362659463
GO:00083CGO:000830associatil/65	76/18866	2.31E-01	0.408170949	0.36533618
GO:000958GO:000958detection1/65	76/18866	2.31E-01	0.408170949	0.36533618
GO:190352GO:190352positive 1/65	76/18866	2.31E-01	0.408170949	0.36533618
GO:003052GO:003052intracell2/65	265/18866	2.32E-01	0.408170949	0.36533618
GO:003133GO:003133negative 2/65	265/18866	2.32E-01	0.408170949	0.36533618
GO:001049GO:001049proteasom3/65	483/18866	2.32E-01	0.408170949	0.36533618
GO:004232GO:004232negative 3/65	484/18866	2.33E-01	0.409231249	0.366285208
GO:004833GO:004833mesoderm 1/65	77/18866	2.34E-01	0.409400879	0.366437037
GO:015007GO:015007neuroinfl1/65	77/18866	2.34E-01	0.409400879	0.366437037
GO:004688GO:004688regulatic2/65	267/18866	2.35E-01	0.409400879	0.366437037
GO:001585GO:001585organic h2/65	268/18866	2.36E-01	0.409400879	0.366437037
GO:003367GO:003367negative 2/65	268/18866	2.36E-01	0.409400879	0.366437037
GO:000189GO:000189retina hc1/65	78/18866	2.36E-01	0.409400879	0.366437037
GO:003043GO:003043ubiquitin1/65	78/18866	2.36E-01	0.409400879	0.366437037
GO:004231GO:004231vasoconst1/65	78/18866	2.36E-01	0.409400879	0.366437037
GO:004336GO:004336CD4-posit1/65	78/18866	2.36E-01	0.409400879	0.366437037
GO:005068GO:005068regulatic1/65	78/18866	2.36E-01	0.409400879	0.366437037
GO:006104GO:006104negative 1/65	78/18866	2.36E-01	0.409400879	0.366437037
GO:00092CGO:000920purine ril/65	79/18866	2.39E-01	0.411807749	0.368591323
GO:002167GO:002167nerve dev1/65	79/18866	2.39E-01	0.411807749	0.368591323
GO:00301CGO:003010water hom1/65	79/18866	2.39E-01	0.411807749	0.368591323
GO:007126GO:007126cellular 1/65	79/18866	2.39E-01	0.411807749	0.368591323
GO:001046GO:001046negative 2/65	272/18866	2.41E-01	0.414420461	0.370929848
GO:001403GO:001403neural cr1/65	80/18866	2.42E-01	0.415255523	0.371677276
GO:003323GO:003323regulatic1/65	81/18866	2.44E-01	0.419215824	0.37522197
GO:003019GO:003019regulatic1/65	82/18866	2.47E-01	0.423150495	0.378743724
GO:009874GO:009874cell-cell2/65	277/18866	2.47E-01	0.423186369	0.378775833
GO:004516GO:004516cell fate2/65	278/18866	2.49E-01	0.423753419	0.379283375
GO:000271GO:000271regulatic1/65	83/18866	2.50E-01	0.423753419	0.379283375
GO:004804GO:004804focal adh1/65	83/18866	2.50E-01	0.423753419	0.379283375
GO:004814GO:004814regulatic1/65	83/18866	2.50E-01	0.423753419	0.379283375
GO:005501GO:005501cardiac m1/65	83/18866	2.50E-01	0.423753419	0.379283375
GO:190004GO:190004regulatic1/65	83/18866	2.50E-01	0.423753419	0.379283375
GO:000151GO:000151RNA methyl/65	84/18866	2.52E-01	0.424330605	0.37979999
GO:000865GO:000865cellular 1/65	84/18866	2.52E-01	0.424330605	0.37979999
GO:001403GO:001403mesenchym1/65	84/18866	2.52E-01	0.424330605	0.37979999
GO:001584GO:001584monoamine1/65	84/18866	2.52E-01	0.424330605	0.37979999
GO:004814GO:004814fibroblas1/65	84/18866	2.52E-01	0.424330605	0.37979999
GO:004886GO:004886stem cell1/65	84/18866	2.52E-01	0.424330605	0.37979999
GO:009706GO:009706dendritic1/65	84/18866	2.52E-01	0.424330605	0.37979999
GO:000919GO:000919ribonucle1/65	85/18866	2.55E-01	0.426328824	0.381588509
GO:003541GO:003541protein 11/65	85/18866	2.55E-01	0.426328824	0.381588509
GO:004315GO:004315negative 1/65	85/18866	2.55E-01	0.426328824	0.381588509

GO:007050GO:007050calcium il/65	85/18866	2.55E-01	0.426328824	0.381588509
GO:004665GO:004665lymphocyt2/65	283/18866	2.55E-01	0.426328824	0.381588509
GO:000741GO:000741axon guid2/65	284/18866	2.56E-01	0.42734734	0.382500138
GO:000691GO:000691activatic1/65	86/18866	2.57E-01	0.42734734	0.382500138
GO:000719GO:000719adenylatel/65	86/18866	2.57E-01	0.42734734	0.382500138
GO:009775GO:009775negative 1/65	86/18866	2.57E-01	0.42734734	0.382500138
GO:200010GO:200010regulatic1/65	86/18866	2.57E-01	0.42734734	0.382500138
GO:009748GO:009748neuron pr2/65	285/18866	2.58E-01	0.42734734	0.382500138
GO:000724GO:000724I-kappaB 2/65	286/18866	2.59E-01	0.427816119	0.382919722
GO:003294GO:003294mononucle2/65	286/18866	2.59E-01	0.427816119	0.382919722
GO:014001GO:014001mitotic n2/65	286/18866	2.59E-01	0.427816119	0.382919722
GO:000914GO:000914purine nul/65	87/18866	2.60E-01	0.427816119	0.382919722
GO:003243GO:003243positive 1/65	87/18866	2.60E-01	0.427816119	0.382919722
GO:190336GO:190336negative 1/65	87/18866	2.60E-01	0.427816119	0.382919722
GO:006004GO:006004heart con2/65	287/18866	2.60E-01	0.427816119	0.382919722
GO:000691GO:000691phagocytcl/65	88/18866	2.62E-01	0.428512411	0.383542944
GO:000979GO:000979axis spec1/65	88/18866	2.62E-01	0.428512411	0.383542944
GO:004647GO:004647phosphatil/65	88/18866	2.62E-01	0.428512411	0.383542944
GO:004688GO:004688positive 1/65	88/18866	2.62E-01	0.428512411	0.383542944
GO:005081GO:005081regulatic1/65	88/18866	2.62E-01	0.428512411	0.383542944
GO:190331GO:190331negative 1/65	88/18866	2.62E-01	0.428512411	0.383542944
GO:000189GO:000189embryonic1/65	89/18866	2.65E-01	0.430013315	0.384886338
GO:000862GO:000862extrinsic1/65	89/18866	2.65E-01	0.430013315	0.384886338
GO:001403GO:001403neural cr1/65	89/18866	2.65E-01	0.430013315	0.384886338
GO:005500GO:005500cardiac cl/65	89/18866	2.65E-01	0.430013315	0.384886338
GO:006105GO:006105somite del/65	89/18866	2.65E-01	0.430013315	0.384886338
GO:007054GO:007054response 1/65	90/18866	2.68E-01	0.432918481	0.387486626
GO:190335GO:190335cellular 1/65	90/18866	2.68E-01	0.432918481	0.387486626
GO:000165GO:000165metanephrl/65	91/18866	2.70E-01	0.432918481	0.387486626
GO:004247GO:004247odontogen1/65	91/18866	2.70E-01	0.432918481	0.387486626
GO:004592GO:004592positive 1/65	91/18866	2.70E-01	0.432918481	0.387486626
GO:005189GO:005189membrane 1/65	91/18866	2.70E-01	0.432918481	0.387486626
GO:005195GO:005195regulatic1/65	91/18866	2.70E-01	0.432918481	0.387486626
GO:006002GO:006002roof of n1/65	91/18866	2.70E-01	0.432918481	0.387486626
GO:009730GO:009730cellular 1/65	91/18866	2.70E-01	0.432918481	0.387486626
GO:190335GO:190335response 1/65	91/18866	2.70E-01	0.432918481	0.387486626
GO:005134GO:005134negative 2/65	296/18866	2.72E-01	0.434802171	0.389172636
GO:003134GO:003134regulatic1/65	92/18866	2.73E-01	0.435262257	0.389584439
GO:010602GO:010602neuron pr1/65	92/18866	2.73E-01	0.435262257	0.389584439
GO:000301GO:000301heart prc2/65	297/18866	2.73E-01	0.435262257	0.389584439
GO:003114GO:003114SCF-depen1/65	93/18866	2.75E-01	0.436750117	0.390916158
GO:006109GO:006109regulatic1/65	93/18866	2.75E-01	0.436750117	0.390916158
GO:190303GO:190303negative 1/65	93/18866	2.75E-01	0.436750117	0.390916158
GO:200011GO:200011negative 1/65	93/18866	2.75E-01	0.436750117	0.390916158
GO:003430GO:003430primary al/65	94/18866	2.78E-01	0.439145153	0.393059851
GO:190403GO:190403regulatic1/65	94/18866	2.78E-01	0.439145153	0.393059851
GO:190595GO:190595positive 1/65	94/18866	2.78E-01	0.439145153	0.393059851
GO:005089GO:005089cognition2/65	302/18866	2.79E-01	0.440981372	0.394703371
GO:004881GO:004881regulatic1/65	95/18866	2.80E-01	0.440981372	0.394703371
GO:009771GO:009771ciliary bl/65	95/18866	2.80E-01	0.440981372	0.394703371
GO:190372GO:190372regulatic1/65	95/18866	2.80E-01	0.440981372	0.394703371

GO:003031GO:003031flagellat1/65	96/18866	2.83E-01	0.442987148	0.396498655
GO:009772GO:009772sperm mot1/65	96/18866	2.83E-01	0.442987148	0.396498655
GO:000244GO:000244productic2/65	306/18866	2.84E-01	0.442987148	0.396498655
GO:003571GO:003571CD4-posit1/65	97/18866	2.85E-01	0.442987148	0.396498655
GO:00487CGO:00487Cembryonic1/65	97/18866	2.85E-01	0.442987148	0.396498655
GO:005076GO:005076regulatic1/65	97/18866	2.85E-01	0.442987148	0.396498655
GO:012016GO:012016positive 1/65	97/18866	2.85E-01	0.442987148	0.396498655
GO:190165GO:190165cellular 1/65	97/18866	2.85E-01	0.442987148	0.396498655
GO:190247GO:190247chloride 1/65	97/18866	2.85E-01	0.442987148	0.396498655
GO:199082GO:199082response 1/65	97/18866	2.85E-01	0.442987148	0.396498655
GO:199083GO:199083cellular 1/65	97/18866	2.85E-01	0.442987148	0.396498655
GO:004206GO:004206gliogenes2/65	307/18866	2.86E-01	0.443308474	0.39678626
GO:000683GO:000683dicarboxyl/65	98/18866	2.88E-01	0.445256727	0.398530057
GO:001077GO:001077negative 1/65	98/18866	2.88E-01	0.445256727	0.398530057
GO:001076GO:001076regulatic2/65	310/18866	2.89E-01	0.446973315	0.400066501
GO:000704GO:000704cell-subsl/65	99/18866	2.90E-01	0.446973315	0.400066501
GO:001071GO:001071regulatic1/65	99/18866	2.90E-01	0.446973315	0.400066501
GO:001583GO:001583amine tral/65	99/18866	2.90E-01	0.446973315	0.400066501
GO:003528GO:003528segmentat1/65	100/18866	2.93E-01	0.449709265	0.402515331
GO:00365CGO:00365CERAD path1/65	100/18866	2.93E-01	0.449709265	0.402515331
GO:007066GO:007066leukocyte2/65	313/18866	2.93E-01	0.449902331	0.402688137
GO:190353GO:190353positive 2/65	313/18866	2.93E-01	0.449902331	0.402688137
GO:004687GO:004687hormone s2/65	314/18866	2.95E-01	0.450320203	0.403062156
GO:00159CGO:00159Cfatty acil/65	101/18866	2.95E-01	0.450320203	0.403062156
GO:001921GO:001921regulatic1/65	101/18866	2.95E-01	0.450320203	0.403062156
GO:004211GO:004211macrophagl/65	101/18866	2.95E-01	0.450320203	0.403062156
GO:00226CGO:00226Cdigestivel/65	102/18866	2.97E-01	0.450910023	0.403590078
GO:00331CGO:00331Cmitochondl/65	102/18866	2.97E-01	0.450910023	0.403590078
GO:006099GO:006099dendritic1/65	102/18866	2.97E-01	0.450910023	0.403590078
GO:015011GO:015011cell-subsl/65	102/18866	2.97E-01	0.450910023	0.403590078
GO:190307GO:190307regulatic1/65	102/18866	2.97E-01	0.450910023	0.403590078
GO:200006GO:200006positive 1/65	102/18866	2.97E-01	0.450910023	0.403590078
GO:004866GO:004866positive 1/65	103/18866	3.00E-01	0.453454443	0.405867479
GO:190189GO:190189positive 1/65	103/18866	3.00E-01	0.453454443	0.405867479
GO:000941GO:000941response 2/65	319/18866	3.01E-01	0.453454443	0.405867479
GO:000236GO:000236cytokine 1/65	104/18866	3.02E-01	0.453454443	0.405867479
GO:000245GO:000245T cell mel/65	104/18866	3.02E-01	0.453454443	0.405867479
GO:00033CGO:00033Ccardiac ml/65	104/18866	3.02E-01	0.453454443	0.405867479
GO:00072CGO:00072Cphospholil/65	104/18866	3.02E-01	0.453454443	0.405867479
GO:000911GO:000911nucleosidl/65	104/18866	3.02E-01	0.453454443	0.405867479
GO:000282GO:000282positive 1/65	105/18866	3.05E-01	0.453454443	0.405867479
GO:000763GO:000763feeding bl/65	105/18866	3.05E-01	0.453454443	0.405867479
GO:00303CGO:00303Ccholesterl/65	105/18866	3.05E-01	0.453454443	0.405867479
GO:004407GO:004407regulatic1/65	105/18866	3.05E-01	0.453454443	0.405867479
GO:190241GO:190241protein ll/65	105/18866	3.05E-01	0.453454443	0.405867479
GO:000989GO:000989negative 2/65	323/18866	3.06E-01	0.453454443	0.405867479
GO:000991GO:000991hormone t2/65	323/18866	3.06E-01	0.453454443	0.405867479
GO:00027CGO:00027Cpositive 1/65	106/18866	3.07E-01	0.453454443	0.405867479
GO:001923GO:001923sensory pl/65	106/18866	3.07E-01	0.453454443	0.405867479
GO:001939GO:001939fatty acil/65	106/18866	3.07E-01	0.453454443	0.405867479
GO:003209GO:003209negative 1/65	106/18866	3.07E-01	0.453454443	0.405867479

GO:003444GO:003444substrate1/65	106/1886€	3.07E-01	0.453454443	0.405867479
GO:004663GO:004663alpha-bet1/65	106/1886€	3.07E-01	0.453454443	0.405867479
GO:007186GO:007186cellular 1/65	106/1886€	3.07E-01	0.453454443	0.405867479
GO:007187GO:007187cellular 1/65	106/1886€	3.07E-01	0.453454443	0.405867479
GO:005123GO:005123maintenan2/65	324/1886€	3.07E-01	0.453454443	0.405867479
GO:001489GO:001489striated 1/65	107/1886€	3.09E-01	0.454064251	0.406413291
GO:003033GO:003033DNA damag1/65	107/1886€	3.09E-01	0.454064251	0.406413291
GO:00344CGO:003440nucleobas1/65	107/1886€	3.09E-01	0.454064251	0.406413291
GO:005196GO:005196regulatic1/65	107/1886€	3.09E-01	0.454064251	0.406413291
GO:200123GO:200123negative 1/65	107/1886€	3.09E-01	0.454064251	0.406413291
GO:000152GO:000152retinoid 1/65	108/1886€	3.12E-01	0.456049219	0.40818995
GO:006007GO:006007Wnt signal/65	108/1886€	3.12E-01	0.456049219	0.40818995
GO:007188GO:007188leukocyte1/65	108/1886€	3.12E-01	0.456049219	0.40818995
GO:004211GO:004211B cell ac2/65	328/1886€	3.12E-01	0.45636118	0.408469174
GO:000693GO:000693smooth mul/65	109/1886€	3.14E-01	0.456417779	0.408519832
GO:001489GO:001489muscle hyl/65	109/1886€	3.14E-01	0.456417779	0.408519832
GO:001895GO:001895phenol-cc1/65	109/1886€	3.14E-01	0.456417779	0.408519832
GO:007137GO:007137cellular 2/65	330/1886€	3.15E-01	0.456417779	0.408519832
GO:006056GO:006056epithelia2/65	331/1886€	3.16E-01	0.456417779	0.408519832
GO:000282GO:000282positive 1/65	110/1886€	3.17E-01	0.456417779	0.408519832
GO:000664GO:000664triglycer1/65	110/1886€	3.17E-01	0.456417779	0.408519832
GO:007186GO:007186response 1/65	110/1886€	3.17E-01	0.456417779	0.408519832
GO:007186GO:007186response 1/65	110/1886€	3.17E-01	0.456417779	0.408519832
GO:00901CGO:009010positive 1/65	110/1886€	3.17E-01	0.456417779	0.408519832
GO:009017GO:009017regulatic1/65	110/1886€	3.17E-01	0.456417779	0.408519832
GO:19018CGO:190180positive 1/65	110/1886€	3.17E-01	0.456417779	0.408519832
GO:00082CGO:000820steroid n2/65	332/1886€	3.18E-01	0.457190472	0.409211437
GO:000682GO:000682chloride 1/65	111/1886€	3.19E-01	0.457825491	0.409779815
GO:003444GO:003444lipid oxil/65	111/1886€	3.19E-01	0.457825491	0.409779815
GO:006029GO:006029cilium mc1/65	111/1886€	3.19E-01	0.457825491	0.409779815
GO:001092GO:001092cellular 1/65	112/1886€	3.21E-01	0.460710113	0.412361715
GO:00161CGO:001610diterpenc1/65	114/1886€	3.26E-01	0.466933557	0.417932051
GO:005104GO:005104positive 2/65	340/1886€	3.28E-01	0.468718819	0.419529962
GO:003044GO:003044regulatic1/65	115/1886€	3.28E-01	0.468748542	0.419556566
GO:005122GO:005122spindle al/65	115/1886€	3.28E-01	0.468748542	0.419556566
GO:00229CGO:002290respiratc1/65	116/1886€	3.31E-01	0.471049654	0.421616192
GO:004691GO:004691cellular 1/65	116/1886€	3.31E-01	0.471049654	0.421616192
GO:005134GO:005134regulatic1/65	117/1886€	3.33E-01	0.473329533	0.423656813
GO:190401GO:190401epithelial/65	117/1886€	3.33E-01	0.473329533	0.423656813
GO:00068CGO:000680xenobiotil/65	118/1886€	3.35E-01	0.474565583	0.424763148
GO:000705GO:000705mitotic sl/65	118/1886€	3.35E-01	0.474565583	0.424763148
GO:001591GO:001591sterol tr1/65	118/1886€	3.35E-01	0.474565583	0.424763148
GO:003355GO:003355unsaturat1/65	118/1886€	3.35E-01	0.474565583	0.424763148
GO:001082GO:001082positive 1/65	119/1886€	3.38E-01	0.47731305	0.427222287
GO:190406GO:190406regulatic2/65	349/1886€	3.39E-01	0.478734052	0.428494164
GO:000206GO:000206columnar1/65	121/1886€	3.42E-01	0.482240195	0.431632361
GO:009866GO:009866inorganic1/65	121/1886€	3.42E-01	0.482240195	0.431632361
GO:000153GO:000153cilium or1/65	122/1886€	3.45E-01	0.482355155	0.431735257
GO:000669GO:000669icosanoid1/65	122/1886€	3.45E-01	0.482355155	0.431735257
GO:001081GO:001081positive 1/65	122/1886€	3.45E-01	0.482355155	0.431735257
GO:002178GO:002178glial cell/65	122/1886€	3.45E-01	0.482355155	0.431735257

GO:004275GO:004275regulaticl/65	122/1886€	3.45E-01	0.482355155	0.431735257
GO:006028GO:006028cilium-del/65	122/1886€	3.45E-01	0.482355155	0.431735257
GO:000276GO:000276regulaticl/65	123/1886€	3.47E-01	0.483479981	0.43274204
GO:004867GO:004867axon extel/65	123/1886€	3.47E-01	0.483479981	0.43274204
GO:007146GO:007146cellular 1/65	123/1886€	3.47E-01	0.483479981	0.43274204
GO:190437GO:190437regulaticl/65	123/1886€	3.47E-01	0.483479981	0.43274204
GO:000173GO:000173establishl/65	124/1886€	3.49E-01	0.48458454	0.433730683
GO:000269GO:000269negative 1/65	124/1886€	3.49E-01	0.48458454	0.433730683
GO:000672GO:000672terpenoidl/65	124/1886€	3.49E-01	0.48458454	0.433730683
GO:000716GO:000716establishl/65	124/1886€	3.49E-01	0.48458454	0.433730683
GO:000195GO:000195regulaticl/65	125/1886€	3.51E-01	0.485536035	0.434582326
GO:000863GO:000863apoptoticl/65	125/1886€	3.51E-01	0.485536035	0.434582326
GO:003247GO:003247regulaticl/65	125/1886€	3.51E-01	0.485536035	0.434582326
GO:000166GO:000166response 2/65	359/1886€	3.52E-01	0.485536035	0.434582326
GO:000717GO:000717transmemb2/65	359/1886€	3.52E-01	0.485536035	0.434582326
GO:005500GO:005500cardiac ml/65	126/1886€	3.54E-01	0.487754427	0.436567912
GO:000170GO:000170formationl/65	127/1886€	3.56E-01	0.487779509	0.436590362
GO:001701GO:001701regulaticl/65	127/1886€	3.56E-01	0.487779509	0.436590362
GO:003032GO:003032embryonicl/65	127/1886€	3.56E-01	0.487779509	0.436590362
GO:003260GO:003260type I inl/65	127/1886€	3.56E-01	0.487779509	0.436590362
GO:003511GO:003511embryonicl/65	127/1886€	3.56E-01	0.487779509	0.436590362
GO:190305GO:190305positive 1/65	127/1886€	3.56E-01	0.487779509	0.436590362
GO:004368GO:004368post-tran2/65	363/1886€	3.57E-01	0.488347758	0.437098977
GO:000004GO:000004transiticl/65	129/1886€	3.60E-01	0.49184579	0.440229914
GO:000257GO:000257platelet 1/65	129/1886€	3.60E-01	0.49184579	0.440229914
GO:190384GO:190384regulaticl/65	129/1886€	3.60E-01	0.49184579	0.440229914
GO:000941GO:000941response 1/65	130/1886€	3.63E-01	0.493850742	0.44202446
GO:004870GO:004870embryonicl/65	130/1886€	3.63E-01	0.493850742	0.44202446
GO:004586GO:004586negative 2/65	369/1886€	3.64E-01	0.495325403	0.443344366
GO:003243GO:003243regulaticl/65	131/1886€	3.65E-01	0.495325403	0.443344366
GO:004410GO:004410cellular 1/65	131/1886€	3.65E-01	0.495325403	0.443344366
GO:004586GO:004586positive 2/65	370/1886€	3.65E-01	0.495656264	0.443640505
GO:003629GO:003629response 2/65	371/1886€	3.67E-01	0.496780733	0.444646969
GO:004247GO:004247odontogenl/65	132/1886€	3.67E-01	0.496780733	0.444646969
GO:004217GO:004217negative 1/65	133/1886€	3.69E-01	0.49872846	0.446390295
GO:004277GO:004277signal trl/65	133/1886€	3.69E-01	0.49872846	0.446390295
GO:000292GO:000292regulaticl/65	134/1886€	3.71E-01	0.499123894	0.446744231
GO:004328GO:004328positive 1/65	134/1886€	3.71E-01	0.499123894	0.446744231
GO:004599GO:004599regulaticl/65	134/1886€	3.71E-01	0.499123894	0.446744231
GO:004668GO:004668response 1/65	134/1886€	3.71E-01	0.499123894	0.446744231
GO:004671GO:004671viral entl/65	134/1886€	3.71E-01	0.499123894	0.446744231
GO:003167GO:003167I band 5/67	140/19559	1.18E-04	0.00894573	0.008440451
GO:003001GO:003001myofibril6/67	227/19559	1.26E-04	0.00894573	0.008440451
GO:004329GO:004329contracti6/67	238/19559	1.64E-04	0.00894573	0.008440451
GO:003001GO:003001sarcomere5/67	207/19559	7.17E-04	0.029416263	0.027754754
GO:003259GO:003259dendrite 2/67	43/19559	9.54E-03	0.264323096	0.249393422
GO:003001GO:003001Z disc 3/67	128/19559	9.67E-03	0.264323096	0.249393422
GO:004665GO:004665anchored 2/67	60/19559	1.80E-02	0.364213178	0.343641445
GO:003258GO:003258neuron pr2/67	61/19559	1.86E-02	0.364213178	0.343641445
GO:015003GO:015003distal ax4/67	309/19559	2.15E-02	0.364213178	0.343641445
GO:003125GO:003125leading e3/67	175/19559	2.22E-02	0.364213178	0.343641445

GO:003042GO:003042growth cc3/67	184/19559	2.53E-02	0.376956148	0.355664659
GO:003042GO:003042site of p3/67	191/19559	2.78E-02	0.380298506	0.358818231
GO:003125GO:003125cell proj4/67	344/19559	3.03E-02	0.382414466	0.360814676
GO:009898GO:009898cholinerg1/67	10/19559	3.37E-02	0.395236794	0.372912765
GO:199045GO:199045L-type vc1/67	12/19559	4.04E-02	0.413606405	0.390244811
GO:199090GO:199090Wnt signal/67	12/19559	4.04E-02	0.413606405	0.390244811
GO:009869GO:009869dopaminer1/67	13/19559	4.36E-02	0.421008924	0.397229216
GO:003067GO:003067axolemma 1/67	15/19559	5.02E-02	0.422581535	0.398713001
GO:003259GO:003259dendritic1/67	15/19559	5.02E-02	0.422581535	0.398713001
GO:000589GO:000589acetylchc1/67	16/19559	5.34E-02	0.422581535	0.398713001
GO:004511GO:004511intermedi3/67	251/19559	5.49E-02	0.422581535	0.398713001
GO:004259GO:004259lamellar 1/67	17/19559	5.67E-02	0.422581535	0.398713001
GO:004517GO:004517apical pa4/67	433/19559	6.11E-02	0.431491926	0.407120109
GO:003136GO:003136anchored 1/67	19/19559	6.31E-02	0.431491926	0.407120109
GO:001646GO:001646myosin III/67	20/19559	6.64E-02	0.435305249	0.410718047
GO:007178GO:007178endoplasm1/67	22/19559	7.27E-02	0.437700549	0.412978053
GO:003123GO:003123intrinsic1/67	24/19559	7.91E-02	0.437700549	0.412978053
GO:004432GO:004432endoplasm1/67	24/19559	7.91E-02	0.437700549	0.412978053
GO:003143GO:003143M band 1/67	25/19559	8.23E-02	0.437700549	0.412978053
GO:003470GO:003470ion chann3/67	299/19559	8.31E-02	0.437700549	0.412978053
GO:000208GO:000208acrosomal1/67	26/19559	8.54E-02	0.437700549	0.412978053
GO:009882GO:009882endoplasm1/67	26/19559	8.54E-02	0.437700549	0.412978053
GO:003280GO:003280neuronal 1/67	28/19559	9.17E-02	0.45556554	0.429833982
GO:190249GO:190249transmemb3/67	322/19559	9.84E-02	0.460043048	0.434058588
GO:000830GO:000830integrin 1/67	31/19559	1.01E-01	0.460043048	0.434058588
GO:004429GO:004429cell body1/67	31/19559	1.01E-01	0.460043048	0.434058588
GO:199035GO:199035transport3/67	330/19559	1.04E-01	0.460682413	0.43466184
GO:003194GO:003194filamentc1/67	34/19559	1.10E-01	0.465606975	0.43930825
GO:009858GO:009858membrane 3/67	343/19559	1.13E-01	0.465606975	0.43930825
GO:009863GO:009863protein c1/67	36/19559	1.16E-01	0.465606975	0.43930825
GO:003122GO:003122anchored 2/67	171/19559	1.16E-01	0.465606975	0.43930825
GO:003167GO:003167A band 1/67	37/19559	1.19E-01	0.465979976	0.439660183
GO:009957GO:009957postsynap3/67	361/19559	1.27E-01	0.483061889	0.455777264
GO:000455GO:000455nucleosid2/68	18/18352	1.99E-03	0.291822751	0.271566557
GO:000372GO:000372double-st3/68	76/18352	2.82E-03	0.291822751	0.271566557
GO:007056GO:007056adenylt2/68	31/18352	5.87E-03	0.299065892	0.278306932
GO:001677GO:001677phosphotr2/68	40/18352	9.64E-03	0.299065892	0.278306932
GO:001920GO:001920nucleobas2/68	43/18352	1.11E-02	0.299065892	0.278306932
GO:004362GO:004362protein s2/68	57/18352	1.89E-02	0.299065892	0.278306932
GO:003329GO:003329monocarbc2/68	72/18352	2.93E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000401GO:000401adenylate1/68	10/18352	3.65E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000833GO:000833high volt1/68	10/18352	3.65E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000851GO:000851ammonium 1/68	10/18352	3.65E-02	0.299065892	0.278306932
GO:001953GO:001953oxalate t1/68	10/18352	3.65E-02	0.299065892	0.278306932
GO:003205GO:003205bile acid1/68	10/18352	3.65E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000522GO:000522intracell1/68	11/18352	4.00E-02	0.299065892	0.278306932
GO:004385GO:004385cyclic nu1/68	11/18352	4.00E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000403GO:000403alditol:N1/68	12/18352	4.36E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000817GO:000817mRNA meth1/68	12/18352	4.36E-02	0.299065892	0.278306932
GO:004679GO:004679virion bil/68	12/18352	4.36E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000372GO:000372single-st2/68	90/18352	4.40E-02	0.299065892	0.278306932

GO:00314CGO:003140carboxyli3/68	212/18352	4.41E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000817GO:000817adenylate1/68	13/18352	4.71E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000827GO:000827secondary1/68	13/18352	4.71E-02	0.299065892	0.278306932
GO:003203GO:003203myosin hel/68	13/18352	4.71E-02	0.299065892	0.278306932
GO:003245GO:003245histone d1/68	13/18352	4.71E-02	0.299065892	0.278306932
GO:004216GO:004216acetylchc1/68	13/18352	4.71E-02	0.299065892	0.278306932
GO:004317GO:004317organic a3/68	224/18352	5.04E-02	0.299065892	0.278306932
GO:003028GO:003028structural/68	14/18352	5.07E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000465GO:000465polynucle1/68	15/18352	5.42E-02	0.299065892	0.278306932
GO:003604GO:003604long-chail/68	15/18352	5.42E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000552GO:000552tropomyos1/68	16/18352	5.77E-02	0.299065892	0.278306932
GO:002284GO:002284acetylchc1/68	16/18352	5.77E-02	0.299065892	0.278306932
GO:19904CGO:199040protein A1/68	16/18352	5.77E-02	0.299065892	0.278306932
GO:009909GO:009909ligand-ga2/68	108/18352	6.08E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000532GO:000532long-chail/68	17/18352	6.12E-02	0.299065892	0.278306932
GO:001511GO:001511sulfate t1/68	17/18352	6.12E-02	0.299065892	0.278306932
GO:001664GO:001664oxidoredu1/68	18/18352	6.47E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000033GO:000033RNA cap b1/68	19/18352	6.81E-02	0.299065892	0.278306932
GO:00305CGO:003050ankyrin b1/68	20/18352	7.16E-02	0.299065892	0.278306932
GO:003509GO:003509phosphati3/68	262/18352	7.33E-02	0.299065892	0.278306932
GO:00081CGO:000810alcohol d1/68	21/18352	7.50E-02	0.299065892	0.278306932
GO:00151CGO:001510bicarbona1/68	21/18352	7.50E-02	0.299065892	0.278306932
GO:004216GO:004216neurotran1/68	21/18352	7.50E-02	0.299065892	0.278306932
GO:005014GO:005014nucleosid1/68	21/18352	7.50E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000521GO:000521ion chann4/68	431/18352	7.57E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000997GO:000997cyclase a1/68	22/18352	7.85E-02	0.299065892	0.278306932
GO:001503GO:001503protein d1/68	22/18352	7.85E-02	0.299065892	0.278306932
GO:001546GO:001546acetylchc1/68	22/18352	7.85E-02	0.299065892	0.278306932
GO:001684GO:001684phosphoru1/68	22/18352	7.85E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000817GO:0008170-methylt1/68	23/18352	8.19E-02	0.299065892	0.278306932
GO:01401CGO:014010catalytic1/68	23/18352	8.19E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000395GO:000395NAD+ ADP-1/68	24/18352	8.53E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000521GO:000521structural/68	24/18352	8.53E-02	0.299065892	0.278306932
GO:001677GO:001677nucleotid2/68	133/18352	8.72E-02	0.299065892	0.278306932
GO:005186GO:005186glycolipil/68	25/18352	8.87E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000826GO:000826poly(U) R1/68	26/18352	9.21E-02	0.299065892	0.278306932
GO:001662GO:001662oxidoredu1/68	26/18352	9.21E-02	0.299065892	0.278306932
GO:001527GO:001527ligand-ga2/68	139/18352	9.39E-02	0.299065892	0.278306932
GO:002283GO:002283ligand-ga2/68	139/18352	9.39E-02	0.299065892	0.278306932
GO:002284GO:002284voltage-g2/68	140/18352	9.51E-02	0.299065892	0.278306932
GO:000403GO:000403aldo-ketc1/68	27/18352	9.54E-02	0.299065892	0.278306932
GO:00153CGO:001530anion:anil/68	28/18352	9.88E-02	0.299065892	0.278306932
GO:001664GO:001664oxidoredu1/68	28/18352	9.88E-02	0.299065892	0.278306932
GO:003245GO:003245histone d1/68	28/18352	9.88E-02	0.299065892	0.278306932
GO:004301GO:004301gamma-tubl/68	28/18352	9.88E-02	0.299065892	0.278306932
GO:014032GO:014032solute:an1/68	28/18352	9.88E-02	0.299065892	0.278306932
GO:014045GO:014045protein d1/68	28/18352	9.88E-02	0.299065892	0.278306932
GO:001526GO:001526channel a4/68	479/18352	1.02E-01	0.299065892	0.278306932
GO:000521GO:000521intracell1/68	29/18352	1.02E-01	0.299065892	0.278306932
GO:000818GO:000818poly-pyri1/68	29/18352	1.02E-01	0.299065892	0.278306932
GO:00228CGO:002280passive t4/68	480/18352	1.02E-01	0.299065892	0.278306932

GO:000523GO:000523excitator1/68	30/18352	1.05E-01	0.299065892	0.278306932
GO:000815GO:000815protein p1/68	30/18352	1.05E-01	0.299065892	0.278306932
GO:003376GO:003376steroid d1/68	30/18352	1.05E-01	0.299065892	0.278306932
GO:004696GO:004696thyroid h1/68	30/18352	1.05E-01	0.299065892	0.278306932
GO:000516GO:000516tumor nec1/68	31/18352	1.09E-01	0.304311359	0.283188298
GO:000525GO:000525delayed r1/68	33/18352	1.15E-01	0.318479613	0.296373095
GO:001622GO:001622steroid d1/68	34/18352	1.19E-01	0.32323275	0.300796304
GO:004280GO:004280actinin b1/68	36/18352	1.25E-01	0.336471874	0.313116466
GO:000526GO:000526cation ch3/68	334/18352	1.27E-01	0.336471874	0.313116466
GO:002283GO:002283gated cha3/68	337/18352	1.29E-01	0.336471874	0.313116466
GO:000510GO:000510frizzled 1/68	38/18352	1.32E-01	0.336471874	0.313116466
GO:003245GO:003245demethyla1/68	38/18352	1.32E-01	0.336471874	0.313116466
GO:000531GO:000531dicarboxyl/68	39/18352	1.35E-01	0.336471874	0.313116466
GO:000550GO:000550fatty acil/68	39/18352	1.35E-01	0.336471874	0.313116466
GO:001503GO:001503disulfide1/68	41/18352	1.41E-01	0.347845121	0.323700265
GO:005153GO:0051534 iron, 41/68	42/18352	1.45E-01	0.347845121	0.323700265
GO:190168GO:190168sulfur cc1/68	42/18352	1.45E-01	0.347845121	0.323700265
GO:000830GO:000830structural/68	43/18352	1.48E-01	0.351406241	0.327014199
GO:000524GO:000524voltage-g1/68	44/18352	1.51E-01	0.354859078	0.330227365
GO:001670GO:001670oxidoredu1/68	45/18352	1.54E-01	0.35820738	0.333343253
GO:000837GO:000837acetylga11/68	47/18352	1.60E-01	0.358255903	0.333388407
GO:190431GO:190431transmitt1/68	47/18352	1.60E-01	0.358255903	0.333388407
GO:000371GO:000371transcrip2/68	194/18352	1.62E-01	0.358255903	0.333388407
GO:003281GO:003281tumor nec1/68	48/18352	1.63E-01	0.358255903	0.333388407
GO:000524GO:000524voltage-g2/68	197/18352	1.66E-01	0.358255903	0.333388407
GO:002283GO:002283voltage-g2/68	197/18352	1.66E-01	0.358255903	0.333388407
GO:000551GO:000551calmoduli2/68	200/18352	1.70E-01	0.358255903	0.333388407
GO:001676GO:001676transferal/68	50/18352	1.70E-01	0.358255903	0.333388407
GO:009952GO:009952neurotran1/68	50/18352	1.70E-01	0.358255903	0.333388407
GO:001659GO:001659amino acil/68	59/18352	1.97E-01	0.394203573	0.366840854
GO:001662GO:001662oxidoredu1/68	59/18352	1.97E-01	0.394203573	0.366840854
GO:001666GO:001666oxidoredu1/68	59/18352	1.97E-01	0.394203573	0.366840854
GO:000550GO:000550copper ic1/68	60/18352	2.00E-01	0.394203573	0.366840854
GO:002282GO:002282transmitt1/68	60/18352	2.00E-01	0.394203573	0.366840854
GO:002283GO:002283transmitt1/68	60/18352	2.00E-01	0.394203573	0.366840854
GO:009711GO:009711scaffold 1/68	60/18352	2.00E-01	0.394203573	0.366840854
GO:001665GO:001665oxidoredu1/68	61/18352	2.03E-01	0.396292648	0.36878492
GO:009896GO:009896postsynap1/68	65/18352	2.15E-01	0.411295674	0.382746546
GO:000512GO:000512cytokine 2/68	235/18352	2.16E-01	0.411295674	0.382746546
GO:000004GO:000004tRNA bind1/68	66/18352	2.18E-01	0.411295674	0.382746546
GO:005153GO:005153iron-sulf1/68	67/18352	2.21E-01	0.411295674	0.382746546
GO:005154GO:005154metal clu1/68	67/18352	2.21E-01	0.411295674	0.382746546
GO:000817GO:000817RNA methyl/68	69/18352	2.26E-01	0.418318573	0.389281967
GO:001702GO:001702myosin bil/68	72/18352	2.35E-01	0.42801021	0.398300882
GO:000554GO:000554phospholi3/68	454/18352	2.37E-01	0.42801021	0.398300882
GO:004836GO:004836Rac GTPas1/68	73/18352	2.38E-01	0.42801021	0.398300882
GO:000523GO:000523extracell1/68	74/18352	2.41E-01	0.429380428	0.399575989
GO:000525GO:000525chloride 1/68	75/18352	2.43E-01	0.430708834	0.400812188
GO:000372GO:000372RNA helic1/68	77/18352	2.49E-01	0.436916254	0.406588734
GO:000801GO:000801microtubu2/68	265/18352	2.58E-01	0.44564956	0.414715838
GO:000554GO:000554phosphatil/68	82/18352	2.63E-01	0.44564956	0.414715838

GO:001529GO:001529antiportel/68	83/18352	2.66E-01	0.44564956	0.414715838
GO:000512GO:000512cytokine 2/68	271/18352	2.66E-01	0.44564956	0.414715838
GO:004801GO:004801receptor 3/68	487/18352	2.70E-01	0.44564956	0.414715838
GO:000801GO:000801beta-cate1/68	85/18352	2.71E-01	0.44564956	0.414715838
GO:005121GO:005121phosphopr1/68	85/18352	2.71E-01	0.44564956	0.414715838
GO:001675GO:001675transfera2/68	275/18352	2.71E-01	0.44564956	0.414715838
GO:003054GO:003054signaling3/68	492/18352	2.75E-01	0.447230947	0.416187456
GO:000525GO:000525anion chal/68	87/18352	2.77E-01	0.447230947	0.416187456
GO:000524GO:000524voltage-g1/68	88/18352	2.79E-01	0.448085985	0.416983144
GO:006163GO:006163ubiquitin2/68	292/18352	2.95E-01	0.467740989	0.435273841
GO:000166GO:000166G protein2/68	293/18352	2.96E-01	0.467740989	0.435273841
GO:000486GO:000486serine-tyl/68	98/18352	3.06E-01	0.477779438	0.444615495
GO:006165GO:006165ubiquitin2/68	301/18352	3.07E-01	0.477779438	0.444615495
GO:000449GO:000449monooxyge1/68	101/18352	3.13E-01	0.484086117	0.450484411
GO:00151CGO:00151Cchloride 1/68	102/18352	3.16E-01	0.484422963	0.450797876
GO:000814GO:000814drug bind1/68	104/18352	3.21E-01	0.488605849	0.454690417
GO:000549GO:000549steroid b1/68	106/18352	3.26E-01	0.489101236	0.455151417
GO:003149GO:003149chromatin1/68	106/18352	3.26E-01	0.489101236	0.455151417
GO:004748GO:004748protein N1/68	107/18352	3.29E-01	0.48932288	0.455357676
GO:001665GO:001665oxidoredu1/68	109/18352	3.34E-01	0.493214137	0.45897883
GO:003059GO:003059neurotran1/68	111/18352	3.39E-01	0.496996426	0.462498581
GO:190438GO:190438endoplasm2/69	17/18866	0.00173	0.4051285	0.3941115
GO:00365CGO:00365Cprotein d2/69	21/18866	0.002647	0.4051285	0.3941115
GO:00365CGO:00365Cprotein a2/69	21/18866	0.002647	0.4051285	0.3941115
GO:004802GO:004802negative 2/69	22/18866	0.002905	0.4051285	0.3941115
GO:000037GO:000037RNA splic6/69	390/18866	0.003007	0.4051285	0.3941115
GO:000039GO:000039mRNA spli6/69	390/18866	0.003007	0.4051285	0.3941115
GO:000037GO:000037RNA splic6/69	393/18866	0.003123	0.4051285	0.3941115
GO:003311GO:003311negative 2/69	26/18866	0.004048	0.4051285	0.3941115
GO:000651GO:000651protein d2/69	29/18866	0.005022	0.4051285	0.3941115
GO:007007GO:007007histone 12/69	29/18866	0.005022	0.4051285	0.3941115
GO:001657GO:001657histone d2/69	30/18866	0.005368	0.4051285	0.3941115
GO:005068GO:005068negative 2/69	31/18866	0.005724	0.4051285	0.3941115
GO:000648GO:000648protein d2/69	32/18866	0.006092	0.4051285	0.3941115
GO:000821GO:000821protein d2/69	32/18866	0.006092	0.4051285	0.3941115
GO:00076CGO:00076Csensory p6/69	452/18866	0.006145	0.4051285	0.3941115
GO:003129GO:003129replicati2/69	35/18866	0.007256	0.422135	0.4106555
GO:003969GO:003969viral RNA2/69	35/18866	0.007256	0.422135	0.4106555
GO:000838GO:000838RNA splic6/69	487/18866	0.008725	0.4595751	0.4470775
GO:00450CGO:00450CDNA-depen2/69	44/18866	0.011295	0.4595751	0.4470775
GO:200122GO:200122regulatic2/69	45/18866	0.011793	0.4595751	0.4470775
GO:003018GO:003018B cell di3/69	137/18866	0.013849	0.4595751	0.4470775
GO:001593GO:001593nucleobas4/69	261/18866	0.015336	0.4595751	0.4470775
GO:000637GO:000637mRNA spli2/69	54/18866	0.016691	0.4595751	0.4470775
GO:000293GO:000293response 2/69	55/18866	0.01728	0.4595751	0.4470775
GO:005102GO:005102mRNA tran3/69	152/18866	0.018237	0.4595751	0.4470775
GO:004529GO:004529mRNA cis 2/69	57/18866	0.018485	0.4595751	0.4470775
GO:005091GO:005091detection5/69	427/18866	0.019971	0.4595751	0.4470775
GO:000958GO:000958detection2/69	64/18866	0.022971	0.4595751	0.4470775
GO:00181CGO:00181Cpeptidyl-4/69	310/18866	0.026843	0.4595751	0.4470775
GO:007098GO:007098demethyla2/69	72/18866	0.028587	0.4595751	0.4470775

GO:00509CGO:005090detection5/69	472/18866	0.029164	0.4595751	0.4470775
GO:190303GO:190303regulatic3/69	183/18866	0.029492	0.4595751	0.4470775
GO:000038GO:000038regulatic2/69	76/18866	0.03158	0.4595751	0.4470775
GO:000958GO:000958detection2/69	76/18866	0.03158	0.4595751	0.4470775
GO:003043GO:003043ubiquitin2/69	78/18866	0.033121	0.4595751	0.4470775
GO:00182CGO:001820peptidyl-4/69	333/18866	0.033645	0.4595751	0.4470775
GO:001908GO:001908viral_gen3/69	195/18866	0.034639	0.4595751	0.4470775
GO:000232GO:000232immature_1/69	10/18866	0.035986	0.4595751	0.4470775
GO:002185GO:002185pyramidal1/69	10/18866	0.035986	0.4595751	0.4470775
GO:004571GO:004571low-densil/69	10/18866	0.035986	0.4595751	0.4470775
GO:005191GO:005191negative_1/69	10/18866	0.035986	0.4595751	0.4470775
GO:00605CGO:006050epithelial/69	10/18866	0.035986	0.4595751	0.4470775
GO:009705GO:009705type B pal/69	10/18866	0.035986	0.4595751	0.4470775
GO:190241GO:190241regulatic1/69	10/18866	0.035986	0.4595751	0.4470775
GO:200064GO:200064regulatic1/69	10/18866	0.035986	0.4595751	0.4470775
GO:005065GO:005065nucleic_a3/69	200/18866	0.036913	0.4595751	0.4470775
GO:005065GO:005065RNA_trans3/69	200/18866	0.036913	0.4595751	0.4470775
GO:005123GO:005123establish3/69	203/18866	0.038314	0.4595751	0.4470775
GO:000024GO:000024spliceosc2/69	85/18866	0.03874	0.4595751	0.4470775
GO:007238GO:007238organelle2/69	85/18866	0.03874	0.4595751	0.4470775
GO:00329CGO:003290regulatic1/69	11/18866	0.039514	0.4595751	0.4470775
GO:00466CGO:004660positive_1/69	11/18866	0.039514	0.4595751	0.4470775
GO:005269GO:005269xenobiotil/69	11/18866	0.039514	0.4595751	0.4470775
GO:19000CGO:190000regulatic1/69	11/18866	0.039514	0.4595751	0.4470775
GO:190257GO:190257regulatic1/69	11/18866	0.039514	0.4595751	0.4470775
GO:000719GO:000719adenylate2/69	86/18866	0.03957	0.4595751	0.4470775
GO:000038GO:000038alternati2/69	87/18866	0.040408	0.4595751	0.4470775
GO:190331GO:190331negative_2/69	88/18866	0.041252	0.4595751	0.4470775
GO:004339GO:004339regulatic3/69	211/18866	0.04218	0.4595751	0.4470775
GO:000606GO:000606ethanol_c1/69	12/18866	0.043029	0.4595751	0.4470775
GO:000646GO:000646signal_pe1/69	12/18866	0.043029	0.4595751	0.4470775
GO:000655GO:000655lysine_ca1/69	12/18866	0.043029	0.4595751	0.4470775
GO:001618GO:001618synaptic_1/69	12/18866	0.043029	0.4595751	0.4470775
GO:00329CGO:003290transform1/69	12/18866	0.043029	0.4595751	0.4470775
GO:190521GO:190521regulatic1/69	12/18866	0.043029	0.4595751	0.4470775
GO:005109GO:005109regulatic4/69	367/18866	0.045396	0.4595751	0.4470775
GO:190303GO:190303negative_2/69	93/18866	0.04557	0.4595751	0.4470775
GO:000701GO:000701microtubu4/69	368/18866	0.045772	0.4595751	0.4470775
GO:000655GO:000655lysine_me1/69	13/18866	0.046531	0.4595751	0.4470775
GO:00067CGO:000670estrogen_1/69	13/18866	0.046531	0.4595751	0.4470775
GO:00380CGO:003800netrin-ac1/69	13/18866	0.046531	0.4595751	0.4470775
GO:004244GO:004244hormone_n3/69	221/18866	0.047278	0.4595751	0.4470775
GO:003031GO:003031flagellat2/69	96/18866	0.048238	0.4595751	0.4470775
GO:009772GO:009772sperm_mot2/69	96/18866	0.048238	0.4595751	0.4470775
GO:00421CGO:004210B_cell_pr2/69	97/18866	0.04914	0.4595751	0.4470775
GO:00071CGO:000710mitotic_c1/69	14/18866	0.05002	0.4595751	0.4470775
GO:00328CGO:003280low-densil/69	14/18866	0.05002	0.4595751	0.4470775
GO:003293GO:003293SREBP_sig1/69	14/18866	0.05002	0.4595751	0.4470775
GO:003575GO:003575regulatic1/69	14/18866	0.05002	0.4595751	0.4470775
GO:003609GO:003609phosphat1/69	14/18866	0.05002	0.4595751	0.4470775
GO:003816GO:003816angiotens1/69	14/18866	0.05002	0.4595751	0.4470775

GO:00456CGO:004560negative 1/69	14/18866	0.05002	0.4595751	0.4470775
GO:005164GO:005164Golgi loc1/69	14/18866	0.05002	0.4595751	0.4470775
GO:005191GO:005191regulatic1/69	14/18866	0.05002	0.4595751	0.4470775
GO:190415GO:190415regulatic1/69	14/18866	0.05002	0.4595751	0.4470775
GO:003021GO:003021megakaryc2/69	100/18866	0.051882	0.4595751	0.4470775
GO:00365CGO:003650ERAD path2/69	100/18866	0.051882	0.4595751	0.4470775
GO:003112GO:003112mRNA 3'-e2/69	101/18866	0.052808	0.4595751	0.4470775
GO:000721GO:000721G protein1/69	15/18866	0.053497	0.4595751	0.4470775
GO:00094CGO:000940toxin met1/69	15/18866	0.053497	0.4595751	0.4470775
GO:003023GO:003023male sex 1/69	15/18866	0.053497	0.4595751	0.4470775
GO:003315GO:003315V(D)J rec1/69	15/18866	0.053497	0.4595751	0.4470775
GO:005104GO:005104positive 1/69	15/18866	0.053497	0.4595751	0.4470775
GO:005129GO:005129centrosom1/69	15/18866	0.053497	0.4595751	0.4470775
GO:00715CGO:007150cellular 1/69	15/18866	0.053497	0.4595751	0.4470775
GO:009059GO:009059inflamm1/69	15/18866	0.053497	0.4595751	0.4470775
GO:200125GO:200125regulatic1/69	15/18866	0.053497	0.4595751	0.4470775
GO:00064CGO:000640RNA local3/69	236/18866	0.055469	0.4595751	0.4470775
GO:004677GO:004677protein a3/69	237/18866	0.056038	0.4595751	0.4470775
GO:000981GO:000981flavonoid1/69	16/18866	0.056962	0.4595751	0.4470775
GO:007086GO:007086positive 1/69	16/18866	0.056962	0.4595751	0.4470775
GO:007088GO:007088positive 1/69	16/18866	0.056962	0.4595751	0.4470775
GO:010605GO:010605positive 1/69	16/18866	0.056962	0.4595751	0.4470775
GO:190429GO:190429positive 1/69	16/18866	0.056962	0.4595751	0.4470775
GO:001095GO:001095regulatic4/69	396/18866	0.057024	0.4595751	0.4470775
GO:004692GO:004692regulatic2/69	106/18866	0.057526	0.4595751	0.4470775
GO:003288GO:003288regulatic3/69	240/18866	0.057761	0.4595751	0.4470775
GO:000697GO:000697DNA damag1/69	17/18866	0.060414	0.4595751	0.4470775
GO:000699GO:000699response 1/69	17/18866	0.060414	0.4595751	0.4470775
GO:000763GO:000763chemosens1/69	17/18866	0.060414	0.4595751	0.4470775
GO:190131GO:190131regulatic1/69	17/18866	0.060414	0.4595751	0.4470775
GO:190381GO:190381positive 1/69	17/18866	0.060414	0.4595751	0.4470775
GO:190435GO:190435positive 1/69	17/18866	0.060414	0.4595751	0.4470775
GO:003313GO:003313positive 2/69	109/18866	0.060426	0.4595751	0.4470775
GO:006029GO:006029cilium mc2/69	111/18866	0.062386	0.4595751	0.4470775
GO:000071GO:000071resolutic1/69	18/18866	0.063853	0.4595751	0.4470775
GO:004277GO:004277DNA damag1/69	18/18866	0.063853	0.4595751	0.4470775
GO:004565GO:004565negative 1/69	18/18866	0.063853	0.4595751	0.4470775
GO:005269GO:005269cellular 1/69	18/18866	0.063853	0.4595751	0.4470775
GO:009003GO:009003regulatic1/69	18/18866	0.063853	0.4595751	0.4470775
GO:00064CGO:000640mRNA expc2/69	113/18866	0.064368	0.4595751	0.4470775
GO:004802GO:004802regulatic2/69	113/18866	0.064368	0.4595751	0.4470775
GO:007142GO:007142mRNA-cont2/69	113/18866	0.064368	0.4595751	0.4470775
GO:005192GO:005192regulatic3/69	253/18866	0.065517	0.4595751	0.4470775
GO:001066GO:001066positive 1/69	19/18866	0.067281	0.4595751	0.4470775
GO:001066GO:001066positive 1/69	19/18866	0.067281	0.4595751	0.4470775
GO:004568GO:004568negative 1/69	19/18866	0.067281	0.4595751	0.4470775
GO:004849GO:004849anterogral/69	19/18866	0.067281	0.4595751	0.4470775
GO:00509CGO:005090detection1/69	19/18866	0.067281	0.4595751	0.4470775
GO:005096GO:005096detection1/69	19/18866	0.067281	0.4595751	0.4470775
GO:009951GO:009951synaptic 1/69	19/18866	0.067281	0.4595751	0.4470775
GO:009951GO:009951synaptic 1/69	19/18866	0.067281	0.4595751	0.4470775

GO:00068CGO:000680xenobioti2/69	118/18866	0.069414	0.4595751	0.4470775
GO:000681GO:000681calcium i4/69	426/18866	0.07059	0.4595751	0.4470775
GO:000809GO:000809retrograd1/69	20/18866	0.070695	0.4595751	0.4470775
GO:003314GO:003314positive 1/69	20/18866	0.070695	0.4595751	0.4470775
GO:007163GO:007163positive 1/69	20/18866	0.070695	0.4595751	0.4470775
GO:005158GO:005158regulatic2/69	120/18866	0.071468	0.4595751	0.4470775
GO:000718GO:000718G protein3/69	263/18866	0.071793	0.4595751	0.4470775
GO:000153GO:000153cilium or2/69	122/18866	0.073542	0.4595751	0.4470775
GO:005192GO:005192positive 2/69	122/18866	0.073542	0.4595751	0.4470775
GO:006028GO:006028cilium-de2/69	122/18866	0.073542	0.4595751	0.4470775
GO:000211GO:000211store-ope1/69	21/18866	0.074098	0.4595751	0.4470775
GO:003022GO:003022platelet 1/69	21/18866	0.074098	0.4595751	0.4470775
GO:003363GO:003363positive 1/69	21/18866	0.074098	0.4595751	0.4470775
GO:006104GO:006104vascular 1/69	21/18866	0.074098	0.4595751	0.4470775
GO:009028GO:009028positive 1/69	21/18866	0.074098	0.4595751	0.4470775
GO:007146GO:007146cellular 2/69	123/18866	0.074586	0.4595751	0.4470775
GO:003096GO:003096endoplasm2/69	125/18866	0.076689	0.4595751	0.4470775
GO:000606GO:000606ethanol m1/69	22/18866	0.077488	0.4595751	0.4470775
GO:003634GO:003634platelet 1/69	22/18866	0.077488	0.4595751	0.4470775
GO:007137GO:007137cellular 1/69	22/18866	0.077488	0.4595751	0.4470775
GO:000626GO:000626DNA repli3/69	273/18866	0.07833	0.4595751	0.4470775
GO:001907GO:001907viral gen2/69	127/18866	0.078811	0.4595751	0.4470775
GO:000606GO:000606uronic ac1/69	23/18866	0.080866	0.4595751	0.4470775
GO:000703GO:000703vacuolar 1/69	23/18866	0.080866	0.4595751	0.4470775
GO:000906GO:000906aspartate1/69	23/18866	0.080866	0.4595751	0.4470775
GO:001958GO:001958glucuronal/69	23/18866	0.080866	0.4595751	0.4470775
GO:003162GO:003162synaptic 1/69	23/18866	0.080866	0.4595751	0.4470775
GO:00327CGO:003270negative 1/69	23/18866	0.080866	0.4595751	0.4470775
GO:003279GO:003279low-densil/69	23/18866	0.080866	0.4595751	0.4470775
GO:003313GO:003313regulatic1/69	23/18866	0.080866	0.4595751	0.4470775
GO:005104GO:005104regulatic1/69	23/18866	0.080866	0.4595751	0.4470775
GO:000931GO:000931response 4/69	447/18866	0.080993	0.4595751	0.4470775
GO:000941GO:000941response 2/69	130/18866	0.082028	0.4595751	0.4470775
GO:007142GO:007142ribonucle2/69	130/18866	0.082028	0.4595751	0.4470775
GO:007116GO:007116ribonucle2/69	131/18866	0.083109	0.4595751	0.4470775
GO:000309GO:000309glomerula1/69	24/18866	0.084231	0.4595751	0.4470775
GO:001086GO:001086regulatic1/69	24/18866	0.084231	0.4595751	0.4470775
GO:003462GO:003462cellular 1/69	24/18866	0.084231	0.4595751	0.4470775
GO:00510CGO:005100regulatic1/69	24/18866	0.084231	0.4595751	0.4470775
GO:006029GO:006029regulatic1/69	24/18866	0.084231	0.4595751	0.4470775
GO:00995CGO:009950vesicle f1/69	24/18866	0.084231	0.4595751	0.4470775
GO:190201GO:190201regulatic1/69	24/18866	0.084231	0.4595751	0.4470775
GO:004327GO:004327positive 3/69	284/18866	0.085814	0.4595751	0.4470775
GO:003475GO:003475cellular 2/69	134/18866	0.086379	0.4595751	0.4470775
GO:000072GO:000072DNA doubl1/69	25/18866	0.087585	0.4595751	0.4470775
GO:000753GO:000753sex deter1/69	25/18866	0.087585	0.4595751	0.4470775
GO:00513CGO:005130meiotic c1/69	25/18866	0.087585	0.4595751	0.4470775
GO:00972CGO:009720renal fill1/69	25/18866	0.087585	0.4595751	0.4470775
GO:190438GO:190438cellular 1/69	25/18866	0.087585	0.4595751	0.4470775
GO:00217CGO:002170developme3/69	287/18866	0.087906	0.4595751	0.4470775
GO:00315CGO:003150protein-c3/69	291/18866	0.09073	0.4595751	0.4470775

GO:004273GO:004273fibrinoly1/69	26/18866	0.090926	0.4595751	0.4470775
GO:006007GO:006007synapse n1/69	26/18866	0.090926	0.4595751	0.4470775
GO:006076GO:006076regulatic1/69	26/18866	0.090926	0.4595751	0.4470775
GO:190101GO:190101positive 1/69	26/18866	0.090926	0.4595751	0.4470775
GO:190435GO:190435regulatic1/69	26/18866	0.090926	0.4595751	0.4470775
GO:007083GO:007083divalent 4/69	471/18866	0.093767	0.4595751	0.4470775
GO:000958GO:000958detection2/69	141/18866	0.094158	0.4595751	0.4470775
GO:000651GO:000651glycoprot1/69	27/18866	0.094256	0.4595751	0.4470775
GO:000702GO:000702negative 1/69	27/18866	0.094256	0.4595751	0.4470775
GO:00224CGO:00224Cregulatic1/69	27/18866	0.094256	0.4595751	0.4470775
GO:003243GO:003243melanosom1/69	27/18866	0.094256	0.4595751	0.4470775
GO:003278GO:003278positive 1/69	27/18866	0.094256	0.4595751	0.4470775
GO:00425CGO:00425Cserine ph1/69	27/18866	0.094256	0.4595751	0.4470775
GO:00070CGO:00070Cmitochond2/69	142/18866	0.095285	0.4595751	0.4470775
GO:000631GO:000631DNA recon3/69	299/18866	0.09649	0.4595751	0.4470775
GO:00064CGO:00064CRNA expor2/69	144/18866	0.097552	0.4595751	0.4470775
GO:000958GO:000958detection2/69	144/18866	0.097552	0.4595751	0.4470775
GO:000039GO:000039mRNA 5' -s1/69	28/18866	0.097573	0.4595751	0.4470775
GO:000236GO:000236T cell li1/69	28/18866	0.097573	0.4595751	0.4470775
GO:001586GO:001586ATP trans1/69	28/18866	0.097573	0.4595751	0.4470775
GO:002168GO:002168cerebella1/69	28/18866	0.097573	0.4595751	0.4470775
GO:003019GO:003019positive 1/69	28/18866	0.097573	0.4595751	0.4470775
GO:00328CGO:00328Creceptor 1/69	28/18866	0.097573	0.4595751	0.4470775
GO:004875GO:004875pigment g1/69	28/18866	0.097573	0.4595751	0.4470775
GO:190004GO:190004positive 1/69	28/18866	0.097573	0.4595751	0.4470775
GO:199077GO:199077response 1/69	28/18866	0.097573	0.4595751	0.4470775
GO:007251GO:007251divalent 4/69	478/18866	0.097665	0.4595751	0.4470775
GO:003313GO:003313regulatic2/69	145/18866	0.098691	0.4595751	0.4470775
GO:003462GO:003462cellular 2/69	146/18866	0.099834	0.4595751	0.4470775
GO:003097GO:003097retrograd1/69	29/18866	0.100879	0.4595751	0.4470775
GO:004824GO:004824sperm cap1/69	29/18866	0.100879	0.4595751	0.4470775
GO:005082GO:005082positive 1/69	29/18866	0.100879	0.4595751	0.4470775
GO:007086GO:007086regulatic1/69	29/18866	0.100879	0.4595751	0.4470775
GO:190351GO:190351endoplasn1/69	29/18866	0.100879	0.4595751	0.4470775
GO:000827GO:000827regulatic2/69	148/18866	0.102131	0.4595751	0.4470775
GO:001605GO:001605rhodopsin1/69	30/18866	0.104172	0.4595751	0.4470775
GO:001827GO:001827protein N1/69	30/18866	0.104172	0.4595751	0.4470775
GO:006005GO:006005angiogene1/69	30/18866	0.104172	0.4595751	0.4470775
GO:009031GO:009031positive 1/69	30/18866	0.104172	0.4595751	0.4470775
GO:190483GO:190483beta-cate1/69	30/18866	0.104172	0.4595751	0.4470775
GO:006004GO:006004retina de2/69	150/18866	0.104443	0.4595751	0.4470775
GO:000626GO:000626DNA-depen2/69	151/18866	0.105605	0.4595751	0.4470775
GO:006104GO:006104regulatic2/69	151/18866	0.105605	0.4595751	0.4470775
GO:005068GO:005068regulatic2/69	152/18866	0.106769	0.4595751	0.4470775
GO:000232GO:000232natural k1/69	31/18866	0.107454	0.4595751	0.4470775
GO:001819GO:001819peptidyl-1/69	31/18866	0.107454	0.4595751	0.4470775
GO:003111GO:003111regulatic1/69	31/18866	0.107454	0.4595751	0.4470775
GO:190429GO:190429regulatic1/69	31/18866	0.107454	0.4595751	0.4470775
GO:003112GO:003112RNA 3' -en2/69	153/18866	0.107938	0.4595751	0.4470775
GO:001097GO:001097negative 2/69	154/18866	0.10911	0.4595751	0.4470775
GO:000821GO:000821estrogen 1/69	32/18866	0.110724	0.4595751	0.4470775

GO:003469GO:003469response 1/69	32/18866	0.110724	0.4595751	0.4470775
GO:005150GO:005150adenine n1/69	32/18866	0.110724	0.4595751	0.4470775
GO:007052GO:007052protein k1/69	32/18866	0.110724	0.4595751	0.4470775
GO:000334GO:000334cilium mc2/69	156/18866	0.111464	0.4595751	0.4470775
GO:004348GO:004348regulatic2/69	156/18866	0.111464	0.4595751	0.4470775
GO:000941GO:000941response 3/69	319/18866	0.111525	0.4595751	0.4470775
GO:000335GO:000335regulatic1/69	33/18866	0.113981	0.4616013	0.4490486
GO:001586GO:001586purine ril/69	33/18866	0.113981	0.4616013	0.4490486
GO:004257GO:004257retinoic 1/69	33/18866	0.113981	0.4616013	0.4490486
GO:005109GO:005109positive 2/69	159/18866	0.11502	0.4616013	0.4490486
GO:000728GO:000728spermatid2/69	160/18866	0.116212	0.4616013	0.4490486
GO:000689GO:000689intra-Gol1/69	34/18866	0.117228	0.4616013	0.4490486
GO:001586GO:001586purine nul/69	34/18866	0.117228	0.4616013	0.4490486
GO:003043GO:003043sleep 1/69	34/18866	0.117228	0.4616013	0.4490486
GO:003221GO:003221positive 1/69	34/18866	0.117228	0.4616013	0.4490486
GO:009866GO:009866G protein1/69	34/18866	0.117228	0.4616013	0.4490486
GO:001097GO:001097transport2/69	161/18866	0.117407	0.4616013	0.4490486
GO:004211GO:004211B cell ac3/69	328/18866	0.11857	0.4616013	0.4490486
GO:000760GO:000760phototran1/69	35/18866	0.120462	0.4616013	0.4490486
GO:001648GO:001648peptide h1/69	35/18866	0.120462	0.4616013	0.4490486
GO:003280GO:003280receptor 1/69	35/18866	0.120462	0.4616013	0.4490486
GO:004246GO:004246eye photc1/69	35/18866	0.120462	0.4616013	0.4490486
GO:007088GO:007088regulatic1/69	35/18866	0.120462	0.4616013	0.4490486
GO:014044GO:014044signaling1/69	35/18866	0.120462	0.4616013	0.4490486
GO:000176GO:000176neuron mi2/69	164/18866	0.121011	0.4616013	0.4490486
GO:003596GO:003596cellular 2/69	166/18866	0.123429	0.4616013	0.4490486
GO:004851GO:004851spermatid2/69	166/18866	0.123429	0.4616013	0.4490486
GO:005197GO:005197positive 1/69	36/18866	0.123685	0.4616013	0.4490486
GO:007163GO:007163regulatic1/69	36/18866	0.123685	0.4616013	0.4490486
GO:009031GO:009031regulatic1/69	36/18866	0.123685	0.4616013	0.4490486
GO:010605GO:010605regulatic1/69	36/18866	0.123685	0.4616013	0.4490486
GO:006042GO:006042lung epit1/69	37/18866	0.126896	0.462822	0.4502361
GO:009005GO:009005positive 1/69	37/18866	0.126896	0.462822	0.4502361
GO:190435GO:190435positive 1/69	37/18866	0.126896	0.462822	0.4502361
GO:200024GO:200024regulatic2/69	170/18866	0.128301	0.462822	0.4502361
GO:001905GO:001905viral lif3/69	341/18866	0.129033	0.462822	0.4502361
GO:009015GO:009015establish3/69	342/18866	0.129851	0.462822	0.4502361
GO:000686GO:000686nucleotid1/69	38/18866	0.130096	0.462822	0.4502361
GO:000722GO:000722Wnt signal/69	38/18866	0.130096	0.462822	0.4502361
GO:001066GO:001066positive 1/69	38/18866	0.130096	0.462822	0.4502361
GO:007139GO:007139cellular 1/69	38/18866	0.130096	0.462822	0.4502361
GO:007160GO:007160transform1/69	38/18866	0.130096	0.462822	0.4502361
GO:190002GO:190002positive 1/69	38/18866	0.130096	0.462822	0.4502361
GO:190589GO:190589positive 1/69	38/18866	0.130096	0.462822	0.4502361
GO:005109GO:005109positive 2/69	174/18866	0.133218	0.4641459	0.451524
GO:000182GO:000182blastocys1/69	39/18866	0.133284	0.4641459	0.451524
GO:000721GO:000721serotonin1/69	39/18866	0.133284	0.4641459	0.451524
GO:001073GO:001073protein k1/69	39/18866	0.133284	0.4641459	0.451524
GO:001083GO:001083regulatic1/69	39/18866	0.133284	0.4641459	0.451524
GO:003111GO:003111negative 1/69	39/18866	0.133284	0.4641459	0.451524
GO:000726GO:000726neurotran2/69	175/18866	0.134454	0.464946	0.4523023

GO:009964GO:009964signal re2/69	175/18866	0.134454	0.464946	0.4523023
GO:005081GO:005081coagulati3/69	349/18866	0.135632	0.4653757	0.4527204
GO:00439CGO:004390positive 1/69	40/18866	0.13646	0.4653757	0.4527204
GO:009735GO:009735autophagc1/69	40/18866	0.13646	0.4653757	0.4527204
GO:190138GO:190138positive 1/69	40/18866	0.13646	0.4653757	0.4527204
GO:001908GO:001908viral tra2/69	178/18866	0.138177	0.4696128	0.4568422
GO:190179GO:190179regulatic2/69	180/18866	0.140673	0.4764559	0.4634992
GO:00065CGO:000650membrane 1/69	42/18866	0.142779	0.4800091	0.4669558
GO:009027GO:009027regulatic1/69	42/18866	0.142779	0.4800091	0.4669558
GO:009031GO:009031positive 2/69	182/18866	0.143178	0.4800091	0.4669558
GO:000698GO:000698response 2/69	183/18866	0.144434	0.4810521	0.4679704
GO:000661GO:000661protein e2/69	184/18866	0.145692	0.4810521	0.4679704
GO:00063CGO:000630DNA catab1/69	43/18866	0.145921	0.4810521	0.4679704
GO:003052GO:003052androgen 1/69	43/18866	0.145921	0.4810521	0.4679704
GO:005085GO:005085positive 1/69	43/18866	0.145921	0.4810521	0.4679704
GO:003167GO:003167cellular 1/69	44/18866	0.149052	0.4828692	0.4697381
GO:003317GO:003317calcineur1/69	44/18866	0.149052	0.4828692	0.4697381
GO:004848GO:004848synaptic 1/69	44/18866	0.149052	0.4828692	0.4697381
GO:00905CGO:009050RNA phosp1/69	44/18866	0.149052	0.4828692	0.4697381
GO:190198GO:190198positive 1/69	44/18866	0.149052	0.4828692	0.4697381
GO:003134GO:003134negative 2/69	188/18866	0.15075	0.4828692	0.4697381
GO:003009GO:003009lymphocyt3/69	368/18866	0.15176	0.4828692	0.4697381
GO:003419GO:003419cellular 1/69	45/18866	0.152171	0.4828692	0.4697381
GO:004561GO:004561regulatic1/69	45/18866	0.152171	0.4828692	0.4697381
GO:00512CGO:005120protein il/69	45/18866	0.152171	0.4828692	0.4697381
GO:00705CGO:007050regulatic2/69	190/18866	0.153292	0.4828692	0.4697381
GO:009911GO:009911microtubu2/69	190/18866	0.153292	0.4828692	0.4697381
GO:004586GO:004586positive 3/69	370/18866	0.153493	0.4828692	0.4697381
GO:000175GO:000175eye photc1/69	46/18866	0.155279	0.4828692	0.4697381
GO:000701GO:000701microtubul/69	46/18866	0.155279	0.4828692	0.4697381
GO:00320CGO:003200negative 1/69	46/18866	0.155279	0.4828692	0.4697381
GO:004333GO:004333response 1/69	46/18866	0.155279	0.4828692	0.4697381
GO:000641GO:000641translati2/69	192/18866	0.155842	0.4828692	0.4697381
GO:003057GO:003057collagen 1/69	47/18866	0.158376	0.4828692	0.4697381
GO:004257GO:004257retinol n1/69	47/18866	0.158376	0.4828692	0.4697381
GO:004326GO:004326positive 1/69	47/18866	0.158376	0.4828692	0.4697381
GO:000808GO:000808anterogral/69	48/18866	0.161462	0.4828692	0.4697381
GO:003278GO:003278regulatic1/69	48/18866	0.161462	0.4828692	0.4697381
GO:003362GO:003362regulatic1/69	48/18866	0.161462	0.4828692	0.4697381
GO:004246GO:004246photorecel/69	48/18866	0.161462	0.4828692	0.4697381
GO:005197GO:005197regulatic1/69	48/18866	0.161462	0.4828692	0.4697381
GO:006063GO:006063regulatic1/69	48/18866	0.161462	0.4828692	0.4697381
GO:190403GO:190403negative 1/69	48/18866	0.161462	0.4828692	0.4697381
GO:199092GO:199092response 1/69	48/18866	0.161462	0.4828692	0.4697381
GO:000762GO:000762locomotor2/69	198/18866	0.163543	0.4828692	0.4697381
GO:003252GO:003252protein e1/69	49/18866	0.164537	0.4828692	0.4697381
GO:003266GO:003266regulatic1/69	49/18866	0.164537	0.4828692	0.4697381
GO:004749GO:004749vesicle t1/69	49/18866	0.164537	0.4828692	0.4697381
GO:009015GO:009015establish1/69	49/18866	0.164537	0.4828692	0.4697381
GO:009772GO:009772calcineur1/69	49/18866	0.164537	0.4828692	0.4697381
GO:012017GO:012017steroid h1/69	49/18866	0.164537	0.4828692	0.4697381

GO:199009GO:199009cellular 1/69	49/18866	0.164537	0.4828692	0.4697381
GO:000165GO:000165eye devel3/69	384/18866	0.165798	0.4832559	0.4701143
GO:003070GO:003070cytoskele2/69	200/18866	0.166126	0.4832559	0.4701143
GO:000906GO:000906aspartate1/69	50/18866	0.1676	0.4832559	0.4701143
GO:002169GO:002169cerebella1/69	50/18866	0.1676	0.4832559	0.4701143
GO:003019GO:003019negative 1/69	50/18866	0.1676	0.4832559	0.4701143
GO:004361GO:004361keratinoc1/69	50/18866	0.1676	0.4832559	0.4701143
GO:015006GO:015006visual sy3/69	388/18866	0.169368	0.4841574	0.4709913
GO:000698GO:000698ER-nucleu1/69	51/18866	0.170653	0.4841574	0.4709913
GO:003220GO:003220positive 1/69	51/18866	0.170653	0.4841574	0.4709913
GO:190004GO:190004negative 1/69	51/18866	0.170653	0.4841574	0.4709913
GO:003133GO:003133positive 3/69	390/18866	0.171161	0.4841574	0.4709913
GO:005116GO:005116nuclear e2/69	204/18866	0.171312	0.4841574	0.4709913
GO:003596GO:003596response 2/69	205/18866	0.172613	0.4841574	0.4709913
GO:001088GO:001088regulatic1/69	52/18866	0.173694	0.4841574	0.4709913
GO:003305GO:003305cellular 1/69	52/18866	0.173694	0.4841574	0.4709913
GO:006042GO:006042lung morpl/69	52/18866	0.173694	0.4841574	0.4709913
GO:199008GO:199008response 1/69	52/18866	0.173694	0.4841574	0.4709913
GO:004888GO:004888sensory s3/69	394/18866	0.174764	0.4841574	0.4709913
GO:000833GO:000833endosome 1/69	53/18866	0.176725	0.4841574	0.4709913
GO:003221GO:003221regulatic1/69	53/18866	0.176725	0.4841574	0.4709913
GO:004333GO:004333response 1/69	53/18866	0.176725	0.4841574	0.4709913
GO:004816GO:004816regulatic1/69	53/18866	0.176725	0.4841574	0.4709913
GO:009917GO:009917presynaps1/69	53/18866	0.176725	0.4841574	0.4709913
GO:190002GO:190002regulatic1/69	53/18866	0.176725	0.4841574	0.4709913
GO:000095GO:000095nuclear-t2/69	210/18866	0.179143	0.4870332	0.4737889
GO:000661GO:000661protein t2/69	210/18866	0.179143	0.4870332	0.4737889
GO:003085GO:003085negative 1/69	54/18866	0.179744	0.4870332	0.4737889
GO:003262GO:003262interleuk1/69	54/18866	0.179744	0.4870332	0.4737889
GO:000195GO:000195positive 1/69	55/18866	0.182753	0.4884935	0.4752095
GO:000713GO:000713reciprocal/69	55/18866	0.182753	0.4884935	0.4752095
GO:001623GO:001623telomere 1/69	55/18866	0.182753	0.4884935	0.4752095
GO:005081GO:005081negative 1/69	55/18866	0.182753	0.4884935	0.4752095
GO:005145GO:005145intracell1/69	55/18866	0.182753	0.4884935	0.4752095
GO:001066GO:001066regulatic1/69	56/18866	0.185751	0.4910175	0.4776648
GO:003582GO:003582homologou1/69	56/18866	0.185751	0.4910175	0.4776648
GO:001974GO:001974secondary1/69	57/18866	0.188737	0.4910175	0.4776648
GO:004584GO:004584positive 1/69	57/18866	0.188737	0.4910175	0.4776648
GO:004685GO:004685phosphatil/69	57/18866	0.188737	0.4910175	0.4776648
GO:004801GO:004801inositol 1/69	57/18866	0.188737	0.4910175	0.4776648
GO:007093GO:007093protein K1/69	57/18866	0.188737	0.4910175	0.4776648
GO:007139GO:007139cellular 1/69	57/18866	0.188737	0.4910175	0.4776648
GO:009747GO:009747synaptic 1/69	57/18866	0.188737	0.4910175	0.4776648
GO:000760GO:000760visual pe2/69	218/18866	0.189669	0.4910175	0.4776648
GO:001066GO:001066regulatic1/69	58/18866	0.191714	0.4910175	0.4776648
GO:003163GO:003163zymogen al/69	58/18866	0.191714	0.4910175	0.4776648
GO:004585GO:004585pH reduct1/69	58/18866	0.191714	0.4910175	0.4776648
GO:004612GO:004612purine ril/69	58/18866	0.191714	0.4910175	0.4776648
GO:003166GO:003166cellular 2/69	221/18866	0.193638	0.4910175	0.4776648
GO:000910GO:000910glycoprot3/69	415/18866	0.194027	0.4910175	0.4776648
GO:001065GO:001065cardiac m1/69	59/18866	0.194679	0.4910175	0.4776648

GO:001973GO:001973antibactel/69	59/18866	0.194679	0.4910175	0.4776648
GO:004666GO:004666regulaticl/69	59/18866	0.194679	0.4910175	0.4776648
GO:009893GO:009893axonal trl/69	59/18866	0.194679	0.4910175	0.4776648
GO:003238GO:003238positive 2/69	222/18866	0.194964	0.4910175	0.4776648
GO:005095GO:005095sensory p2/69	222/18866	0.194964	0.4910175	0.4776648
GO:00076CGO:00076Cphototranl/69	60/18866	0.197633	0.4910175	0.4776648
GO:00718CGO:00718Cprotein tl/69	60/18866	0.197633	0.4910175	0.4776648
GO:200024GO:200024negative 1/69	60/18866	0.197633	0.4910175	0.4776648
GO:004566GO:004566negative 2/69	225/18866	0.198949	0.4910175	0.4776648
GO:004573GO:004573positive 2/69	225/18866	0.198949	0.4910175	0.4776648
GO:001065GO:001065striated 1/69	61/18866	0.200577	0.4910175	0.4776648
GO:003361GO:003361membrane 1/69	61/18866	0.200577	0.4910175	0.4776648
GO:004227GO:004227purine nul/69	61/18866	0.200577	0.4910175	0.4776648
GO:004688GO:004688negative 1/69	61/18866	0.200577	0.4910175	0.4776648
GO:00903CGO:00903Cpositive 1/69	61/18866	0.200577	0.4910175	0.4776648
GO:190307GO:190307positive 1/69	61/18866	0.200577	0.4910175	0.4776648
GO:190435GO:190435regulaticl/69	61/18866	0.200577	0.4910175	0.4776648
GO:004316GO:004316proteasom3/69	424/18866	0.202444	0.4943634	0.4809197
GO:000683GO:000683neurotran2/69	229/18866	0.204277	0.4976108	0.4840788
GO:003112GO:003112cytoplasm1/69	63/18866	0.206433	0.499175	0.4856005
GO:004653GO:004653photorecel/69	63/18866	0.206433	0.499175	0.4856005
GO:004662GO:004662positive 1/69	63/18866	0.206433	0.499175	0.4856005
GO:004432GO:004432endoplasm2/73	24/19559	0.003596	0.3005535	0.2827907
GO:003612GO:003612sperm fla3/73	115/19559	0.009136	0.3005535	0.2827907
GO:001623GO:001623aggresome2/73	39/19559	0.009312	0.3005535	0.2827907
GO:009772GO:0097729+2 motil3/73	120/19559	0.010255	0.3005535	0.2827907
GO:00313CGO:00313Cintrinsic5/73	398/19559	0.016519	0.3005535	0.2827907
GO:003122GO:003122intrinsic3/73	166/19559	0.024221	0.3005535	0.2827907
GO:003509GO:003509histone n2/73	77/19559	0.033583	0.3005535	0.2827907
GO:001623GO:001623inclusion2/73	78/19559	0.034385	0.3005535	0.2827907
GO:003042GO:003042site of p3/73	191/19559	0.03464	0.3005535	0.2827907
GO:000568GO:000568spliceosc3/73	192/19559	0.035098	0.3005535	0.2827907
GO:003151GO:003151motile ci3/73	199/19559	0.038393	0.3005535	0.2827907
GO:007101GO:007101catalytic2/73	87/19559	0.041931	0.3005535	0.2827907
GO:000081GO:000081Swr1 comp1/73	12/19559	0.043892	0.3005535	0.2827907
GO:000568GO:000568U2-type s2/73	93/19559	0.047274	0.3005535	0.2827907
GO:000825GO:000825oligosacc1/73	13/19559	0.047462	0.3005535	0.2827907
GO:003012GO:003012COPI vesil/73	13/19559	0.047462	0.3005535	0.2827907
GO:004466GO:004466MLL3/4 cc1/73	13/19559	0.047462	0.3005535	0.2827907
GO:00313CGO:00313Cintegral 4/73	367/19559	0.048361	0.3005535	0.2827907
GO:00347CGO:00347Ccation ch3/73	221/19559	0.049734	0.3005535	0.2827907
GO:009752GO:009752spliceosc2/73	96/19559	0.050035	0.3005535	0.2827907
GO:000034GO:000034transcrip1/73	14/19559	0.05102	0.3005535	0.2827907
GO:003108GO:003108platelet 1/73	14/19559	0.05102	0.3005535	0.2827907
GO:004324GO:004324Fanconi a1/73	14/19559	0.05102	0.3005535	0.2827907
GO:003108GO:003108BLOC-1 cc1/73	15/19559	0.054564	0.3005535	0.2827907
GO:003053GO:003053small nuc2/73	102/19559	0.055725	0.3005535	0.2827907
GO:003067GO:003067synaptic 2/73	104/19559	0.057671	0.3005535	0.2827907
GO:00995CGO:00995Cexocytic 2/73	104/19559	0.057671	0.3005535	0.2827907
GO:004512GO:004512pronucleu1/73	16/19559	0.058096	0.3005535	0.2827907
GO:00347CGO:00347Cmethyltra2/73	105/19559	0.058652	0.3005535	0.2827907

GO:00710CGO:00710CU2-type p1/73	17/19559	0.061614	0.3005535	0.2827907
GO:007101GO:007101presplice1/73	17/19559	0.061614	0.3005535	0.2827907
GO:003577GO:003577ribonucle3/73	243/19559	0.062526	0.3005535	0.2827907
GO:00166CGO:001660nuclear s4/73	401/19559	0.062917	0.3005535	0.2827907
GO:003066GO:003066COPI-coat1/73	18/19559	0.065119	0.3005535	0.2827907
GO:003243GO:003243filopodiul/73	18/19559	0.065119	0.3005535	0.2827907
GO:003013GO:003013transport4/73	410/19559	0.067119	0.3005535	0.2827907
GO:012011GO:012011Sm-like p2/73	114/19559	0.067741	0.3005535	0.2827907
GO:003108GO:003108BLOC compl/73	20/19559	0.072091	0.3005535	0.2827907
GO:003514GO:003514exon-exon1/73	20/19559	0.072091	0.3005535	0.2827907
GO:004318GO:004318P granule1/73	20/19559	0.072091	0.3005535	0.2827907
GO:006029GO:006029germ plas1/73	20/19559	0.072091	0.3005535	0.2827907
GO:003526GO:003526NuA4 hist1/73	21/19559	0.075558	0.3005535	0.2827907
GO:004282GO:004282platelet 1/73	21/19559	0.075558	0.3005535	0.2827907
GO:004318GO:004318H4/H2A hil/73	21/19559	0.075558	0.3005535	0.2827907
GO:004549GO:004549pole plas1/73	21/19559	0.075558	0.3005535	0.2827907
GO:000568GO:000568U5 snRNP 1/73	22/19559	0.079012	0.3074603	0.2892893
GO:009738GO:009738photorecel/73	24/19559	0.085882	0.3202683	0.3013404
GO:009879GO:009879outer mit1/73	24/19559	0.085882	0.3202683	0.3013404
GO:009734GO:009734IN080-typ1/73	25/19559	0.089298	0.3262109	0.3069317
GO:003228GO:003228AMPA glut1/73	26/19559	0.092701	0.3318707	0.3122571
GO:004423GO:004423organelle1/73	27/19559	0.096092	0.3334731	0.3137648
GO:003013GO:003013COPI-coat1/73	28/19559	0.09947	0.3334731	0.3137648
GO:00347CGO:00347Cion chann3/73	299/19559	0.101077	0.3334731	0.3137648
GO:000594GO:000594phosphatil/73	29/19559	0.102836	0.3334731	0.3137648
GO:009722GO:009722sperm mid1/73	29/19559	0.102836	0.3334731	0.3137648
GO:000573GO:000573small nucl1/73	30/19559	0.10619	0.3334731	0.3137648
GO:00710CGO:00710CU2-type c1/73	30/19559	0.10619	0.3334731	0.3137648
GO:003014GO:003014trans-Goll1/73	32/19559	0.11286	0.3483082	0.327723
GO:003017GO:003017integral 2/73	158/19559	0.117718	0.3506064	0.3298855
GO:190249GO:190249transmemb3/73	322/19559	0.119122	0.3506064	0.3298855
GO:003028GO:003028integral 1/73	34/19559	0.11948	0.3506064	0.3298855
GO:199035GO:199035transport3/73	330/19559	0.125664	0.3628052	0.3413633
GO:000568GO:000568U1 snRNP 1/73	37/19559	0.12932	0.3674338	0.3457183
GO:000579GO:000579Golgi-ass2/73	181/19559	0.146612	0.4081301	0.3840095
GO:000589GO:000589voltage-g1/73	43/19559	0.148676	0.4081301	0.3840095
GO:003042GO:003042growth cc2/73	184/19559	0.150484	0.4081301	0.3840095
GO:190256GO:190256H4 histon1/73	46/19559	0.158194	0.4125772	0.3881938
GO:009879GO:009879Golgi app3/73	368/19559	0.158405	0.4125772	0.3881938
GO:002262GO:002262cytosolic1/73	47/19559	0.161343	0.4125772	0.3881938
GO:009856GO:009856intrinsic1/73	47/19559	0.161343	0.4125772	0.3881938
GO:000832GO:000832ionotropil/73	49/19559	0.167607	0.4225579	0.3975846
GO:009887GO:009887neurotran1/73	51/19559	0.173824	0.4321467	0.4066067
GO:000802GO:000802synaptic 2/73	205/19559	0.178118	0.4361668	0.4103892
GO:003198GO:003198organelle3/73	392/19559	0.180315	0.4361668	0.4103892
GO:003065GO:003065transport2/73	209/19559	0.183472	0.437886	0.4120068
GO:003012GO:003012vesicle c1/73	56/19559	0.189169	0.4455419	0.4192103
GO:190411GO:190411axon cytc1/73	57/19559	0.192204	0.4468109	0.4204043
GO:007038GO:007038exocytic 2/73	223/19559	0.202387	0.462753	0.4354042
GO:003017GO:003017integral 1/73	61/19559	0.204232	0.462753	0.4354042
GO:003646GO:003646cytoplasm2/73	233/19559	0.216035	0.4791605	0.450842

GO:003122GO:003122intrinsic1/73	66/19559	0.219019	0.4791605	0.450842
GO:003470GO:003470calcium c1/73	67/19559	0.221944	0.4791605	0.450842
GO:000172GO:000172stress fil/73	68/19559	0.224857	0.4791605	0.450842
GO:009751GO:009751contractil/73	68/19559	0.224857	0.4791605	0.450842
GO:000584GO:000584polysome 1/73	69/19559	0.227761	0.4796371	0.4512904
GO:000580GO:000580trans-Gol2/73	245/19559	0.232524	0.4839738	0.4553708
GO:001593GO:001593small rib1/73	74/19559	0.242116	0.4924866	0.4633805
GO:007060GO:007060SWI/SNF s1/73	74/19559	0.242116	0.4924866	0.4633805
GO:003243GO:003243actin fill/73	76/19559	0.247785	0.4983533	0.4689005
GO:000011GO:000011histone d1/73	77/19559	0.250603	0.4984216	0.4689647
GO:190494GO:190494ATPase cc1/73	78/19559	0.253411	0.4984679	0.4690083
GO:004264GO:004264actomyosil/73	79/19559	0.256209	0.498493	0.469032
GO:000993GO:000993calcium-d2/73	23/18352	0.003741	0.2383567	0.2288317
GO:001085GO:001085calcium-d2/73	24/18352	0.00407	0.2383567	0.2288317
GO:000468GO:000468calmoduli2/73	28/18352	0.005518	0.2383567	0.2288317
GO:003245GO:003245histone d2/73	28/18352	0.005518	0.2383567	0.2288317
GO:014045GO:014045protein d2/73	28/18352	0.005518	0.2383567	0.2288317
GO:003245GO:003245demethyla2/73	38/18352	0.010002	0.360073	0.3456841
GO:000202GO:000202protease 3/73	137/18352	0.017312	0.3805189	0.365313
GO:000498GO:000498olfactory5/73	427/18352	0.02753	0.3805189	0.365313
GO:003600GO:003600pre-mRNA 2/73	65/18352	0.027627	0.3805189	0.365313
GO:000495GO:000495prostagla1/73	10/18352	0.039083	0.3805189	0.365313
GO:001592GO:001592mannosyl-1/73	10/18352	0.039083	0.3805189	0.365313
GO:001630GO:0016301-phospha1/73	10/18352	0.039083	0.3805189	0.365313
GO:001845GO:001845alcohol d1/73	10/18352	0.039083	0.3805189	0.365313
GO:000554GO:000554phosphati2/73	82/18352	0.042254	0.3805189	0.365313
GO:000495GO:000495prostanoil/73	11/18352	0.042907	0.3805189	0.365313
GO:001675GO:001675transfera3/73	201/18352	0.04606	0.3805189	0.365313
GO:000430GO:000430estradiol1/73	12/18352	0.046716	0.3805189	0.365313
GO:003500GO:003500phosphatil/73	12/18352	0.046716	0.3805189	0.365313
GO:009715GO:009715pre-mRNA 1/73	12/18352	0.046716	0.3805189	0.365313
GO:003445GO:003445ubiquitin1/73	13/18352	0.050511	0.3805189	0.365313
GO:005121GO:005121dioxygena2/73	91/18352	0.050934	0.3805189	0.365313
GO:000455GO:000455alpha-man1/73	15/18352	0.058055	0.3805189	0.365313
GO:000495GO:000495icosanoid1/73	15/18352	0.058055	0.3805189	0.365313
GO:009884GO:009884sequence-1/73	15/18352	0.058055	0.3805189	0.365313
GO:000509GO:000509GDP-dissc1/73	16/18352	0.061805	0.3805189	0.365313
GO:001592GO:001592mannosidal/73	16/18352	0.061805	0.3805189	0.365313
GO:001630GO:001630phosphatil/73	16/18352	0.061805	0.3805189	0.365313
GO:005274GO:005274phosphatil/73	16/18352	0.061805	0.3805189	0.365313
GO:000554GO:000554odorant b2/73	103/18352	0.063397	0.3805189	0.365313
GO:000513GO:000513type I in1/73	17/18352	0.06554	0.3805189	0.365313
GO:000470GO:000470MAP kinas1/73	18/18352	0.069261	0.3805189	0.365313
GO:000840GO:0008405'-3' exc1/73	19/18352	0.072966	0.3805189	0.365313
GO:000474GO:000474retinol d1/73	20/18352	0.076658	0.3805189	0.365313
GO:000832GO:000832protein t1/73	20/18352	0.076658	0.3805189	0.365313
GO:014031GO:014031protein t1/73	20/18352	0.076658	0.3805189	0.365313
GO:199038GO:199038ubiquitin1/73	20/18352	0.076658	0.3805189	0.365313
GO:000014GO:000014SNARE bin2/73	115/18352	0.076771	0.3805189	0.365313
GO:000460GO:000460glutathic1/73	21/18352	0.080335	0.3805189	0.365313
GO:004349GO:004349protein-n1/73	21/18352	0.080335	0.3805189	0.365313

GO:190293GO:190293phosphati2/73	119/18352	0.081412	0.3805189	0.365313
GO:001661GO:001661oxidoredu2/73	120/18352	0.082586	0.3805189	0.365313
GO:002288GO:002288macromole1/73	22/18352	0.083997	0.3805189	0.365313
GO:003369GO:003369sialic ac1/73	22/18352	0.083997	0.3805189	0.365313
GO:000517GO:000517hormone a2/73	122/18352	0.084949	0.3805189	0.365313
GO:003509GO:003509phosphati3/73	262/18352	0.086524	0.3805189	0.365313
GO:01401CGO:01401Ccatalytic1/73	23/18352	0.087645	0.3805189	0.365313
GO:001661GO:001661oxidoredu2/73	130/18352	0.094602	0.3805189	0.365313
GO:001675GO:001675transfera3/73	275/18352	0.096608	0.3805189	0.365313
GO:004432GO:004432ion chann2/73	132/18352	0.097064	0.3805189	0.365313
GO:000534GO:000534ATP trans1/73	26/18352	0.098503	0.3805189	0.365313
GO:001707GO:001707syntaxin-1/73	26/18352	0.098503	0.3805189	0.365313
GO:000806GO:000806glutamatel/73	27/18352	0.102094	0.3805189	0.365313
GO:005178GO:005178misfolded1/73	27/18352	0.102094	0.3805189	0.365313
GO:005068GO:005068androgen 1/73	28/18352	0.105671	0.3805189	0.365313
GO:008002GO:008002phosphatil/73	28/18352	0.105671	0.3805189	0.365313
GO:002284GO:002284voltage-g2/73	140/18352	0.107087	0.3805189	0.365313
GO:004342GO:004342bHLH tran1/73	29/18352	0.109234	0.3805189	0.365313
GO:000819GO:000819UDP-glycc2/73	144/18352	0.1122	0.3805189	0.365313
GO:000029GO:000029adenine n1/73	30/18352	0.112783	0.3805189	0.365313
GO:000518GO:000518neuropept1/73	30/18352	0.112783	0.3805189	0.365313
GO:000534GO:000534purine ril/73	30/18352	0.112783	0.3805189	0.365313
GO:003376GO:003376steroid d1/73	30/18352	0.112783	0.3805189	0.365313
GO:004332GO:004332phosphatil/73	30/18352	0.112783	0.3805189	0.365313
GO:001521GO:001521purine nu1/73	31/18352	0.116318	0.3805189	0.365313
GO:003029GO:003029protein s1/73	31/18352	0.116318	0.3805189	0.365313
GO:190468GO:190468peptide t1/73	31/18352	0.116318	0.3805189	0.365313
GO:001502GO:001502glucuronc1/73	32/18352	0.119839	0.3805189	0.365313
GO:001521GO:001521nucleotid1/73	33/18352	0.123346	0.3805189	0.365313
GO:005101GO:005101mitogen-a1/73	33/18352	0.123346	0.3805189	0.365313
GO:000499GO:000499G protein1/73	34/18352	0.12684	0.3805189	0.365313
GO:001622GO:001622steroid d1/73	34/18352	0.12684	0.3805189	0.365313
GO:009958GO:009958serotonin1/73	34/18352	0.12684	0.3805189	0.365313
GO:004801GO:004801receptor 4/73	487/18352	0.128821	0.3811683	0.3659364
GO:003054GO:003054signaling4/73	492/18352	0.132308	0.3853017	0.3699046
GO:000017GO:0000173'-5'-exc1/73	36/18352	0.133785	0.3853017	0.3699046
GO:00156CGO:00156Corganophc1/73	38/18352	0.140676	0.3939998	0.3782551
GO:001689GO:001689exoribonu1/73	38/18352	0.140676	0.3939998	0.3782551
GO:000531GO:000531dicarboxyl/73	39/18352	0.144102	0.3939998	0.3782551
GO:000554GO:000554phosphatil/73	39/18352	0.144102	0.3939998	0.3782551
GO:000453GO:000453exoribonu1/73	40/18352	0.147514	0.3975242	0.3816388
GO:000853GO:000853Ran GTPas1/73	41/18352	0.150912	0.3975242	0.3816388
GO:004216GO:004216SH2 domail/73	41/18352	0.150912	0.3975242	0.3816388
GO:190198GO:190198phosphati2/73	179/18352	0.159287	0.4091986	0.3928466
GO:014029GO:014029DNA-bindi3/73	347/18352	0.160018	0.4091986	0.3928466
GO:000524GO:000524voltage-g1/73	44/18352	0.161027	0.4091986	0.3928466
GO:000471GO:000471protein s1/73	45/18352	0.164372	0.4128425	0.3963449
GO:003525GO:003525glutamatel/73	46/18352	0.167705	0.41637	0.3997314
GO:000837GO:000837acetylga11/73	47/18352	0.171024	0.4197851	0.4030101
GO:000374GO:000374translatil/73	51/18352	0.18417	0.4283924	0.4112734
GO:000822GO:000822G protein1/73	51/18352	0.18417	0.4283924	0.4112734

GO:004288GO:004288amide tra1/73	51/18352	0.18417	0.4283924	0.4112734
GO:000524GO:000524voltage-g2/73	197/18352	0.184746	0.4283924	0.4112734
GO:002283GO:002283voltage-g2/73	197/18352	0.184746	0.4283924	0.4112734
GO:000460GO:000460peroxidase1/73	52/18352	0.187424	0.4283924	0.4112734
GO:000551GO:000551calmodulin2/73	200/18352	0.189047	0.4283924	0.4112734
GO:001545GO:001545potassium1/73	53/18352	0.190665	0.4283924	0.4112734
GO:001593GO:001593nucleobase1/73	54/18352	0.193894	0.4283924	0.4112734
GO:000440GO:000440histone a1/73	55/18352	0.19711	0.4283924	0.4112734
GO:000508GO:000508protein k1/73	55/18352	0.19711	0.4283924	0.4112734
GO:000840GO:0008403'-5' exonuclease1/73	56/18352	0.200313	0.4283924	0.4112734
GO:001668GO:001668oxidoreductase1/73	56/18352	0.200313	0.4283924	0.4112734
GO:006173GO:006173peptide-l1/73	57/18352	0.203504	0.4309493	0.4137281
GO:001679GO:001679exonuclease1/73	58/18352	0.206682	0.4334302	0.4161099
GO:190150GO:190150carbohydrate1/73	61/18352	0.216142	0.4489094	0.4309705
GO:001984GO:001984rRNA binding1/73	64/18352	0.22549	0.4614355	0.4429961
GO:000486GO:000486protein k1/73	65/18352	0.228581	0.4614355	0.4429961
GO:003421GO:003421peptide N1/73	65/18352	0.228581	0.4614355	0.4429961
GO:000203GO:000203p53 binding1/73	66/18352	0.231661	0.4633218	0.444807
GO:000512GO:000512cytokine 2/73	235/18352	0.240046	0.4644514	0.4458914
GO:001921GO:001921kinase in1/73	69/18352	0.240827	0.4644514	0.4458914
GO:003506GO:003506methylase1/73	69/18352	0.240827	0.4644514	0.4458914
GO:014003GO:014003methylase1/73	69/18352	0.240827	0.4644514	0.4458914
GO:004239GO:004239histone b2/73	238/18352	0.244463	0.4672918	0.4486184
GO:000467GO:000467protein s3/73	435/18352	0.249768	0.4732453	0.454334
GO:003067GO:003067protein-n2/73	244/18352	0.253308	0.4757779	0.4567653
GO:007049GO:007049repressin1/73	74/18352	0.255864	0.476436	0.4573972
GO:000372GO:000372RNA helicase1/73	77/18352	0.264745	0.4887594	0.4692281
GO:001990GO:001990syntaxin 1/73	78/18352	0.267682	0.4899936	0.4704129
GO:000554GO:000554phospholipase3/73	454/18352	0.270171	0.4903952	0.4707985
GO:003525GO:003525steroid hormone1/73	81/18352	0.276423	0.4975621	0.4776791

```

size      DB      enrichmenrep("Up", nrow(up.result$Enrich_tab))
IRF7/TNFS 4 pathway_K 0.14814815 Up
LHB/CACNA 3 pathway_K 0.11111111 Up
CACNA1S/I 3 pathway_K 0.11111111 Up
CACNA1S/C 3 pathway_K 0.11111111 Up
LHB/ADCY5 2 pathway_K 0.07407407 Up
DVL1/CACN 3 pathway_K 0.11111111 Up
IRF7/OAS1 3 pathway_K 0.11111111 Up
LHB/CACNA 2 pathway_K 0.07407407 Up
CACNA1S/A 2 pathway_K 0.07407407 Up
CACNA1S/A 2 pathway_K 0.07407407 Up
DVL1/ITGA 4 pathway_K 0.14814815 Up
CACNA1S/I 2 pathway_K 0.07407407 Up
CACNA1S/A 2 pathway_K 0.07407407 Up
LHB/CACNA 3 pathway_K 0.11111111 Up
CACNA1S/A 2 pathway_K 0.07407407 Up
CACNA1S/I 2 pathway_K 0.07407407 Up
CACNA1S/A 2 pathway_K 0.07407407 Up
DVL1/ADCY 2 pathway_K 0.07407407 Up
MYL12B/TH 2 pathway_K 0.07407407 Up
CACNA1S/A 2 pathway_K 0.07407407 Up
CACNA1S/A 2 pathway_K 0.07407407 Up
MYL12B/AC 2 pathway_K 0.07407407 Up
CACNA1S/A 2 pathway_K 0.07407407 Up
IRF7/OAS1 2 pathway_K 0.07407407 Up
ITGA8/SIG 2 pathway_K 0.07407407 Up
CACNA1S/A 2 pathway_K 0.07407407 Up
CACNA1S/A 2 pathway_K 0.07407407 Up
CACNA1S/A 2 pathway_K 0.07407407 Up
IL13      1 pathway_K 0.03703704 Up
CACNA1S/A 2 pathway_K 0.07407407 Up
IRF7/OAS1 2 pathway_K 0.07407407 Up
B4GALNT4 1 pathway_K 0.03703704 Up
CHRN2     1 pathway_K 0.03703704 Up
MYL12B/IT 2 pathway_K 0.07407407 Up
IRF7/OAS1 2 pathway_K 0.07407407 Up
ADCY5     1 pathway_K 0.03703704 Up
PYCR3     1 pathway_K 0.03703704 Up
MYL12B/IT 2 pathway_K 0.07407407 Up
MYL12B/TN 2 pathway_K 0.07407407 Up
DVL1      1 pathway_K 0.03703704 Up
ADCY5     1 pathway_K 0.03703704 Up
CMPK2     1 pathway_K 0.03703704 Up
AKR1C1    1 pathway_K 0.03703704 Up
ADCY5     1 pathway_K 0.03703704 Up
IRF7      1 pathway_K 0.03703704 Up
DVL1      1 pathway_K 0.03703704 Up
IL13      1 pathway_K 0.03703704 Up
IL13      1 pathway_K 0.03703704 Up
ADCY5     1 pathway_K 0.03703704 Up

```

SC02	1 pathway_K	0.03703704	Up
IRF7	1 pathway_K	0.03703704	Up
LHB	1 pathway_K	0.03703704	Up
ADCY5	1 pathway_K	0.03703704	Up
ADCY5	1 pathway_K	0.03703704	Up
PYCR3	1 pathway_K	0.03703704	Up
ADCY5	1 pathway_K	0.03703704	Up
AKR1C1	1 pathway_K	0.03703704	Up
FABP3	1 pathway_K	0.03703704	Up
SERPING1	1 pathway_K	0.03703704	Up
SERPING1	1 pathway_K	0.03703704	Up
CACNA1S	1 pathway_K	0.03703704	Up
ITGA8	1 pathway_K	0.03703704	Up
ADCY5	1 pathway_K	0.03703704	Up
ADCY5	1 pathway_K	0.03703704	Up
BATF2	1 pathway_K	0.03703704	Up
IL13/TNFS	2 pathway_K	0.07407407	Up
ADCY5	1 pathway_K	0.03703704	Up
ADCY5	1 pathway_K	0.03703704	Up
IL13	1 pathway_K	0.03703704	Up
IL13	1 pathway_K	0.03703704	Up
ADCY5	1 pathway_K	0.03703704	Up
ADCY5	1 pathway_K	0.03703704	Up
ADCY5	1 pathway_K	0.03703704	Up
TNFSF10	1 pathway_K	0.03703704	Up
ADCY5	1 pathway_K	0.03703704	Up
ADCY5	1 pathway_K	0.03703704	Up
IRF7	1 pathway_K	0.03703704	Up
ADCY5	1 pathway_K	0.03703704	Up
LHB/CHRNE	2 pathway_K	0.07407407	Up
ADCY5	1 pathway_K	0.03703704	Up
BTBD17/OA	5 geneontol	0.07692308	Up
BTBD17/OA	5 geneontol	0.07692308	Up
BTBD17/LA	6 geneontol	0.09230769	Up
IRF7/OAS1	5 geneontol	0.07692308	Up
IRF7/OAS1	5 geneontol	0.07692308	Up
IRF7/OAS1	5 geneontol	0.07692308	Up
BTBD17/OA	5 geneontol	0.07692308	Up
BTBD17/IR	8 geneontol	0.12307692	Up
BTBD17/OA	5 geneontol	0.07692308	Up
BTBD17/OA	5 geneontol	0.07692308	Up
BTBD17/LA	6 geneontol	0.09230769	Up
BTBD17/LA	6 geneontol	0.09230769	Up
BTBD17/LA	7 geneontol	0.10769231	Up
IRF7/OAS1	6 geneontol	0.09230769	Up
PARP14/IR	4 geneontol	0.06153846	Up
DVL1/IGFN	6 geneontol	0.09230769	Up
IRF7/DDX6	2 geneontol	0.03076923	Up
SOX1/DMRT	2 geneontol	0.03076923	Up
SOX1/DMRT	2 geneontol	0.03076923	Up
SOX1/DMRT	2 geneontol	0.03076923	Up

SOX1/DMRT	2	geneontol	0.03076923	Up
SOX1/DMRT	2	geneontol	0.03076923	Up
LHB/AKR1C	2	geneontol	0.03076923	Up
NME9/CMPK	2	geneontol	0.03076923	Up
IGFN1/TUL	6	geneontol	0.09230769	Up
IGFN1/TUL	4	geneontol	0.06153846	Up
IGFN1/TUL	6	geneontol	0.09230769	Up
IGFN1/TUL	6	geneontol	0.09230769	Up
SOX1/DMRT	2	geneontol	0.03076923	Up
OAS1/OASL	2	geneontol	0.03076923	Up
NME9/CMPK	2	geneontol	0.03076923	Up
SOX1/DMRT	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IR	4	geneontol	0.06153846	Up
PARP14/IR	4	geneontol	0.06153846	Up
DVL1/REEF	3	geneontol	0.04615385	Up
PARP14/IR	4	geneontol	0.06153846	Up
IRF7/RSAC	3	geneontol	0.04615385	Up
NME9/CMPK	2	geneontol	0.03076923	Up
IRF7/DDX6	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IR	4	geneontol	0.06153846	Up
IGFN1/TUL	5	geneontol	0.07692308	Up
SOX1/DMRT	2	geneontol	0.03076923	Up
TULP1/THY	2	geneontol	0.03076923	Up
IRF7/USP1	2	geneontol	0.03076923	Up
RSAD2/DDX	2	geneontol	0.03076923	Up
CDX4/SOX1	5	geneontol	0.07692308	Up
LHB/AKR1C	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRN2/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
NME9/CMPK	2	geneontol	0.03076923	Up
IGFN1/SOX	3	geneontol	0.04615385	Up
PIM3/OAS1	4	geneontol	0.06153846	Up
PIM3/OAS1	4	geneontol	0.06153846	Up
CHRN2/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
TULP1/THY	2	geneontol	0.03076923	Up
NME9/CMPK	2	geneontol	0.03076923	Up
TULP1/THY	2	geneontol	0.03076923	Up
SOX1/DMRT	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRN2/GF	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IR	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRN2/GF	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IR	5	geneontol	0.07692308	Up
DVL1/CHRN	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CHRN	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
IGFN1/TUL	3	geneontol	0.04615385	Up
DVL1/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/TH	2	geneontol	0.03076923	Up
SOX1/DMRT	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IR	2	geneontol	0.03076923	Up
PIM3/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up

CHRN2/IL	4	geneontol	0.06153846	Up
IGFN1/THY	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CHRN	3	geneontol	0.04615385	Up
NDRG1/IL1	2	geneontol	0.03076923	Up
LHB/TNFSF	3	geneontol	0.04615385	Up
CHRN2/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/SE	2	geneontol	0.03076923	Up
TULP1/THY	2	geneontol	0.03076923	Up
CDX4/SOX1	5	geneontol	0.07692308	Up
IL13/THY1	5	geneontol	0.07692308	Up
PIM3/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up
IRF7/DDX6	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IR	4	geneontol	0.06153846	Up
CACNA1S/C	5	geneontol	0.07692308	Up
SOX1/DMRT	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13/THY1	5	geneontol	0.07692308	Up
IRF7/DDX6	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13/THY1	4	geneontol	0.06153846	Up
IGFN1/THY	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/IGFN	3	geneontol	0.04615385	Up
IRF7/RSAC	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13/THY1	5	geneontol	0.07692308	Up
CHRN2/SC	3	geneontol	0.04615385	Up
NDRG1/ETV	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRN2/DM	3	geneontol	0.04615385	Up
DVL1/CHRN	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/PA	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
IRF7/RSAC	3	geneontol	0.04615385	Up
NME9/CMPK	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRN2/SC	2	geneontol	0.03076923	Up
PIM3/IL13	4	geneontol	0.06153846	Up
SOX1/CRYE	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
PYCR3	1	geneontol	0.01538462	Up
CMPK2	1	geneontol	0.01538462	Up
RHBG	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
CACNA1S	1	geneontol	0.01538462	Up
RHBG	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13/THY1	4	geneontol	0.06153846	Up

NME9/CMPK	2	geneontol	0.03076923	Up
ETV1/IL13	3	geneontol	0.04615385	Up
PARP14/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
CACNA1S/C	4	geneontol	0.06153846	Up
PARP14/PA	2	geneontol	0.03076923	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
PARP14/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/ALX1	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRN2/TU	3	geneontol	0.04615385	Up
CDX4/HES7	3	geneontol	0.04615385	Up
SOX1/DMRT	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/ALX1	2	geneontol	0.03076923	Up
SERPING1	1	geneontol	0.01538462	Up
GPR157	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
CEP97	1	geneontol	0.01538462	Up
PARP14/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CHRN	3	geneontol	0.04615385	Up
CHRN2/TU	3	geneontol	0.04615385	Up
IL13/RSAC	3	geneontol	0.04615385	Up
PIM3/IL13	4	geneontol	0.06153846	Up
PIM3/RSAC	2	geneontol	0.03076923	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1	geneontol	0.01538462	Up
CMPK2	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
CMPK2	1	geneontol	0.01538462	Up
ETV1	1	geneontol	0.01538462	Up
ETV1	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up

CACNA1S	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
TULP1	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/SE	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/ALX1	2	geneontol	0.03076923	Up
ITGA8/SIG	3	geneontol	0.04615385	Up
IL13/RSAC	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2/IL	3	geneontol	0.04615385	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
SCO2	1	geneontol	0.01538462	Up
HR	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
CMPK2	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
SOX1/DMRT	2	geneontol	0.03076923	Up
PIM3/RSAC	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
AKR1C1/FA	2	geneontol	0.03076923	Up
AKR1C1/FA	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/ITGA	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CHRN	2	geneontol	0.03076923	Up
CACNA1S/C	2	geneontol	0.03076923	Up
ETV1	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1/ALX1	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CHRN	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up
ITGA8/THY	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CHRN	3	geneontol	0.04615385	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
CMPK2	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
DMRT3	1	geneontol	0.01538462	Up
PARP14	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
CMTR1	1	geneontol	0.01538462	Up
SOX1/DMRT	2	geneontol	0.03076923	Up
NME9/CMPK	2	geneontol	0.03076923	Up

PYCR3	1 geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01538462	Up
CACNA1S	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
SIGLEC1	1 geneontol	0.01538462	Up
SCO2	1 geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
CEP97	1 geneontol	0.01538462	Up
SLC26A8	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1/CHRN	2 geneontol	0.03076923	Up
NDRG1/CSR	2 geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CHRN	2 geneontol	0.03076923	Up
CACNA1S/C	4 geneontol	0.06153846	Up
SCO2	1 geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1 geneontol	0.01538462	Up
SLC26A8	1 geneontol	0.01538462	Up
CMPK2	1 geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
CSRP3	1 geneontol	0.01538462	Up
BATF2	1 geneontol	0.01538462	Up
NDRG1	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1 geneontol	0.01538462	Up
REEP2	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
LHB/AKR1C	3 geneontol	0.04615385	Up
DVL1/PARF	4 geneontol	0.06153846	Up
DVL1/NDRG	4 geneontol	0.06153846	Up
PARP14/IL	3 geneontol	0.04615385	Up
IL13/THY1	2 geneontol	0.03076923	Up
DVL1/IGFN	4 geneontol	0.06153846	Up
IL13/THY1	2 geneontol	0.03076923	Up
CMPK2	1 geneontol	0.01538462	Up
HES7	1 geneontol	0.01538462	Up
DDX60	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1 geneontol	0.01538462	Up
TULP1	1 geneontol	0.01538462	Up
TULP1	1 geneontol	0.01538462	Up
CSRP3	1 geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01538462	Up
NME9/CMPK	3 geneontol	0.04615385	Up
DVL1/CHRN	2 geneontol	0.03076923	Up
CHRN2/IT	2 geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CHRN	2 geneontol	0.03076923	Up
IL13/THY1	2 geneontol	0.03076923	Up
LHB/AKR1C	2 geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IL	3 geneontol	0.04615385	Up
NME9/CMPK	3 geneontol	0.04615385	Up
CHRN2/IL	2 geneontol	0.03076923	Up

IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1/ITGA	2	geneontol	0.03076923	Up
IRF7/IL13	4	geneontol	0.06153846	Up
TNFSF10/A	4	geneontol	0.06153846	Up
IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/ALX1	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRN2/AC	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CDX4	4	geneontol	0.06153846	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
LAMP3	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
LHB/TNFSF	3	geneontol	0.04615385	Up
NME9/AKR1	2	geneontol	0.03076923	Up
SOX1	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
SCO2	1	geneontol	0.01538462	Up
DDX60	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
TNFSF10/C	3	geneontol	0.04615385	Up
PIM3/IL13	4	geneontol	0.06153846	Up
PIM3/IL13	4	geneontol	0.06153846	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9/CMPK	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/ALX1	2	geneontol	0.03076923	Up
ITGA8/HES	2	geneontol	0.03076923	Up
LHB/AKR1C	2	geneontol	0.03076923	Up
PIM3/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13/RSAC	4	geneontol	0.06153846	Up
PIM3/IL13	4	geneontol	0.06153846	Up

NME9/CMPK	2	geneontol	0.03076923	Up
CACNA1S/C	4	geneontol	0.06153846	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
CMTR1	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
ITGA8	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
CEP97	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
PIM3/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2/DM	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
PIM3/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13/RSAC	2	geneontol	0.03076923	Up
CACNA1S/C	4	geneontol	0.06153846	Up
IGFN1	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
DDX60	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
PARP14	1	geneontol	0.01538462	Up
PARP14	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CHRN	4	geneontol	0.06153846	Up
LHB/TNFSF	2	geneontol	0.03076923	Up
TULP1/CSR	2	geneontol	0.03076923	Up
LHB	1	geneontol	0.01538462	Up
SCO2	1	geneontol	0.01538462	Up
SOX1	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1	geneontol	0.01538462	Up
BATF2	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
RHBG	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1/ITGA	3	geneontol	0.04615385	Up
PARP14/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
LHB/TNFSF	2	geneontol	0.03076923	Up
CACNA1S/C	3	geneontol	0.04615385	Up
CACNA1S/K	4	geneontol	0.06153846	Up
CHRNA2/HE	3	geneontol	0.04615385	Up
IL13/RSAC	2	geneontol	0.03076923	Up
TULP1/CSR	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CHRN	2	geneontol	0.03076923	Up
BATF2	1	geneontol	0.01538462	Up

CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
CSRP3	1	geneontol	0.01538462	Up
FBXO6	1	geneontol	0.01538462	Up
DMRT3	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
DMRT3	1	geneontol	0.01538462	Up
PARP14	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
PIM3/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CHRNA	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
NDRG1	1	geneontol	0.01538462	Up
NDRG1	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1	geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1	geneontol	0.01538462	Up
TNFSF10	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
CACNA1S/I	3	geneontol	0.04615385	Up
DVL1/CHRNA	4	geneontol	0.06153846	Up
DVL1/ALX1	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
BATF2	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
HR	1	geneontol	0.01538462	Up
DMRT3	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1/ALX1	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
PIM3/RSAC	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
IRF7/RSAC	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
PIM3/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
HR	1	geneontol	0.01538462	Up
ITGA8	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
CEP97	1	geneontol	0.01538462	Up
ITGA8	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up

CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9/CMPK	2	geneontol	0.03076923	Up
PIM3/RSAC	2	geneontol	0.03076923	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
CMPK2	1	geneontol	0.01538462	Up
NDRG1	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/SE	2	geneontol	0.03076923	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
HR	1	geneontol	0.01538462	Up
HR	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
CSR3P3	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
PARP14	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
CMTR1	1	geneontol	0.01538462	Up
CMPK2	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
LHB	1	geneontol	0.01538462	Up
PARP14	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13/CMPK	3	geneontol	0.04615385	Up
DVL1/ALX1	2	geneontol	0.03076923	Up
AKR1C1/FA	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
CMTR1	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
CMTR1	1	geneontol	0.01538462	Up
SMTNL2	1	geneontol	0.01538462	Up
GPR157	1	geneontol	0.01538462	Up
CEP97	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
PIM3/RSAC	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14	1	geneontol	0.01538462	Up
CMPK2	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
LHB	1	geneontol	0.01538462	Up
ITGA8	1	geneontol	0.01538462	Up
PARP14	1	geneontol	0.01538462	Up
CACNA1S	1	geneontol	0.01538462	Up
LHB	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7/RSAC	2	geneontol	0.03076923	Up
IGFN1/PCC	2	geneontol	0.03076923	Up

IRF7	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01538462	Up
PIM3	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1/CHRNA	2 geneontol	0.03076923	Up
NME9/ADCY	2 geneontol	0.03076923	Up
DVL1/NDRG	2 geneontol	0.03076923	Up
SLC26A8/A	3 geneontol	0.04615385	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01538462	Up
SCO2	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1/FA	2 geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IL	2 geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CHRNA	2 geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CHRNA	2 geneontol	0.03076923	Up
SLC26A8/A	3 geneontol	0.04615385	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
CEP97	1 geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13/CMPK	3 geneontol	0.04615385	Up
CHRNA2/IL	3 geneontol	0.04615385	Up
IL13/THY1	2 geneontol	0.03076923	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01538462	Up
NME9	1 geneontol	0.01538462	Up
NDRG1	1 geneontol	0.01538462	Up
RSAD2	1 geneontol	0.01538462	Up
NME9	1 geneontol	0.01538462	Up
CEP97	1 geneontol	0.01538462	Up
ITGA8/SIG	3 geneontol	0.04615385	Up
PIM3/ADCY	2 geneontol	0.03076923	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01538462	Up
IRF7/RSAD	3 geneontol	0.04615385	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01538462	Up
TULP1	1 geneontol	0.01538462	Up
REEP2	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
TNFSF10	1 geneontol	0.01538462	Up
NME9/ADCY	2 geneontol	0.03076923	Up
PIM3	1 geneontol	0.01538462	Up

IRF7/RSAC	3	geneontol	0.04615385	Up
THY1/CEP9	2	geneontol	0.03076923	Up
TNFSF10/I	2	geneontol	0.03076923	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1/ITGA	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IL	3	geneontol	0.04615385	Up
PIM3/RSAC	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IL	3	geneontol	0.04615385	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
LHB	1	geneontol	0.01538462	Up
BATF2	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1/LAMP	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
CSRP3	1	geneontol	0.01538462	Up
SIGLEC1	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up
PARP14/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRN2/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
CDX4/TENT	3	geneontol	0.04615385	Up
CSRP3	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up
PIM3/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/ITGA	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1/CHRN	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRN2/TH	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
APOL6/AKR	3	geneontol	0.04615385	Up
PIM3/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
CDX4	1	geneontol	0.01538462	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01538462	Up
TNFSF10	1	geneontol	0.01538462	Up
LHB	1	geneontol	0.01538462	Up

IRF7	1 geneontol	0.01538462	Up
CACNA1S/E	2 geneontol	0.03076923	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
RSAD2	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
ALX1	1 geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1 geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1 geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
PIM3/ADCY	2 geneontol	0.03076923	Up
NME9/ADCY	2 geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
SOX1	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
TENT5C	1 geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1 geneontol	0.01538462	Up
IRF7/BATF	2 geneontol	0.03076923	Up
IL13/THY1	2 geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2/IL	3 geneontol	0.04615385	Up
CDX4	1 geneontol	0.01538462	Up
TNFSF10	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13/RSAC	2 geneontol	0.03076923	Up
PIM3/ADCY	2 geneontol	0.03076923	Up
PIM3/ADCY	2 geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
LAMP3/TNF	2 geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13/THY1	2 geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2/GF	2 geneontol	0.03076923	Up
THY1	1 geneontol	0.01538462	Up
RSAD2	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1 geneontol	0.01538462	Up
ZWINT/FBX	2 geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2/IL	2 geneontol	0.03076923	Up
DVL1/CHRN	2 geneontol	0.03076923	Up
ALX1	1 geneontol	0.01538462	Up
CEP97	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2/IL	2 geneontol	0.03076923	Up
LHB/AKR1C	2 geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2/IL	3 geneontol	0.04615385	Up

AKR1C1	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
LHB/TNFSF	2 geneontol	0.03076923	Up
DVL1/ITGA	2 geneontol	0.03076923	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
TENT5C	1 geneontol	0.01538462	Up
NME9	1 geneontol	0.01538462	Up
TENT5C	1 geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1/LAMP	2 geneontol	0.03076923	Up
IRF7/SERF	2 geneontol	0.03076923	Up
THY1	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
NME9	1 geneontol	0.01538462	Up
LAMP3	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1/CHRN	2 geneontol	0.03076923	Up
LHB/TNFSF	2 geneontol	0.03076923	Up
TNFSF10	1 geneontol	0.01538462	Up
SMTNL2	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
NDRG1/GPR	2 geneontol	0.03076923	Up
IRF7/SERF	2 geneontol	0.03076923	Up
LAMP3/TNF	3 geneontol	0.04615385	Up
SOX1	1 geneontol	0.01538462	Up
NME9	1 geneontol	0.01538462	Up
PIM3	1 geneontol	0.01538462	Up
TULP1	1 geneontol	0.01538462	Up
TNFSF10	1 geneontol	0.01538462	Up
PIM3/ADCY	2 geneontol	0.03076923	Up
THY1	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
APOL6/AKR	3 geneontol	0.04615385	Up
DVL1/CHRN	2 geneontol	0.03076923	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
THY1	1 geneontol	0.01538462	Up
THY1	1 geneontol	0.01538462	Up
LHB/CDX4/	3 geneontol	0.04615385	Up
PIM3/THY1	2 geneontol	0.03076923	Up
DVL1/PARF	3 geneontol	0.04615385	Up
TULP1	1 geneontol	0.01538462	Up
SIGLEC1	1 geneontol	0.01538462	Up
REEP2	1 geneontol	0.01538462	Up

LAMP3/TNF	2	geneontol	0.03076923	Up
LHB/CDX4/	3	geneontol	0.04615385	Up
CHRN2/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
CEP97	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
SIGLEC1	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
PYCR3	1	geneontol	0.01538462	Up
SIGLEC1	1	geneontol	0.01538462	Up
CSRP3	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
LHB	1	geneontol	0.01538462	Up
TULP1	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
TENT5C	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
PARP14/SE	3	geneontol	0.04615385	Up
IRF7/DDX6	2	geneontol	0.03076923	Up
HES7	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
TNFSF10/I	2	geneontol	0.03076923	Up
LAMP3/TNF	3	geneontol	0.04615385	Up
IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
REEP2	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
SCO2	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1/DMRT	2	geneontol	0.03076923	Up
NDRG1/REE	3	geneontol	0.04615385	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
CMPK2	1	geneontol	0.01538462	Up
DMRT3	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
HR	1	geneontol	0.01538462	Up
CACNA1S/C	2	geneontol	0.03076923	Up
PIM3/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
ITGA8	1	geneontol	0.01538462	Up
LAMP3/SER	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRN2/IT	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/LAMP	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up

FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
LAMP3	1 geneontol	0.01538462	Up
ITGA8	1 geneontol	0.01538462	Up
DMRT3	1 geneontol	0.01538462	Up
PYCR3	1 geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
TULP1	1 geneontol	0.01538462	Up
SMTNL2	1 geneontol	0.01538462	Up
IRF7/DDX6	2 geneontol	0.03076923	Up
TENT5C/LA	2 geneontol	0.03076923	Up
DVL1/FBXC	3 geneontol	0.04615385	Up
DVL1/PARF	3 geneontol	0.04615385	Up
ITGA8	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
PIM3/ADCY	2 geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2/AK	2 geneontol	0.03076923	Up
DVL1/THY1	2 geneontol	0.03076923	Up
TULP1	1 geneontol	0.01538462	Up
FBXO6	1 geneontol	0.01538462	Up
SMTNL2	1 geneontol	0.01538462	Up
RSAD2	1 geneontol	0.01538462	Up
DDX60	1 geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1 geneontol	0.01538462	Up
NME9	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
LAMP3/SER	2 geneontol	0.03076923	Up
ALX1	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1 geneontol	0.01538462	Up
IGFN1/PCE	2 geneontol	0.03076923	Up
SOX1/DMRT	2 geneontol	0.03076923	Up
RSAD2	1 geneontol	0.01538462	Up
THY1	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
CSRP3	1 geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1 geneontol	0.01538462	Up
CMTR1	1 geneontol	0.01538462	Up
PYCR3	1 geneontol	0.01538462	Up
ALX1	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
ALX1	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
NME9	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
LAMP3	1 geneontol	0.01538462	Up

CACNA1S	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2/IL	2 geneontol	0.03076923	Up
DVL1/ETV1	2 geneontol	0.03076923	Up
TNFSF10	1 geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01538462	Up
SMTNL2	1 geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1/ETV1	2 geneontol	0.03076923	Up
TNFSF10/I	2 geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2/IL	2 geneontol	0.03076923	Up
ZWINT/CEF	2 geneontol	0.03076923	Up
NME9	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
LAMP3	1 geneontol	0.01538462	Up
CACNA1S/C	2 geneontol	0.03076923	Up
TULP1	1 geneontol	0.01538462	Up
CDX4	1 geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1 geneontol	0.01538462	Up
TENT5C	1 geneontol	0.01538462	Up
CDX4	1 geneontol	0.01538462	Up
TNFSF10	1 geneontol	0.01538462	Up
ALX1	1 geneontol	0.01538462	Up
CSRP3	1 geneontol	0.01538462	Up
HES7	1 geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01538462	Up
ITGA8	1 geneontol	0.01538462	Up
DMRT3	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
ALX1	1 geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1/THY1	2 geneontol	0.03076923	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
CACNA1S/C	2 geneontol	0.03076923	Up
FBXO6	1 geneontol	0.01538462	Up
THY1	1 geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1 geneontol	0.01538462	Up
LAMP3	1 geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01538462	Up
IL13	1 geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2/IT	2 geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2	1 geneontol	0.01538462	Up
CEP97	1 geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1 geneontol	0.01538462	Up

SLC26A8	1	geneontol	0.01538462	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13/RSAC	2	geneontol	0.03076923	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
ALX1	1	geneontol	0.01538462	Up
TULP1	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01538462	Up
SOX1	1	geneontol	0.01538462	Up
SOX1	1	geneontol	0.01538462	Up
NDRG1/GPR	2	geneontol	0.03076923	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2/TH	2	geneontol	0.03076923	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
ALX1	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
HES7	1	geneontol	0.01538462	Up
FBX06	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRN2/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
PIM3/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
SCO2	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
CSRP3	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2/TU	2	geneontol	0.03076923	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
CSRP3	1	geneontol	0.01538462	Up
GPR157	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
TENT5C/LA	2	geneontol	0.03076923	Up
PIM3/ADCY	2	geneontol	0.03076923	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up

ITGA8	1	geneontol	0.01538462	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
CSRP3	1	geneontol	0.01538462	Up
NDRG1	1	geneontol	0.01538462	Up
NME9	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
TNFSF10	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
CSRP3	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5/CSR	2	geneontol	0.03076923	Up
DVL1/ALX1	2	geneontol	0.03076923	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01538462	Up
ITGA8	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1	geneontol	0.01538462	Up
LHB/AKR1C	2	geneontol	0.03076923	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01538462	Up
FABP3	1	geneontol	0.01538462	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01538462	Up
CSRP3	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
CHRNA2/IL	2	geneontol	0.03076923	Up
SERPINC1	1	geneontol	0.01538462	Up
CEP97	1	geneontol	0.01538462	Up
SCO2	1	geneontol	0.01538462	Up
SCO2	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
CEP97	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
TNFSF10	1	geneontol	0.01538462	Up
IL13/THY1	2	geneontol	0.03076923	Up
IL13	1	geneontol	0.01538462	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01538462	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01538462	Up
THY1	1	geneontol	0.01538462	Up
NDRG1	1	geneontol	0.01538462	Up

CHRN2	1 geneontol	0.01538462	Up
SLC26A8	1 geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01538462	Up
CSRP3	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1 geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
THY1	1 geneontol	0.01538462	Up
TNFSF10	1 geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1 geneontol	0.01538462	Up
NDRG1/CHR	2 geneontol	0.03076923	Up
FAM83G/IT	2 geneontol	0.03076923	Up
CSRP3	1 geneontol	0.01538462	Up
ITGA8	1 geneontol	0.01538462	Up
ITGA8	1 geneontol	0.01538462	Up
ALX1	1 geneontol	0.01538462	Up
IRF7	1 geneontol	0.01538462	Up
ALX1	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
BPIFB2/FE	2 geneontol	0.03076923	Up
SCO2	1 geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1 geneontol	0.01538462	Up
ITGA8	1 geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01538462	Up
ALX1	1 geneontol	0.01538462	Up
LAMP3/SER	2 geneontol	0.03076923	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
CHRN2	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1/TNFS	2 geneontol	0.03076923	Up
NDRG1/CHR	2 geneontol	0.03076923	Up
DMRT3	1 geneontol	0.01538462	Up
LAMP3	1 geneontol	0.01538462	Up
NDRG1	1 geneontol	0.01538462	Up
SERPING1	1 geneontol	0.01538462	Up
TNFSF10	1 geneontol	0.01538462	Up
DVL1	1 geneontol	0.01538462	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01538462	Up
SIGLEC1	1 geneontol	0.01538462	Up
IGFN1/CAC	5 geneontol	0.07462687	Up
IGFN1/CAC	6 geneontol	0.08955224	Up
IGFN1/CAC	6 geneontol	0.08955224	Up
IGFN1/CAC	5 geneontol	0.07462687	Up
ITGA8/THY	2 geneontol	0.02985075	Up
IGFN1/MYL	3 geneontol	0.04477612	Up
RHBG/THY1	2 geneontol	0.02985075	Up
ITGA8/THY	2 geneontol	0.02985075	Up
DVL1/TULF	4 geneontol	0.05970149	Up
ITGA8/IFI	3 geneontol	0.04477612	Up

DVL1/GPRI	3	geneontol	0.04477612	Up
DVL1/GPRI	3	geneontol	0.04477612	Up
ITGA8/IFI	4	geneontol	0.05970149	Up
CHRNA1S	1	geneontol	0.01492537	Up
DVL1	1	geneontol	0.01492537	Up
CHRNA1S	1	geneontol	0.01492537	Up
THY1	1	geneontol	0.01492537	Up
ITGA8	1	geneontol	0.01492537	Up
CHRNA1S	1	geneontol	0.01492537	Up
KRTAP5-8/	3	geneontol	0.04477612	Up
LAMP3	1	geneontol	0.01492537	Up
MYL12B/IT	4	geneontol	0.05970149	Up
THY1	1	geneontol	0.01492537	Up
MYL12B	1	geneontol	0.01492537	Up
REEP2	1	geneontol	0.01492537	Up
THY1	1	geneontol	0.01492537	Up
FBXO6	1	geneontol	0.01492537	Up
SMTNL2	1	geneontol	0.01492537	Up
CACNA1S/C	3	geneontol	0.04477612	Up
TMEM190	1	geneontol	0.01492537	Up
REEP2	1	geneontol	0.01492537	Up
THY1	1	geneontol	0.01492537	Up
CACNA1S/C	3	geneontol	0.04477612	Up
ITGA8	1	geneontol	0.01492537	Up
THY1	1	geneontol	0.01492537	Up
CACNA1S/C	3	geneontol	0.04477612	Up
SMTNL2	1	geneontol	0.01492537	Up
CHRNA1S/TM	3	geneontol	0.04477612	Up
ITGA8	1	geneontol	0.01492537	Up
RHBG/THY1	2	geneontol	0.02985075	Up
SMTNL2	1	geneontol	0.01492537	Up
DVL1/CHRN	3	geneontol	0.04477612	Up
NME9/CMPK	2	geneontol	0.02941176	Up
OAS1/OASL	3	geneontol	0.04411765	Up
TENT5C/OA	2	geneontol	0.02941176	Up
NME9/CMPK	2	geneontol	0.02941176	Up
NME9/CMPK	2	geneontol	0.02941176	Up
TMEM190/R	2	geneontol	0.02941176	Up
AKR1C1/FA	2	geneontol	0.02941176	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01470588	Up
CACNA1S	1	geneontol	0.01470588	Up
RHBG	1	geneontol	0.01470588	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01470588	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01470588	Up
KCNA10	1	geneontol	0.01470588	Up
KCNA10	1	geneontol	0.01470588	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01470588	Up
CMTR1	1	geneontol	0.01470588	Up
SIGLEC1	1	geneontol	0.01470588	Up
IFIT5/DDX	2	geneontol	0.02941176	Up

TM4SF5/AK	3 geneontol	0.04411765	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01470588	Up
SLC26A8	1 geneontol	0.01470588	Up
MYL12B	1 geneontol	0.01470588	Up
HR	1 geneontol	0.01470588	Up
CHRN2	1 geneontol	0.01470588	Up
TM4SF5/AK	3 geneontol	0.04411765	Up
KRTAP5-8	1 geneontol	0.01470588	Up
TENT5C	1 geneontol	0.01470588	Up
FABP3	1 geneontol	0.01470588	Up
SMTNL2	1 geneontol	0.01470588	Up
CHRN2	1 geneontol	0.01470588	Up
PARP14	1 geneontol	0.01470588	Up
CHRN2/KC	2 geneontol	0.02941176	Up
FABP3	1 geneontol	0.01470588	Up
SLC26A8	1 geneontol	0.01470588	Up
PYCR3	1 geneontol	0.01470588	Up
IFIT5	1 geneontol	0.01470588	Up
RHBG	1 geneontol	0.01470588	Up
TULP1/ZCC	3 geneontol	0.04411765	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01470588	Up
SLC26A8	1 geneontol	0.01470588	Up
CHRN2	1 geneontol	0.01470588	Up
CMPK2	1 geneontol	0.01470588	Up
CACNA1S/C	4 geneontol	0.05882353	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01470588	Up
SCO2	1 geneontol	0.01470588	Up
CHRN2	1 geneontol	0.01470588	Up
ADCY5	1 geneontol	0.01470588	Up
CMTR1	1 geneontol	0.01470588	Up
B4GALNT4	1 geneontol	0.01470588	Up
PARP14	1 geneontol	0.01470588	Up
CRYBB3	1 geneontol	0.01470588	Up
TENT5C/OA	2 geneontol	0.02941176	Up
THY1	1 geneontol	0.01470588	Up
IFIT5	1 geneontol	0.01470588	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01470588	Up
CHRN2/KC	2 geneontol	0.02941176	Up
CHRN2/KC	2 geneontol	0.02941176	Up
CACNA1S/K	2 geneontol	0.02941176	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01470588	Up
SLC26A8	1 geneontol	0.01470588	Up
PYCR3	1 geneontol	0.01470588	Up
HR	1 geneontol	0.01470588	Up
NDRG1	1 geneontol	0.01470588	Up
SLC26A8	1 geneontol	0.01470588	Up
HR	1 geneontol	0.01470588	Up
CACNA1S/C	4 geneontol	0.05882353	Up
KCNA10	1 geneontol	0.01470588	Up
IFIT5	1 geneontol	0.01470588	Up
CACNA1S/C	4 geneontol	0.05882353	Up

CHRNA1	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1/C	3	geneontol	0.04411765	Up
CHRNA1/C	3	geneontol	0.04411765	Up
DVL1	1	geneontol	0.01470588	Up
HR	1	geneontol	0.01470588	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01470588	Up
FABP3	1	geneontol	0.01470588	Up
SCO2	1	geneontol	0.01470588	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01470588	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01470588	Up
CSR3P	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1S	1	geneontol	0.01470588	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01470588	Up
B4GALNT4	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1	1	geneontol	0.01470588	Up
PARP14/HR	2	geneontol	0.02941176	Up
TNFSF10	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1S/K	2	geneontol	0.02941176	Up
CHRNA1S/K	2	geneontol	0.02941176	Up
CHRNA1S/C	2	geneontol	0.02941176	Up
PARP14	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1	1	geneontol	0.01470588	Up
TM4SF5	1	geneontol	0.01470588	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01470588	Up
SCO2	1	geneontol	0.01470588	Up
SCO2	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1	1	geneontol	0.01470588	Up
ADCY5	1	geneontol	0.01470588	Up
AKR1C1	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1	1	geneontol	0.01470588	Up
IL13/TNFS	2	geneontol	0.02941176	Up
IFIT5	1	geneontol	0.01470588	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01470588	Up
RSAD2	1	geneontol	0.01470588	Up
CMTR1	1	geneontol	0.01470588	Up
MYL12B	1	geneontol	0.01470588	Up
TULP1/ZCC	3	geneontol	0.04411765	Up
DVL1	1	geneontol	0.01470588	Up
CHRNA1	1	geneontol	0.01470588	Up
SLC26A8	1	geneontol	0.01470588	Up
DDX60	1	geneontol	0.01470588	Up
NDRG1/REE	2	geneontol	0.02941176	Up
TULP1	1	geneontol	0.01470588	Up

SLC26A8	1 geneontol	0.01470588	Up
IL13/TNFS	2 geneontol	0.02941176	Up
LHB/IL13/	3 geneontol	0.04411765	Up
DVL1	1 geneontol	0.01470588	Up
GPRIN1	1 geneontol	0.01470588	Up
PARP14/B4	2 geneontol	0.02941176	Up
LHB/IL13/	3 geneontol	0.04411765	Up
SLC26A8	1 geneontol	0.01470588	Up
KCNA10	1 geneontol	0.01470588	Up
FBX06/RNF	2 geneontol	0.02941176	Up
DVL1/REEF	2 geneontol	0.02941176	Up
SERPING1	1 geneontol	0.01470588	Up
FBX06/RNF	2 geneontol	0.02941176	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01470588	Up
SLC26A8	1 geneontol	0.01470588	Up
CHRN2	1 geneontol	0.01470588	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01470588	Up
HR	1 geneontol	0.01470588	Up
ZWINT	1 geneontol	0.01470588	Up
AKR1C1	1 geneontol	0.01470588	Up
CHRN2	1 geneontol	0.01470588	Up
AMFR/EDEM	2 geneontol	0.02898551	Down
AMFR/EDEM	2 geneontol	0.02898551	Down
AMFR/EDEM	2 geneontol	0.02898551	Down
HNRNPL/SR	2 geneontol	0.02898551	Down
HNRNPL/AL	6 geneontol	0.08695652	Down
HNRNPL/AL	6 geneontol	0.08695652	Down
HNRNPL/AL	6 geneontol	0.08695652	Down
HNRNPL/SR	2 geneontol	0.02898551	Down
AMFR/EDEM	2 geneontol	0.02898551	Down
UTY/KDM5C	2 geneontol	0.02898551	Down
UTY/KDM5C	2 geneontol	0.02898551	Down
HNRNPL/SR	2 geneontol	0.02898551	Down
UTY/KDM5C	2 geneontol	0.02898551	Down
UTY/KDM5C	2 geneontol	0.02898551	Down
OR51E1/OR	6 geneontol	0.08695652	Down
ALYREF/CC	2 geneontol	0.02898551	Down
PCBP1/PIK	2 geneontol	0.02898551	Down
HNRNPL/AL	6 geneontol	0.08695652	Down
ALYREF/CC	2 geneontol	0.02898551	Down
CAMK2A/UN	2 geneontol	0.02898551	Down
RAG2/IFNA	3 geneontol	0.04347826	Down
ALYREF/SR	4 geneontol	0.05797101	Down
PRPF39/SR	2 geneontol	0.02898551	Down
CIB1/CAMK	2 geneontol	0.02898551	Down
ALYREF/SR	3 geneontol	0.04347826	Down
PRPF39/SR	2 geneontol	0.02898551	Down
OR51E1/OR	5 geneontol	0.07246377	Down
GRM6/GRK7	2 geneontol	0.02898551	Down
MAPKAPK5/	4 geneontol	0.05797101	Down
UTY/KDM5C	2 geneontol	0.02898551	Down

OR51E1/OR	5	geneontol	0.07246377	Down
USF1/SRSF	3	geneontol	0.04347826	Down
HNRNPL/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
GRM6/GRK7	2	geneontol	0.02898551	Down
AMFR/EDEM	2	geneontol	0.02898551	Down
MAPKAPK5/ USF1/FURI	4	geneontol	0.05797101	Down
RAG2	3	geneontol	0.04347826	Down
UNC5D	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
USF1	1	geneontol	0.01449275	Down
SRSF6	1	geneontol	0.01449275	Down
SRSF6	1	geneontol	0.01449275	Down
HNRNPL	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
ALYREF/SR	3	geneontol	0.04347826	Down
ALYREF/SR	3	geneontol	0.04347826	Down
ALYREF/SR	3	geneontol	0.04347826	Down
PRPF39/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
COPG1/SNA	2	geneontol	0.02898551	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
RANBP1	1	geneontol	0.01449275	Down
UGT1A10	1	geneontol	0.01449275	Down
SEM2	1	geneontol	0.01449275	Down
SEM2	1	geneontol	0.01449275	Down
CORT/GRM6	2	geneontol	0.02898551	Down
HNRNPL/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
HNRNPL/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
AMFR/SNAF	3	geneontol	0.04347826	Down
ADH1C	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
HNRNPL	1	geneontol	0.01449275	Down
HNRNPL/AM	4	geneontol	0.05797101	Down
USF1/SIGL	2	geneontol	0.02898551	Down
COPG1/SNA	4	geneontol	0.05797101	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01449275	Down
HSD17B2	1	geneontol	0.01449275	Down
UNC5D	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN/HSC	3	geneontol	0.04347826	Down
SEM2/TCT	2	geneontol	0.02898551	Down
SEM2/TCT	2	geneontol	0.02898551	Down
RAG2/IFNA	2	geneontol	0.02898551	Down
RANBP1	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
AMFR	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
PIK3C2G	1	geneontol	0.01449275	Down
CAMK2A	1	geneontol	0.01449275	Down

SRSF6	1	geneontol	0.01449275	Down
COPG1	1	geneontol	0.01449275	Down
USF1	1	geneontol	0.01449275	Down
EDEM1	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1/IL11	2	geneontol	0.02898551	Down
AMFR/EDEM	2	geneontol	0.02898551	Down
ALYREF/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
GRM6	1	geneontol	0.01449275	Down
AS3MT	1	geneontol	0.01449275	Down
PTGDR	1	geneontol	0.01449275	Down
RAG2	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
RANBP1	1	geneontol	0.01449275	Down
AMFR	1	geneontol	0.01449275	Down
SIGLEC10	1	geneontol	0.01449275	Down
GRAMD2A	1	geneontol	0.01449275	Down
ALYREF/SR	3	geneontol	0.04347826	Down
MAPKAPK5/	3	geneontol	0.04347826	Down
UGT1A10	1	geneontol	0.01449275	Down
EDEM1	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
EDEM1	1	geneontol	0.01449275	Down
GRM6/CAMK	4	geneontol	0.05797101	Down
SNAPIN/CA	2	geneontol	0.02898551	Down
RANBP1/CI	3	geneontol	0.04347826	Down
KAT5	1	geneontol	0.01449275	Down
AMFR	1	geneontol	0.01449275	Down
OBP2B	1	geneontol	0.01449275	Down
SEM2	1	geneontol	0.01449275	Down
LRRC52	1	geneontol	0.01449275	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01449275	Down
IFNA17/IL	2	geneontol	0.02898551	Down
SEM2/TCT	2	geneontol	0.02898551	Down
CORT	1	geneontol	0.01449275	Down
KAT5	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
UGT1A10	1	geneontol	0.01449275	Down
SEZ6L	1	geneontol	0.01449275	Down
ALYREF/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
HNRNPL/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
ALYREF/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
GRM6/CAMK	3	geneontol	0.04347826	Down
CAMK2A	1	geneontol	0.01449275	Down
CAMK2A	1	geneontol	0.01449275	Down
SRSF6	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
GRM6	1	geneontol	0.01449275	Down
GRM6	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down

AS3MT/UGT	2	geneontol	0.02898551	Down
CACNA2D3/	4	geneontol	0.05797101	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
IFNA17	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN/CA	2	geneontol	0.02898551	Down
CORT/GRM6	3	geneontol	0.04347826	Down
SEMG2/TCT	2	geneontol	0.02898551	Down
GRM6/CAMK	2	geneontol	0.02898551	Down
SEMG2/TCT	2	geneontol	0.02898551	Down
GRAMD2A	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
MCAM	1	geneontol	0.01449275	Down
GRM6	1	geneontol	0.01449275	Down
AS3MT/UGT	2	geneontol	0.02898551	Down
AMFR/EDEM	2	geneontol	0.02898551	Down
ADH1C	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
PTGDR	1	geneontol	0.01449275	Down
ALYREF/KA	3	geneontol	0.04347826	Down
PCBP1/PIK	2	geneontol	0.02898551	Down
UGT1A10	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01449275	Down
UGT1A10	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
KAT5	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
IFNA17	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
USF1/KAT5	4	geneontol	0.05797101	Down
AS3MT/UGT	2	geneontol	0.02898551	Down
ALYREF/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
ALYREF/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
MCAM	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
SEMG2	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
SEMG2	1	geneontol	0.01449275	Down
GRM6/CAMK	3	geneontol	0.04347826	Down
HSD17B2/A	2	geneontol	0.02898551	Down
KAT5	1	geneontol	0.01449275	Down
PTGDR	1	geneontol	0.01449275	Down
CORT	1	geneontol	0.01449275	Down
MCAM	1	geneontol	0.01449275	Down
CAMK2A	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN/SE	3	geneontol	0.04347826	Down
ALYREF/SR	3	geneontol	0.04347826	Down

USF1	1	geneontol	0.01449275	Down
SEZ6L	1	geneontol	0.01449275	Down
KDM5D	1	geneontol	0.01449275	Down
LRRC52	1	geneontol	0.01449275	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01449275	Down
CACNA2D3/ GRM6/GRK7	4	geneontol	0.05797101	Down
EDEM1	2	geneontol	0.02898551	Down
EDEM1	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
GRK7	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
ALYREF	1	geneontol	0.01449275	Down
IFNA17	1	geneontol	0.01449275	Down
TOMM22/CA	2	geneontol	0.02898551	Down
ALYREF/CC	3	geneontol	0.04347826	Down
ALYREF/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
GRM6/GRK7	2	geneontol	0.02898551	Down
PRPF39	1	geneontol	0.01449275	Down
RAG2	1	geneontol	0.01449275	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01449275	Down
SEZ6L	1	geneontol	0.01449275	Down
USF1	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
USF1	1	geneontol	0.01449275	Down
CAMK2A	1	geneontol	0.01449275	Down
CACNA2D3/ IFNA17/IL	4	geneontol	0.05797101	Down
AMFR/EDEM	2	geneontol	0.02898551	Down
EDEM1	1	geneontol	0.01449275	Down
SEMG2	1	geneontol	0.01449275	Down
USF1	1	geneontol	0.01449275	Down
EDEM1	1	geneontol	0.01449275	Down
EDEM1	1	geneontol	0.01449275	Down
CAMK2A/GR	2	geneontol	0.02898551	Down
GRK7	1	geneontol	0.01449275	Down
STT3A	1	geneontol	0.01449275	Down
MCAM	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
KAT5	1	geneontol	0.01449275	Down
XRN2/GRM6	2	geneontol	0.02898551	Down
ALYREF/CC	2	geneontol	0.02898551	Down
USF1/SRSF	2	geneontol	0.02898551	Down
HNRNPL/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
IFNA17	1	geneontol	0.01449275	Down
STT3A	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
EDEM1	1	geneontol	0.01449275	Down
ALYREF/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
SNAPIN/CI	2	geneontol	0.02898551	Down
HSD17B2	1	geneontol	0.01449275	Down

PTGDR	1	geneontol	0.01449275	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01449275	Down
SEZ6L	1	geneontol	0.01449275	Down
SEMG2/TCT	2	geneontol	0.02898551	Down
HNRNPL/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
USF1/GRM6	3	geneontol	0.04347826	Down
SEMG2	1	geneontol	0.01449275	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01449275	Down
ADH1C	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1/CAMK	2	geneontol	0.02898551	Down
CIB1/SEMG	2	geneontol	0.02898551	Down
COPG1	1	geneontol	0.01449275	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01449275	Down
PTGDR	1	geneontol	0.01449275	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01449275	Down
OR10H2	1	geneontol	0.01449275	Down
COPG1/SNA	2	geneontol	0.02898551	Down
RAG2/IFNA	3	geneontol	0.04347826	Down
GRK7	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
OLFM3	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
CAMK2A/UN	2	geneontol	0.02898551	Down
AMFR/EDEM	2	geneontol	0.02898551	Down
CIB1/SEMG	2	geneontol	0.02898551	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
SRSF6	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1/SEMG	2	geneontol	0.02898551	Down
FURIN/PCE	3	geneontol	0.04347826	Down
TOMM22/RF	3	geneontol	0.04347826	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01449275	Down
CAMK2A	1	geneontol	0.01449275	Down
CAMK2A	1	geneontol	0.01449275	Down
KAT5	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
EDEM1	1	geneontol	0.01449275	Down
HNRNPL/AM	2	geneontol	0.02898551	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
OR10H2	1	geneontol	0.01449275	Down
MROH2B	1	geneontol	0.01449275	Down
SRSF6	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN/CA	2	geneontol	0.02898551	Down

SNAPIN/CA	2	geneontol	0.02898551	Down
USF1/SEMG	3	geneontol	0.04347826	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
LRR52	1	geneontol	0.01449275	Down
USF1/RPS4	2	geneontol	0.02898551	Down
MAPKAPK5/	2	geneontol	0.02898551	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
GRM6	1	geneontol	0.01449275	Down
EDEM1/CIE	2	geneontol	0.02898551	Down
AMFR/EDEM	2	geneontol	0.02898551	Down
ALYREF/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
XRN2	1	geneontol	0.01449275	Down
KDM5D	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
USF1	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
XRN2	1	geneontol	0.01449275	Down
KAT5	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN/CI	2	geneontol	0.02898551	Down
RAG2/IFNA	3	geneontol	0.04347826	Down
HNRNPL	1	geneontol	0.01449275	Down
SRSF6	1	geneontol	0.01449275	Down
TOMM22	1	geneontol	0.01449275	Down
RANBP1/CI	2	geneontol	0.02898551	Down
COPG1/SNA	2	geneontol	0.02898551	Down
FURIN/EDE	3	geneontol	0.04347826	Down
OLFM3	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01449275	Down
IFNA17	1	geneontol	0.01449275	Down
RPS4Y1/EI	2	geneontol	0.02898551	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
ADH1C	1	geneontol	0.01449275	Down
LRR52	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
ALYREF	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
OLFM3	1	geneontol	0.01449275	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01449275	Down
SEMG2	1	geneontol	0.01449275	Down
SRSF6	1	geneontol	0.01449275	Down
HNRNPL	1	geneontol	0.01449275	Down
SEZ6L/GRM	2	geneontol	0.02898551	Down
EDEM1	1	geneontol	0.01449275	Down
KAT5	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
TOMM22	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
HSD17B2	1	geneontol	0.01449275	Down

CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
XRN2/GRM6	3	geneontol	0.04347826	Down
COPG1/SNA	2	geneontol	0.02898551	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01449275	Down
SEZ6L	1	geneontol	0.01449275	Down
USF1	1	geneontol	0.01449275	Down
SRSF6	1	geneontol	0.01449275	Down
XRN2/GRM6	3	geneontol	0.04347826	Down
AMFR	1	geneontol	0.01449275	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01449275	Down
USF1	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN/KAT	3	geneontol	0.04347826	Down
ALYREF/SR	2	geneontol	0.02898551	Down
AMFR/EDEM	2	geneontol	0.02898551	Down
MEST	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
SRSF6	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
XRN2/GRM6	3	geneontol	0.04347826	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01449275	Down
IFNA17	1	geneontol	0.01449275	Down
CAMK2A	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
XRN2/RPS4	2	geneontol	0.02898551	Down
RPS4Y1/CI	2	geneontol	0.02898551	Down
SRSF6	1	geneontol	0.01449275	Down
KAT5	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
CORT	1	geneontol	0.01449275	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01449275	Down
USF1	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
CAMK2A	1	geneontol	0.01449275	Down
CORT	1	geneontol	0.01449275	Down
AS3MT	1	geneontol	0.01449275	Down
RANBP1	1	geneontol	0.01449275	Down
PIK3C2G	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
AMFR	1	geneontol	0.01449275	Down
PTGDR	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
GRM6/GRK7	2	geneontol	0.02898551	Down
CAMK2A	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
PTGDR	1	geneontol	0.01449275	Down
HNRNPL/US	2	geneontol	0.02898551	Down
AMFR/STT3	3	geneontol	0.04347826	Down
CAMK2A	1	geneontol	0.01449275	Down

SEMG2	1	geneontol	0.01449275	Down
RANBP1	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01449275	Down
EDEM1/CIE	2	geneontol	0.02898551	Down
GRM6/GRK7	2	geneontol	0.02898551	Down
GRK7	1	geneontol	0.01449275	Down
TOMM22	1	geneontol	0.01449275	Down
SEMG2	1	geneontol	0.01449275	Down
SNAPIN/CI	2	geneontol	0.02898551	Down
FURIN/EDE	2	geneontol	0.02898551	Down
CAMK2A	1	geneontol	0.01449275	Down
FURIN	1	geneontol	0.01449275	Down
PTGDR	1	geneontol	0.01449275	Down
IL11	1	geneontol	0.01449275	Down
USF1	1	geneontol	0.01449275	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01449275	Down
AMFR/KAT5	3	geneontol	0.04347826	Down
SNAPIN/CA	2	geneontol	0.02898551	Down
CIB1	1	geneontol	0.01449275	Down
OLFM3	1	geneontol	0.01449275	Down
RAG2	1	geneontol	0.01449275	Down
AMFR/EDEM	2	geneontol	0.02739726	Down
MROH2B/FL	3	geneontol	0.04109589	Down
XRN2/EDEM	2	geneontol	0.02739726	Down
MROH2B/FL	3	geneontol	0.04109589	Down
AMFR/FURI	5	geneontol	0.06849315	Down
AMFR/EDEM	3	geneontol	0.04109589	Down
UTY/KDM5C	2	geneontol	0.02739726	Down
XRN2/EDEM	2	geneontol	0.02739726	Down
AMFR/CIB1	3	geneontol	0.04109589	Down
ALYREF/PR	3	geneontol	0.04109589	Down
MROH2B/FL	3	geneontol	0.04109589	Down
ALYREF/SN	2	geneontol	0.02739726	Down
KAT5	1	geneontol	0.01369863	Down
PRPF39/SN	2	geneontol	0.02739726	Down
STT3A	1	geneontol	0.01369863	Down
COPG1	1	geneontol	0.01369863	Down
UTY	1	geneontol	0.01369863	Down
AMFR/FURI	4	geneontol	0.05479452	Down
CACNA2D3/	3	geneontol	0.04109589	Down
PRPF39/SN	2	geneontol	0.02739726	Down
ALYREF	1	geneontol	0.01369863	Down
CTSW	1	geneontol	0.01369863	Down
CORT	1	geneontol	0.01369863	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01369863	Down
PRPF39/SN	2	geneontol	0.02739726	Down
SNAPIN/SY	2	geneontol	0.02739726	Down
SNAPIN/SY	2	geneontol	0.02739726	Down
HNRNPL	1	geneontol	0.01369863	Down
UTY/KDM5C	2	geneontol	0.02739726	Down

PRPF39	1	geneontol	0.01369863	Down
PRPF39	1	geneontol	0.01369863	Down
HNRNPL/DC	3	geneontol	0.04109589	Down
ALYREF/SR	4	geneontol	0.05479452	Down
COPG1	1	geneontol	0.01369863	Down
CIB1	1	geneontol	0.01369863	Down
COPG1/FUR	4	geneontol	0.05479452	Down
PRPF39/SN	2	geneontol	0.02739726	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01369863	Down
ALYREF	1	geneontol	0.01369863	Down
DDX3Y	1	geneontol	0.01369863	Down
DDX3Y	1	geneontol	0.01369863	Down
KAT5	1	geneontol	0.01369863	Down
CTSW	1	geneontol	0.01369863	Down
KAT5	1	geneontol	0.01369863	Down
DDX3Y	1	geneontol	0.01369863	Down
SNRNP40	1	geneontol	0.01369863	Down
GRK7	1	geneontol	0.01369863	Down
TOMM22	1	geneontol	0.01369863	Down
KAT5	1	geneontol	0.01369863	Down
OLFM3	1	geneontol	0.01369863	Down
GRAMD2A	1	geneontol	0.01369863	Down
COPG1	1	geneontol	0.01369863	Down
CACNA2D3/	3	geneontol	0.04109589	Down
PIK3C2G	1	geneontol	0.01369863	Down
MROH2B	1	geneontol	0.01369863	Down
SNRNP40	1	geneontol	0.01369863	Down
SNRNP40	1	geneontol	0.01369863	Down
FURIN	1	geneontol	0.01369863	Down
AMFR/EDEM	2	geneontol	0.02739726	Down
CACNA2D3/	3	geneontol	0.04109589	Down
SYNPR	1	geneontol	0.01369863	Down
CACNA2D3/	3	geneontol	0.04109589	Down
PRPF39	1	geneontol	0.01369863	Down
COPG1/FUR	2	geneontol	0.02739726	Down
CACNA2D3	1	geneontol	0.01369863	Down
AMFR/CIB1	2	geneontol	0.02739726	Down
KAT5	1	geneontol	0.01369863	Down
FURIN/MLA	3	geneontol	0.04109589	Down
RPS4Y1	1	geneontol	0.01369863	Down
SYNPR	1	geneontol	0.01369863	Down
OLFM3	1	geneontol	0.01369863	Down
OLFM3	1	geneontol	0.01369863	Down
SNAPIN/SY	2	geneontol	0.02739726	Down
FURIN/MLA	3	geneontol	0.04109589	Down
SNAPIN/SY	2	geneontol	0.02739726	Down
COPG1	1	geneontol	0.01369863	Down
SNAPIN	1	geneontol	0.01369863	Down
SNAPIN/SY	2	geneontol	0.02739726	Down
FURIN	1	geneontol	0.01369863	Down
DDX3Y/PCE	2	geneontol	0.02739726	Down

FURIN	1	geneontol	0.01369863	Down
CACNA2D3	1	geneontol	0.01369863	Down
XIRP1	1	geneontol	0.01369863	Down
XIRP1	1	geneontol	0.01369863	Down
RPS4Y1	1	geneontol	0.01369863	Down
FURIN/MLA	2	geneontol	0.02739726	Down
RPS4Y1	1	geneontol	0.01369863	Down
KAT5	1	geneontol	0.01369863	Down
XIRP1	1	geneontol	0.01369863	Down
KAT5	1	geneontol	0.01369863	Down
KAT5	1	geneontol	0.01369863	Down
XIRP1	1	geneontol	0.01369863	Down
MAPKAPK5/	2	geneontol	0.02739726	Down
MAPKAPK5/	2	geneontol	0.02739726	Down
MAPKAPK5/	2	geneontol	0.02739726	Down
UTY/KDM5C	2	geneontol	0.02739726	Down
UTY/KDM5C	2	geneontol	0.02739726	Down
UTY/KDM5C	2	geneontol	0.02739726	Down
AMFR/FURI	3	geneontol	0.04109589	Down
OR51E1/OR	5	geneontol	0.06849315	Down
HNRNPL/SR	2	geneontol	0.02739726	Down
PTGDR	1	geneontol	0.01369863	Down
EDEM1	1	geneontol	0.01369863	Down
PIK3C2G	1	geneontol	0.01369863	Down
ADH1C	1	geneontol	0.01369863	Down
RAG2/GRAM	2	geneontol	0.02739726	Down
PTGDR	1	geneontol	0.01369863	Down
STT3A/UGT	3	geneontol	0.04109589	Down
HSD17B2	1	geneontol	0.01369863	Down
PIK3C2G	1	geneontol	0.01369863	Down
HNRNPL	1	geneontol	0.01369863	Down
AMFR	1	geneontol	0.01369863	Down
UTY/KDM5C	2	geneontol	0.02739726	Down
EDEM1	1	geneontol	0.01369863	Down
PTGDR	1	geneontol	0.01369863	Down
PCBP1	1	geneontol	0.01369863	Down
RANBP1	1	geneontol	0.01369863	Down
EDEM1	1	geneontol	0.01369863	Down
PIK3C2G	1	geneontol	0.01369863	Down
PIK3C2G	1	geneontol	0.01369863	Down
OBP2B/OR5	2	geneontol	0.02739726	Down
IFNA17	1	geneontol	0.01369863	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01369863	Down
XRN2	1	geneontol	0.01369863	Down
ADH1C	1	geneontol	0.01369863	Down
TOMM22	1	geneontol	0.01369863	Down
TOMM22	1	geneontol	0.01369863	Down
AMFR	1	geneontol	0.01369863	Down
SNAPIN/SY	2	geneontol	0.02739726	Down
GPX8	1	geneontol	0.01369863	Down
CIB1	1	geneontol	0.01369863	Down

RAG2/GRAM	2	geneontol	0.02739726	Down
HSD17B2/A	2	geneontol	0.02739726	Down
TOMM22	1	geneontol	0.01369863	Down
SIGLEC10	1	geneontol	0.01369863	Down
CORT/C1QT	2	geneontol	0.02739726	Down
RAG2/GRAM	3	geneontol	0.04109589	Down
B4GALNT3	1	geneontol	0.01369863	Down
HSD17B2/A	2	geneontol	0.02739726	Down
STT3A/UGT	3	geneontol	0.04109589	Down
CIB1/LRRC	2	geneontol	0.02739726	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01369863	Down
SYNPR	1	geneontol	0.01369863	Down
GRM6	1	geneontol	0.01369863	Down
EDEM1	1	geneontol	0.01369863	Down
KDM5D	1	geneontol	0.01369863	Down
RAG2	1	geneontol	0.01369863	Down
CACNA2D3/	2	geneontol	0.02739726	Down
USF1	1	geneontol	0.01369863	Down
UGT1A10/E	2	geneontol	0.02739726	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01369863	Down
CORT	1	geneontol	0.01369863	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01369863	Down
HSD17B2	1	geneontol	0.01369863	Down
RAG2	1	geneontol	0.01369863	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01369863	Down
CIB1	1	geneontol	0.01369863	Down
TOMM22	1	geneontol	0.01369863	Down
UGT1A10	1	geneontol	0.01369863	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01369863	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01369863	Down
OR10H2	1	geneontol	0.01369863	Down
HSD17B2	1	geneontol	0.01369863	Down
OR10H2	1	geneontol	0.01369863	Down
CORT/IFNA	4	geneontol	0.05479452	Down
CORT/IFNA	4	geneontol	0.05479452	Down
XRN2	1	geneontol	0.01369863	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01369863	Down
XRN2	1	geneontol	0.01369863	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01369863	Down
RAG2	1	geneontol	0.01369863	Down
XRN2	1	geneontol	0.01369863	Down
RANBP1	1	geneontol	0.01369863	Down
SIGLEC10	1	geneontol	0.01369863	Down
RAG2/GRAM	2	geneontol	0.02739726	Down
USF1/KAT5	3	geneontol	0.04109589	Down
CACNA2D3	1	geneontol	0.01369863	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01369863	Down
CAMK2A	1	geneontol	0.01369863	Down
B4GALNT3	1	geneontol	0.01369863	Down
EIF1AY	1	geneontol	0.01369863	Down
OR10H2	1	geneontol	0.01369863	Down

TOMM22	1	geneontol	0.01369863	Down
CACNA2D3/	2	geneontol	0.02739726	Down
CACNA2D3/	2	geneontol	0.02739726	Down
GPX8	1	geneontol	0.01369863	Down
MAPKAPK5/	2	geneontol	0.02739726	Down
LRRC52	1	geneontol	0.01369863	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01369863	Down
KAT5	1	geneontol	0.01369863	Down
UGT1A10	1	geneontol	0.01369863	Down
XRN2	1	geneontol	0.01369863	Down
GPX8	1	geneontol	0.01369863	Down
KAT5	1	geneontol	0.01369863	Down
XRN2	1	geneontol	0.01369863	Down
SLC25A21	1	geneontol	0.01369863	Down
RPS4Y1	1	geneontol	0.01369863	Down
CIB1	1	geneontol	0.01369863	Down
KAT5	1	geneontol	0.01369863	Down
MAPKAPK5	1	geneontol	0.01369863	Down
IFNA17/IL	2	geneontol	0.02739726	Down
CIB1	1	geneontol	0.01369863	Down
RAG2	1	geneontol	0.01369863	Down
RAG2	1	geneontol	0.01369863	Down
KAT5/RAG2	2	geneontol	0.02739726	Down
MAPKAPK5/	3	geneontol	0.04109589	Down
AMFR/CIB1	2	geneontol	0.02739726	Down
KAT5	1	geneontol	0.01369863	Down
DDX3Y	1	geneontol	0.01369863	Down
SYNPR	1	geneontol	0.01369863	Down
RAG2/GRAM	3	geneontol	0.04109589	Down
KDM5D	1	geneontol	0.01369863	Down

Supplementary Table S5: Immune cell enrichment of GSE45291.

	GSM110086	GSM110086	GSM110086	GSM110086	GSM110086	GSM110086	GSM110086	GSM110087
Adipocyte	0	0.0166	0.0255	0	0	0	0.0361	0.0061
Astrocyte	0	0	0	0	0	0	0	0
B-cells	0.1035	0.1174	0.072	0.1202	0.1525	0.0719	0.1198	0.0658
Basophils	0	0	0	0	0	0	0.0108	0
CD4+ T-ce	0.128	0.174	0.0826	0.1762	0.1189	0.0725	0.2318	0.0595
CD4+ Tcm	0.0521	0.0703	0.0075	0.05	0.1211	0.1012	0.0844	0.0538
CD4+ Tem	0.0854	0.0877	0.0347	0.0711	0.0466	0.062	0.0931	0.0459
CD4+ memc	0.1912	0.2041	0.0837	0.2125	0.1509	0.0859	0.3048	0.0844
CD4+ naiv	0.0422	0.1079	0.0508	0.1001	0.0665	0.0507	0.0462	0.0319
CD8+ T-ce	0.0796	0.1459	0.0777	0.1393	0.0665	0.0098	0.1458	0.1143
CD8+ Tcm	0.0542	0.0679	0	0.057	0.0153	0	0.0899	0.06
CD8+ Tem	0.001	0.0299	0.0093	0.0284	0.0228	0	0.0214	0.0829
CD8+ naiv	0.0878	0.0535	0.0639	0.068	0.0779	0.0473	0.0748	0.0593
CLP	0.1059	0.091	0.0653	0.1172	0.0445	0.0194	0.0765	0.0504
CMP	0	0	0.0437	0	0	0.0406	0.0088	0
Chondrocy	0.0087	0	0	0.0427	0	0	0.003	0
Class-swi	0.1396	0.1187	0.0724	0.0699	0.1617	0.1444	0.1067	0.0636
DC	0	0.007	0	0.0111	0	0	0	0
Endotheli	0.0255	0.0119	0.0023	0	0.0148	0	0.0206	0.0388
Eosinophi	0.1413	0.1637	0.3062	0.2803	0.1701	0.2938	0.2102	0.2562
Epithelia	0.0522	0.0476	0.0556	0.049	0.0608	0.0918	0.0367	0.0688
Erythrocy	0.0164	0	0	0.0837	0.0881	0.1205	0.0596	0.1202
Fibroblas	0.0168	0.002	0	0.0287	0.0262	0	0.0519	0
GMP	0	0	0.0343	0	0	0	0.0303	0
HSC	0	0	0	0	0	0	0.0179	0
Hepatocyt	0.011	0.0101	0.0031	0	0	0	9.00E-04	3.00E-04
Keratinoc	0.0096	0	0	0	0.0263	0.0428	0.009	0.0108
MEP	0	0.0566	0	0.0042	0	0	0.0221	0
MPP	0	0	0.2119	0.0433	0.0862	0.1445	0.0171	0.0578
MSC	0.0427	0.1453	0.1334	0.13	0.1904	0.371	0.0943	0.2523
Macrophag	0.0367	0.0573	0.061	0.0331	0.0436	0.0321	0.0358	0.035
Macrophag	0.0038	0.0207	0.0068	0.0053	0.0134	0.0114	1.00E-04	0.0013
Macrophag	0.0132	0.0149	0.051	0.0083	0.0194	0.0217	0	0.0336
Mast cell	0	0	0.0094	0.008	0.0045	0.011	0.0215	0.01
Megakaryc	0.2407	0	0.0935	0.1009	0.1685	0.2465	0.1095	0.2628
Melanocyt	0	0.0046	0.0047	0.0013	0.0117	0.0097	0.0017	0.001
Memory B-	0.0243	0.0511	0.0284	0.0443	0.0728	0.0543	0.0381	0.0338
Mesangial	0	0	0	0	0.0247	0.0131	0	0.0017
Monocytes	0	0	0	0	0	0	0	0
Myocytes	0.0027	0	0	0.0063	0	6.00E-04	0	0
NK cells	0.0994	0	0	0.0496	0.0348	0	0.0688	0.0955
NKT	0.2357	0.2546	0.3415	0.1798	0.3645	0.3715	0.0165	0.3253
Neurons	0.0021	0	0	0	3.00E-04	0.0027	0.0076	0
Neutroph	0.0575	0.0858	0.1255	0.0375	0.0738	0.0825	0.0574	0.0603
Osteoblas	0.2835	0.2926	0.2482	0.2335	0.2556	0.1893	0.2548	0.2467
Pericytes	0.0546	0.0601	0.0541	0.035	0.0629	0.0455	0.0401	0.0503
Plasma ce	0.029	0.0067	0	0	0	0	0	0
Platelets	0.1559	0	0.0791	0.0779	0.1309	0.164	0.0611	0.1749
Preadipoc	0.079	0.0661	0.046	0.0625	0.0312	0	0.0902	0.0291

Sebocytes	0.003	0	5.00E-04	0.0026	0.0081	0.0069	0.005	0.004
Skeletal	0	0.0076	0.0023	0.006	0.0056	0.0135	0.0013	0.0046
Smooth mu	0.1359	0.1038	0	0.0554	0.0246	0	0.0508	0.0251
Tgd cells	0	0	0	0	0	0	0	0.0033
Th1 cells	0.1499	0.1638	0.1107	0.1284	0.1242	0.093	0.1216	0.1531
Th2 cells	0.0375	0.0081	0.0078	0.0072	0.0119	0	0.0443	0.0198
Tregs	0.0259	0.0215	0.0482	0.0634	0.0491	0.0374	0.1146	0.0078
aDC	0	0	0	0.0017	0.0179	0.0189	0.0024	0
cDC	0.0436	0.0421	0	0.0317	0.001	0	0.0269	0.0317
iDC	0	0.0201	0	0.042	0	0	0.0079	0.0248
ly Endoth	0.0589	0.0806	0.0553	0.0791	0.0694	0.0782	0.0886	0.1109
mv Endoth	0.0544	0.0854	0.0728	0.0643	0.0761	0.0743	0.0379	0.1146
naive B-c	0.0909	0.1015	0.0757	0.1032	0.1099	0.0371	0.1116	0.0656
pDC	0.0085	0	0	0	0.0017	0	0	0
pro B-cel	0	0	0.0041	0	0.0065	0.0027	0	0
ImmuneSc	0.4307	0.5007	0.4896	0.5702	0.4431	0.3824	0.5941	0.4644
StromaSc	0.0212	0.0152	0.0139	0.0144	0.0205	0	0.0543	0.0224
Microenvi	0.4518	0.516	0.5035	0.5845	0.4636	0.3824	0.6484	0.4868

GSM110087	GSM110087	GSM110087	GSM110087	GSM110087	GSM110087	GSM110087	GSM110087	GSM110087	GSM110087
0.0197	0.0073	0.0121	0	0.0094	0.0076	0.0053	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.1474	0.0463	0.2777	0.0958	0.0892	0.0862	0.0293	0.1341	0	
0.0322	0.0825	0	0.0233	0	0.0408	0	0.1472	0.0176	
0.1394	0	0.1954	0.1285	0.126	0.0777	0.1193	0	0.034	
0.0683	0.0086	0.0767	0.0455	0.0314	0.1038	0.0962	0	0.0496	
0.0358	0.0039	0.0833	0.0285	0.024	0.0123	0.0407	3.00E-04	0	
0.1867	0.0117	0.2893	0.1718	0.1747	0.098	0.1899	0	0.0131	
0.0901	0	0.0369	0.0689	0.0514	0.0485	0.0408	0	0	
0.0911	0	0.1696	0.0939	0.1267	0.0135	0.1181	0.0541	0.0382	
0.0201	0	0.1084	0.0226	0.0501	0	0.0476	0.0066	6.00E-04	
0.012	0	0.1633	0.0346	0.0723	0	0	0.0452	0.052	
0.083	0.032	0.0408	0.0713	0.0511	0.0479	0.1005	0.0304	0.0697	
0.0633	0.0238	0.1497	0.0925	0.101	0.0473	0.088	0.0242	0	
0	0.0711	0.0179	0.001	0.0134	0	0	0.2214	0.1247	
0.0198	0.0154	0	0	0.0215	0.005	0.0043	0	0.0503	
0.0857	0.134	0.168	0.0745	0.0991	0.0655	0.0849	0.0582	0.0399	
0	0	0	0.0095	0	0	0	0	0	
0.0279	0	0	0.0097	0.0027	0.0295	0	0	0	
0.1017	0.2902	0	0.3358	0.213	0.2106	0.2743	0.2409	0.2472	
0.0542	0.0697	0.022	0.05	0.0414	0.0649	0.0451	0.0109	0.0291	
0.0997	0	0.0874	0.0745	0.1005	0.1642	0.0848	0.0199	0.0669	
0	0.0082	0.027	0.0292	0.0386	0.0427	0	0	0	
0	0.0036	0.0153	0	4.00E-04	0	0	0.0557	0.0076	
0	0	0.026	0.0076	0.0378	0.0328	0.0447	0	0	
0.0043	0	0	0.0011	0	0.0116	0.0014	0	0	
0.0116	0.0176	0.0136	0.0021	0.0067	0.0058	0.0041	0	0.0081	
0.022	0	0.0853	0	0	0	0	0	0	
0.0113	0.3136	0.0341	0.0119	0	0.0715	0.0218	0.4472	0.2431	
0.0751	0.0897	0.109	0.1319	0.1241	0.1969	0.0428	0.2346	0.1095	
0.0144	0.0485	0.0365	0.0298	0.0421	0.0406	0.0561	0.1136	0.0357	
0.0049	0.0069	0.0136	0.004	0.0181	9.00E-04	0.0026	0.0312	5.00E-04	
0.015	0.0497	0	0.0112	0.0221	0.0331	0.0129	0	0.0352	
0.0223	0.0088	0.0298	0.0178	0.0097	0.0175	0.0069	0.0207	0.0148	
0.2365	0.3042	0.0852	0.2069	0.1211	0.2034	0.3186	0.2039	0.0962	
0.0055	0.0096	9.00E-04	0.0085	0.0161	0.014	0.0023	0	0.0147	
0.0655	0	0.1194	0.0206	0.0473	0.0508	0	0.0432	0	
0.0035	0.0087	0	0	0	0.0051	0	0.0096	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.0042	0	0.0096	0.0018	0	0.0028	8.00E-04	0	0	
0.0536	0	0.2561	0.0852	0.1136	0	0	0.0158	0.0767	
0.2227	0.3682	0.0497	0.1748	0.1932	0.3405	0.2917	0.298	0.3712	
0.0011	0	0.008	1.00E-04	0.0029	0	0.0049	0	0.0062	
0.0665	0.1033	0	0.0562	0.0642	0.1148	0.0608	0.1137	0.1263	
0.1494	0.123	0.2985	0.2395	0.2418	0.1999	0.1821	0.1352	0.1192	
0.0602	0.0336	0.0068	0.0423	0.0494	0.0652	0.0428	0.0132	0.0469	
0	0.0137	0.0258	0	0	0	0.0383	0.0034	0	
0.173	0.1943	0.0863	0.1126	0.1221	0.1058	0.1852	0.1193	0.1111	
0.0757	0.0189	0.1142	0.0671	0.0663	0.039	0.074	0.0054	0.0166	

0.0051	9.00E-04	0.0053	0.0037	0.0038	0.0054	0.005	0.0025	0.0038
0.0017	0.0222	0	0	0.0081	0.0025	0	0	0
0.1205	0	0.1939	0.115	0.1037	0.0152	0.1689	0	0
0	0	0.0063	0	0.0039	0	0	0	0
0.1274	0.0333	0.2238	0.1657	0.1289	0.0944	0.1164	0.146	0.0649
0.0183	0.0462	0.0433	0	0.0331	0	0.0701	0.0388	0.0516
0.0659	0.0398	0.0506	0.0508	0.0536	0.0516	0.0189	0	0.0517
0	0	0.0061	0	0	0	0	0	0
0.0459	0	0.0745	0.0265	0.0498	0.0142	0.0292	0	0
0.0145	0	0	0.0562	0.0203	0.0083	0.0028	0	0
0.0851	0.0891	0.0516	0.0857	0.0256	0.085	0.0309	0.0375	0.0527
0.091	0.0644	0.0551	0.0942	0.0603	0.0855	0.034	0.049	0.0322
0.1392	0.0153	0.2051	0.0992	0.081	0.0974	0.002	0.1074	0
0.0081	0	0.0356	0	0.0223	0	0	0	0
0	0.0036	0.0081	0	0	0	0	0.0763	0.029
0.4243	0.3314	0.6434	0.5683	0.523	0.3739	0.4432	0.4619	0.3819
0.0238	0.0078	0.0195	0.0195	0.0254	0.0399	0.0026	0	0
0.4481	0.3392	0.6629	0.5878	0.5484	0.4138	0.4458	0.4619	0.3819

GSM110088	GSM110088	GSM110088	GSM110088	GSM110088	GSM110088	GSM110088	GSM110088	GSM110088
0.0191	0.0142	0	0.0013	0.0169	0.0146	0.009	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0401	0.0783	0.1201	0.1708	0.1123	0.0194	0.1467	0.1418	0.1908
0	0.0062	0.0777	0	0.0384	0	0	0	0.0214
0.1385	0.1165	0.1234	0.1537	0.1165	0.0287	0.1655	0.1557	0.1814
0.0283	0.0934	0.0585	0.0793	0.0793	0	0.0853	0.0833	0.1016
0.0177	0.0626	0.0506	0.0713	0.0523	0	0	0.0478	0.0811
0.1904	0.139	0.1677	0.2287	0.109	0.0408	0.2151	0.2049	0.2515
0.0258	0.0518	0.0701	0.0797	0.0811	0	0.0975	0.0946	0.1035
0.106	0.1224	0.1556	0.1018	0.1181	0.0461	0.089	0.1204	0.1838
0.0419	0.0417	0.0776	0.0292	0.0246	0.0231	0.0115	0.0528	0.0939
0	0.1342	0.0662	0.0485	0.0756	0.0327	0.028	0.0044	0.0784
0.0778	0.053	0.1074	0.0648	0.0492	0.074	0.0758	0.1181	0.0778
0.0985	0.0666	0.0764	0.0758	0.0357	0.0859	0.0939	0.0835	0.113
0.0279	0	0	0.0036	0.0034	0	0.002	0.0032	0
0.0261	0	0.0302	0.005	0	0.0396	0	0	0.0189
0.0937	0.118	0.0807	0.0853	0.1213	0.0535	0.0851	0.0733	0.1214
0	0.0546	0	0	0	0	0	0.0034	0.0021
0	0.0158	0.0122	0.0095	0.0192	0.0208	0.0042	0.0067	0.0032
0.2947	0.227	0.1402	0.1669	0.2353	0.2885	0.1764	0.3564	0.185
0.0485	0.0465	0.048	0.0483	0.057	0.0507	0.054	0.0454	0.0318
0.0498	0.1693	0.1526	0.0998	0.1	0	0.0959	0.1002	0.0625
0.0139	0.0646	0.0088	0	0	0.0341	0.0565	0	0.0022
0.0033	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0329	0.026	0.0174	0.0185	0	7.00E-04	0.0307	0	0.0223
0	0.0127	0	0.0099	0.0037	0.0044	0.0089	0.009	0.0107
0	0.0078	0.0046	0.005	0.0116	0	0.0057	0	0.0014
0	0	0	0.0367	0.0588	0	0	0	0.024
0	0.047	0.0206	0.0067	0.0584	0.1113	0.0218	0.0163	0
0	0.3064	0.1009	0.098	0.281	0.0388	0.0902	0.1373	0.1333
0.0643	0.0421	0.0261	0.0386	0.0351	0.0957	0.0254	0.0088	0.0121
0.008	0.0097	0.0103	0.0065	0.0061	0.0131	0.0098	0	7.00E-04
0.0155	0.0305	0.0103	0.0128	0.0175	0.0387	0.0103	0	0
0.0079	0.0212	0.0099	0.0077	0.0141	0	0.0109	0.0136	0.012
0.2245	0.1806	0.2374	0.1553	0.035	0.1913	0.2579	0.1481	0.1428
0.0046	0.0049	0	3.00E-04	0.0034	0.0016	0.0168	0.0156	0
0	0.0479	0.0356	0.0699	0.0555	0	0.0568	0.0268	0.0811
0	0.011	0	0	0.0201	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0.0013	0	0	0
0.0194	0	0.0058	0.0114	0	0	0.005	0	1.00E-04
0.0369	0.068	0.1015	0.1162	0.0724	0.0692	0.1201	0.032	0.1318
0.184	0.2462	0.1787	0.1339	0.3176	0.3127	0.1709	0.2158	0.0775
0.002	0.001	0	0.0018	0.0011	0.0021	0.0029	0	0.0062
0.0561	0.0302	0.0423	0.0474	0.0991	0.1093	3.00E-04	0.0445	0.0144
0.1964	0.2417	0.175	0.237	0.3032	0.2458	0.25	0.2584	0.2757
0.0254	0.0391	0.0205	0.0207	0.0563	0.0603	0.0501	0.0568	0.0196
0	0.0146	0	0	0.0173	0	0	0	0
0.1336	0.1179	0.1346	0.1307	0.0254	0.1021	0.1579	0.0927	0.0772
0.0942	0.0397	0.0626	0.0864	0.0211	0.0606	0.1003	0.0559	0.0953

0.0036	0.0054	0.0048	0.0051	0.005	0.0024	0.0045	0.0015	0.0067
0	0.0034	0.0029	1.00E-04	0.0043	0	0	0	0.0029
0.1616	0.0052	0.0765	0.1215	0	0.0554	0.1396	0.1184	0.1114
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1083	0.1459	0.2006	0.1199	0.1789	0.126	0.1211	0.147	0.1759
0.0557	0.0091	0.0162	0.0201	0	0.0073	0.004	0.0184	0.0321
0.0549	0	0	0.0237	0	0.0357	0.0772	0.0169	0.0168
0	0.0314	0	1.00E-04	0	0	0.0238	0	0
0.0286	0.0772	0.0143	0.0626	0.0324	0.0192	0.0428	0	0.0594
0	0.0284	0.003	0.0136	0	0	0.0054	0.0479	0.0445
0.0465	0.1115	0.0733	0.0445	0.0779	0.0379	0.0875	0.0558	0.0839
0.0406	0.1151	0.0769	0.0548	0.1261	0.0601	0.0575	0.075	0.0807
0.0136	0.0544	0.1366	0.163	0.0941	0.0032	0.1266	0.1398	0.1584
0	0.0346	0.0083	0	0	0	0.009	0	0.0236
0	0	0	0	0.0093	0	0	0	0.0022
0.4963	0.5069	0.4794	0.5354	0.5353	0.4388	0.4895	0.5844	0.6089
0.0165	0.0473	0.0105	0.0054	0.018	0.0347	0.0348	0.0034	0.0027
0.5128	0.5542	0.4899	0.5408	0.5533	0.4736	0.5244	0.5878	0.6116

GSM110088	GSM110089	GSM110089	GSM110089	GSM110089	GSM110089	GSM110089	GSM110089	GSM110089
0.0242	0.0126	0.0136	0.0258	0	0	0.0174	0.0198	0.0037
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0928	0.1292	0	0.1913	0.2321	0.1076	0	0.0207	0
0.0121	0	0	0	0.0358	0	0	0	0
0.1724	0.1029	0.0057	0.1733	0.0736	0.0939	0.0627	0.1239	0.1423
0.0936	0.0978	0	0.0909	0.0524	0.0816	0	0.0736	0.0698
0.0705	0.0838	0	0.0716	0.074	0.0645	0	0.0391	0.0447
0.2405	0.1641	0.0546	0.2153	0.137	0.1343	0.1198	0.169	0.1884
0.0233	0.0246	0	0.0884	0.0164	0.0239	0	0.0541	0.0764
0.0847	0.0925	0	0.1457	0.0747	0.0647	0.0897	0.12	0.0567
0.0088	0.0344	0	0.0537	0	0.0191	0.0494	0.0468	0
0.004	0.0355	0	0.0955	0	0.0692	0.077	0.0649	0
0.0912	0.0988	0.0672	0.0832	0.1022	0.0585	0.0706	0.0934	0.0426
0.0967	0.0555	0.0544	0.1113	0.0437	0.053	0.1222	0.0663	0.0749
0.0095	0.0945	0.1653	0	0	0	0.0747	0	0.0238
0	0	0.041	0	0.0704	0	0	0	0
0.0718	0.0847	0.036	0.0807	0.1388	0.0653	0.0248	0.056	0.0305
0	0	0	0.0102	0	0.0085	0	0.013	0
0.0194	0	0	0.0158	0	0.0093	0	0.0029	0.0152
0.3185	0.3588	0.3103	0.1293	0	0.2324	0.2855	0.306	0.3678
0.0486	0.0584	0.0416	0.0351	0.0483	0.0566	0.0317	0.0399	0.0453
0.0576	0.0369	0.0057	0.0817	0.0991	0.0694	0.0197	0.1412	0.0871
0.0075	0.0144	0	0	0	0.0308	0.0361	0.0301	0.0151
0.0174	0	0.0656	0.0024	0	0	0.0665	0	0.0495
0.0057	0	4.00E-04	0.0088	0.0355	0.0146	0.0011	0.0041	0.0117
0	0.0049	0	0.007	0.0074	0	0	0.0048	0.0066
0.0085	0	7.00E-04	0.0051	0.0074	0.0108	0	9.00E-04	2.00E-04
0.0031	0	0	0.0428	0	0	0	0	0.0368
0.0623	0.1182	0.3454	0.0014	0	0.0867	0.1662	0.0154	0.1091
0.0986	0.0149	0.0772	0.1387	0.0668	0.3307	0.0467	0.1183	0.2166
0.0489	0.0402	0.0971	0.0321	0.0736	0.0494	0.0996	0.0358	0.1033
0.0076	0.0105	0.0129	0.0059	0.0235	6.00E-04	0.0181	0	0.0174
0.0066	0.0094	0.0282	0	0.0051	0.0549	0.0546	0.0265	0.0495
0.0239	0.0082	0.0097	0.0096	4.00E-04	0.0067	0.0076	0.0104	0
0.1964	0.2287	0.2647	0.1482	0.1923	0.2045	0.2096	0.1312	0.1991
0	0.0023	0.0038	0.0026	0.0168	0.0131	0.0092	0.0121	0.01
0.0159	0.0271	0	0.0866	0.108	0.0773	0	0	0
0	0	0	0	0	0.0083	0	0	0
0	0	0	0	0.0016	0	3.00E-04	0	0
0	0.0145	0	0	0.0087	0	0.0025	0.0051	9.00E-04
0.0207	0.0876	0.0634	0.1512	0	0.0624	0.1198	0.1593	0
0.0688	0.2955	0.2422	0.1254	0.285	0.2903	0.1735	0.1684	0.0955
0.001	0	0	0.0056	0.0048	2.00E-04	0	0	0
0.0769	0.0407	0.107	0.0239	0.0944	0.0467	0.0494	0.0484	0.0572
0.2627	0.2155	0.1586	0.2476	0.1534	0.1565	0.2155	0.2373	0.2502
0.0411	0.0316	0.0286	0.05	0.0403	0.0491	0.045	0.0382	0.0489
0	0	0.0236	0	0.0343	0	0	0	0
0.1081	0.1595	0.1747	0.1027	0.121	0.1331	0.1356	0.0962	0.0795
0.075	0.0778	0.0406	0.0917	0.0594	0.0125	0.0757	0.0699	0.0511

0.0044	0.0048	0.0033	0.0033	0.0047	0.0039	0.0032	0.0046	0.0055
0	0.0029	0.0037	0	0.0042	0	0.0016	0.0053	0.0026
0.1044	0.1061	0.0546	0.1136	0.1233	0	0.1421	0.1215	0.0512
0	0.0053	0	0.0072	0	0	0.0032	0	0
0.1001	0.0949	0.0893	0.1626	0.0737	0.122	0.1272	0.1236	0.1215
0.0404	0.054	0.0509	0.04	0.024	0.0483	0.0518	0.0365	0
0.0562	0.0082	0.0606	0.049	0.0221	0.0066	0.0197	0.0287	0.019
0	0	0	0.0247	0.0018	0	0	0	0
0.017	0.0316	0	0.0605	0.0115	0.0599	0.0208	0.0051	0.0371
0.0136	0.0162	0	0.0185	0.0109	0.0242	0	0.0438	0.0064
0.1064	0.0488	0.0687	0.0657	0.0562	0.0802	0.0452	0.0809	0.0406
0.0692	0.0495	0.0367	0.0779	0.0352	0.073	0.0489	0.0686	0.0743
0.0947	0.1185	0	0.1744	0.1783	0.1009	0	0.0223	0
0	0	0	0.0193	0.0198	0.0337	0.0072	0.0078	0
0	0	0.0185	0	0.0121	0	0	0	0
0.5592	0.5734	0.3955	0.5777	0.3669	0.4482	0.4764	0.5583	0.4849
0.0256	0.0135	0.0068	0.0208	0	0.02	0.0268	0.0264	0.017
0.5848	0.5869	0.4023	0.5985	0.3669	0.4682	0.5032	0.5847	0.5019

GSM110089	GSM110089	GSM11009C	GSM11009C	GSM11009C	GSM11009C	GSM11009C	GSM11009C	GSM11009C
0.0133	0	0	0.0305	0.0129	0.037	0.0183	0.0017	0.0472
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.108	0.1288	0.1075	0.1174	0.1539	0.0186	0.0866	0.2372	0.118
0.0126	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1512	0.0187	0.16	0.1964	0.1918	0.2072	0.1152	0.1375	0.2045
0.0634	0.0464	0.0883	0.0674	0.069	0.1543	0.0687	0.094	0.0945
0.0165	0	0.0278	0	0.0737	0.0646	0.0628	0.076	0.0146
0.1714	0.051	0.1859	0.2668	0.2401	0.2879	0.1716	0.2379	0.2371
0.0833	0.0427	0.1134	0.0998	0.0422	0.1507	0.0533	0.0082	0.0734
0.1701	0.0886	0.1283	0.1537	0.1041	0.1164	0.1064	0.1777	0.1533
0.0871	0	0.0589	0.0853	0.051	0.019	0.0642	0.0885	0.0647
0.1463	0	0.0443	0	0.0215	0	0.0855	0.086	0.1223
0.0572	0.1082	0.0826	0.108	0.0931	0.1053	0.0654	0.1007	0.0318
0.0727	0.0542	0.0798	0.1016	0.1153	0.1062	0.1108	0.1285	0.1058
0.0343	0	0	0	0.0146	0	0	0.0324	0
0	0.093	0	0.0448	0	0	0	0	0.0261
0.1149	0.0556	0.1216	0.1034	0.1256	0.1187	0.0766	0.0921	0.0937
0.005	0	0	0.0026	0.0612	0	0	0.0228	0
0	0	0	0.0295	0.002	0.0291	0.0099	0	0
0.2926	0.2452	0.373	0.1447	0.2127	0.1068	0.3288	0.2181	0.1502
0.0379	0.0351	0.0543	0.0276	0.0249	0.0429	0.0337	0.0268	0.0283
0.0117	0.0376	0.1264	0.1103	0.0316	0.1894	0.1135	0.0441	0.0718
0.015	0	0.0409	0.0505	0.0488	0	0.0184	0.0078	0.021
0.0289	0	0	0	0.0479	0	0.0045	0.0034	0.0237
0	0	0	0.0259	0.0271	0.0363	0	0.0136	0.0296
0	0	0	0.0071	0.0154	0.0176	0.0036	0.0058	0.0134
0	0.0018	0	0.0071	0	0.0173	0	0	0.0169
0.099	0	0	0	0.0807	0	0.0167	0.1028	0.0649
0.0879	0.1698	0.0675	0	0.013	0	0.0496	0.0215	0.0347
0.1735	0.0264	0.1598	0.052	0.0771	0.083	0.1194	0.0677	0.1265
0.0354	0.0636	0.0165	0.0163	0.0402	0.0261	0.0502	0.0141	0.0252
0.0152	0.0118	0.0093	0	0.0083	0.0081	0.0131	0	0.0163
0.0103	0.035	0	0	0.0027	0	0.0088	0	0.0028
0.0321	0	0.0141	0.0175	0.0017	0	0.0162	0.0141	0.0255
0.1464	0.2367	0.1178	0.1272	0.1246	0.2611	0.2067	0.2091	0.1538
0.0085	0.0066	0.0097	0.0101	0.0106	0.0046	0.0088	0.001	0.0089
0.0323	0.0287	0.0245	0.0609	0.0743	0.0049	0.0102	0.0931	0.0392
0.0046	0	0.0022	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0.0056	0	0.0035	0.0116	0.0101	0.0028	0	0.0074
0.1143	0.028	0.0518	0.0461	0.1236	0	0.1464	0.1533	0.172
0.2027	0.3477	0.185	0.1033	0.0898	0.0294	0.1124	0.0876	0
0	0.0037	0	0.011	0.0103	0.0052	0	0.0077	0.0068
0.0421	0.0914	0.0206	0.0698	0	0.0484	0.0176	0	0.0086
0.3407	0.1874	0.2378	0.2046	0.2474	0.1833	0.2213	0.3009	0.2049
0.0532	0.0356	0.0512	0.0396	0.0425	0.0438	0.0406	0.0478	0.0487
0.0261	0	0	0	0.0114	0.0358	0.0392	0.0382	8.00E-04
0.0719	0.1429	0.1197	0.0942	0.0861	0.1722	0.1449	0.13	0.0999
0.068	0.0426	0.0634	0.0882	0.0885	0.1033	0.089	0.1108	0.0976

0.0031	0.0028	0.0049	0.0051	0.002	0.0054	0.0045	0.0021	0.0037
0	0.0022	0	0	0	0.0069	0	0	0.0062
0.0358	0.0285	0.0567	0.0762	0.2112	0.1741	0.1423	0.1929	0.0852
0.0172	0	0	0	0	0	0.0084	0.0087	0.0245
0.2128	0.0436	0.1797	0.0497	0.1537	0.1174	0.1416	0.2109	0.1421
0.0362	0	0.0051	0.0482	0.0061	0.0217	0.0345	0.039	0.0247
0.0372	0.0047	0.015	0.0685	0.0732	0.0075	0	0.0284	0.0704
0.004	0	0	0.0012	0	0	0	0	0.0161
0.055	0.0077	0.0227	0.0481	0.0978	0.0485	0.0301	0.0786	0.059
0.0096	0	0.0231	0.0016	0.0808	0	0.0359	0.0711	0
0.0487	0.0612	0.0696	0.0882	0.033	0.0851	0.0819	0.0702	0.0733
0.0845	0.0582	0.0654	0.0479	0.0195	0.0716	0.1017	0.0743	0.031
0.0809	0.1171	0.1032	0.0936	0.1172	0.0036	0.0729	0.1906	0.0972
0	0.003	0	0.0326	0.0135	0	0	0.0081	0.0432
0	0.025	0	0	0	0	0	0	0
0.6339	0.4429	0.5812	0.5097	0.5928	0.349	0.5783	0.6499	0.5715
0.0142	0	0.0204	0.0552	0.0319	0.033	0.0233	0.0048	0.0341
0.648	0.4429	0.6016	0.5649	0.6246	0.382	0.6016	0.6546	0.6056

GSM11009C	GSM11009C	GSM11009C	GSM11009C	GSM11009C	GSM11009C	GSM11009C	GSM11009C	GSM11009C	GSM11009C
0	0.0234	0	0	0.0309	0	0	0	0.022	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.0892	0.1264	0.267	0.1631	0.0614	0.1066	0.1561	0.0585	0.2534	
0	0	0	0	0	0.0117	0	0	0.0092	
0.165	0.1845	0.1483	0.1877	0.1565	0	0.1725	0.0636	0.1956	
0.1206	0.0724	0.0752	0.0928	0.0267	0	0.1531	0.0458	0.0754	
0.0591	0.0534	0.0683	0.0687	0.0486	0.0078	0.1465	0.0404	0.0937	
0.2284	0.2322	0.1957	0.2843	0.2386	0	0.2495	0.0637	0.2958	
0.061	0.1137	0.0575	0.026	0.0487	0.0438	0.0299	0.0492	0.0581	
0.0567	0.2029	0.1248	0.1366	0.0856	0	0.1331	0.1175	0.1218	
0.0366	0.098	0.0642	0.1058	0.045	0	0.0798	0.0536	0.0408	
0.0416	0.0618	0.0588	0.092	0	0	0.084	0.0346	0.1076	
0.0739	0.0877	0.0565	0.0558	0.0678	0.0177	0.0698	0.0758	0.0532	
0.051	0.12	0.093	0.1228	0.1019	0.0182	0.0741	0.0596	0.136	
0	0	0	0.0178	0	0	0	0.0244	0	
0	0.0108	0.0074	0	0	0.0123	0	0	0	
0.116	0.0798	0.1653	0.1485	0.0455	0.0875	0.1327	0.0553	0.1357	
0.0035	0	0.0125	0	0	0	0	0	0	
0.0179	0.0172	0.0052	0	0	0.0274	0	0.0235	0	
0.1526	0.0764	0.1853	0.2491	0.3443	0.293	0.1299	0.3566	0.0769	
0.0585	0.0314	0.0273	0.0403	0.0517	0.0732	0.0435	0.0677	0.0257	
0.1344	0.0173	0.0641	0.1518	0.0771	0.022	0.1354	0.0596	0.1247	
0.0467	0.0484	0.0295	0.0144	0.0037	0.0151	0.0892	0	0.0268	
0	0	0	0	0.0092	0	0	0	0.0094	
0	0	0.0207	0.053	0.0606	0	0.0649	0	0.0504	
0.014	0.0094	0.0034	0	0.0037	0.0012	0.0094	0	0.0032	
0.0062	0	0	0.006	0.0083	0.005	0	0	3.00E-04	
0.0043	0.0267	0	0	0	0	0.0262	0	0.0489	
0	0	0	0	0.0157	0.0502	0	0.092	0.0259	
0.1932	0.0154	0.0844	0.1815	0	0.2155	0.2596	0.2419	0.0697	
0.0499	0.0363	0.0548	0.0146	0.0336	0.0877	0.0429	0.0432	0.0165	
0.0162	0.0033	0.0177	0	0.0076	0.019	0.0192	0	0.0052	
0.0136	0	0.0088	0	0.0107	0.0356	0.0518	0.0216	0	
0	9.00E-04	0.0045	0.0211	0.0155	0	0.0034	0.0153	0.0246	
0.1352	0.1	0.0303	0.1752	0.2402	0.1559	0.21	0.2294	0.229	
0.0079	0.0156	0.005	0.0107	0	0.0173	0.0062	0.0139	0.005	
0.0372	0.0659	0.1188	0.0589	0	0.0452	0.0561	0.0327	0.0911	
0	0	0	0	0	0.0047	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.0067	0.0071	0.0038	0.0038	0.0183	0	0.0067	0	0.0091	
0.1183	0.1255	0.0907	0.168	0.0529	0	0.1235	0.0036	0.182	
0.1702	0.1359	0.1886	0.0129	0.1196	0.4626	0.1406	0.3539	0	
0.0058	0.0076	0.0043	0.0078	0.0012	0	1.00E-04	0	0.0037	
0.0364	0.0479	0.075	0	0.0646	0.1299	0	0.0705	0	
0.1889	0.2587	0.2704	0.1857	0.1601	0.2242	0.2022	0.2498	0.2508	
0.0541	0.0402	0.0514	0.0211	0.0263	0.0613	0.0734	0.0712	0.0259	
0.0353	0	0	0.0162	0	0.0101	0.0245	0	0.0562	
0.1016	0.0712	0	0.1093	0.1579	0.0829	0.1336	0.144	0.1621	
0.0656	0.1027	0.0699	0.0962	0.0887	0.0126	0.0885	0.0222	0.1259	

0.0035	0.0011	0.0025	0.0058	0.0037	0.0024	0.0034	0.0043	0.005
0.0071	0	0	0.0038	0	0.0082	0.0014	0.0131	0
0.1031	0.1675	0.1155	0.1609	0.1768	0	0.0901	0.008	0.1965
0.0122	0.0109	0	0.0162	0.002	0	0	0	0
0.0875	0.1437	0.1365	0.1321	0.1039	0.1059	0.1942	0.187	0.167
0.0283	0.0193	0.0169	0.0764	0.0537	0	0.0236	0	0.0692
0.0443	0.0239	0.018	0.0184	0.0619	0.0234	0.0031	0	0.0649
0	0	0	0	0	0	0.0136	0	0.0224
0.04	0.0958	0.033	0.0301	6.00E-04	0.0086	0.0076	0.013	0.0581
0.0189	0	0.0293	0.0372	0	0	0.0184	0	0.0012
0.085	0.0616	0.0642	0.0638	0.0308	0.0711	0.0065	0.09	0.0607
0.0787	0.0604	0.0579	0.0631	0.0267	0.102	0.0504	0.1026	0.0428
0.0746	0.0993	0.2142	0.1193	0.0845	0.0986	0.1097	0.0518	0.1997
0.0247	0.024	0.022	0.0077	0	0	0.0248	0	0.037
0	0	0.0025	0	0	0	0	0	0.0273
0.4477	0.5339	0.6419	0.6268	0.5429	0.4115	0.5076	0.4859	0.5805
0.0323	0.0445	0.0173	0.0072	0.0173	0.0213	0.0446	0.0118	0.0244
0.48	0.5784	0.6593	0.634	0.5602	0.4327	0.5522	0.4976	0.6049

GSM110091	GSM110091	GSM110091	GSM110091	GSM110092	GSM110092	GSM110092	GSM110092	GSM110092
0.0345	0.0141	0.0255	0	0.0034	0.0203	0.0036	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1366	0.0623	0.043	0.2236	0.2678	0.0847	0	0	0.1848
0	0.0802	0.0065	0	0.0181	0	0.0333	0.0412	0
0.2332	0.0975	0.166	0.1305	0.0995	0.1643	0	0.0386	0.1601
0.1421	0	0.1368	0.1193	0.0797	0.0902	0	0	0.0954
0.0944	0.0344	0.0772	0.0839	0.0914	0.0204	0	0	0.0291
0.3045	0.1209	0.2324	0.2024	0.1747	0.1964	0.0056	0.0679	0.1996
0.0618	0.0514	0.08	0.0115	0.0042	0.0784	0	0	0.0667
0.1438	0.0919	0.1309	0.1132	0.1699	0.1736	0.0031	0.051	0.116
0.0879	0.0369	0.0094	0.0649	0.0926	0.0853	0.0161	0	0.043
0.0465	0	0	0.0609	0.1163	0.1436	0.0326	0.0184	0.0332
0.0971	0.0713	0.1095	0.0605	0.066	0.0477	0.1054	0.045	0.0492
0.1263	0.0772	0.0734	0.0931	0.0675	0.1027	0.0443	0.0327	0.0917
0.0209	0	0.0354	0	0	0	0.1572	0	0.0297
0	0.0128	0.0272	0	0	0	0.0597	0.0107	0
0.1006	0.0672	0.1164	0.1534	0.1076	0.0695	0.018	0.0557	0.137
0	0	0	0.0076	0.0275	0	0	0	0
0.0056	0	0.0151	0.0076	0.0342	0.0222	0	0.0368	0.0102
0.1901	0.2786	0.2511	0.1565	0.0969	0.1319	0.3006	0.2487	0.2382
0.0475	0.051	0.0587	0.0432	0.0331	0.0438	0.0531	0.0519	0.0481
0.0727	0.0311	0.2114	0.0962	0.1309	0.1227	0	0.0771	0.0478
0.0506	0	0.0154	0	0	0.0145	0	0.0219	0
0.0182	0	0	0	0	0	0.0709	0	0
0.0103	0	0.0081	0.0255	0.0085	0.005	0	0	0.0449
0.0064	5.00E-04	0.0059	0.0089	0.012	0.0095	0	0.0015	0.0074
0.0029	0	0.0161	0	0	0.0014	0.0096	0.0124	0.0075
0	0	0	0.0329	0.0501	0.0134	0	0	0.0372
0.0064	0	0.0606	0.048	0.0281	0.0263	0.3733	0.1027	0.0371
0.0407	0.0765	0.1	0.1589	0.1622	0.1359	0.0506	0.1976	0.2244
0.0032	0.0394	0.0727	0.03	0.052	0.0644	0.0796	0.0425	0.038
0	0.0017	0.0133	0.0013	0.0127	0.0208	0.0109	0.0086	0.0142
0	0.0366	0.0195	0	0	2.00E-04	0.0375	0.0347	0.0106
0.0076	0.0013	0	0.0193	0.012	0.0101	0.0059	0.0017	0.0173
0.0528	0.1544	0.1633	0.1315	0.0477	0.1601	0.1931	0.2207	0.1531
0.0213	8.00E-04	0	0.0185	0.0035	0.0067	0.0016	0.0205	0.012
0.0437	0.0078	0.0139	0.1057	0.1316	0.0302	0	0.0051	0.0789
0	0	0.0053	0	0	0	0.0032	0.0089	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0144	0.0045	0.0204	0	0	0	0.0026	0	0
0.1088	0	0	0.0831	0.1529	0.1392	0.1415	0.0537	0.0686
0.092	0.3006	0.2017	0.2642	0.1794	0.1489	0.2447	0.2877	0.1646
0.008	0	0	0.0033	0	1.00E-04	0.003	0	0
0.047	0.086	0.0874	0.0646	0.061	0.0332	0.0781	0.1147	0.0444
0.2178	0.2313	0.1436	0.2495	0.2556	0.2416	0.2083	0.1779	0.1729
0.0345	0.0306	0.0428	0.0514	0.0608	0.058	0.0325	0.0717	0.0511
0.006	0	0.0436	0.0253	0.0148	0.0047	0	0	0
0.0455	0.0984	0.0565	0.0722	0.0408	0.0968	0.1266	0.1293	0.0898
0.1062	0.0535	0.0326	0.0709	0.0663	0.0709	0.0472	0.0374	0.0667

0.0011	0.0047	0.0068	0.0031	0.0026	0.0052	0.0026	0.0036	0.0042
0	0.0026	0.025	0	0	0	0.0092	0.0073	0
0.1787	0.1016	0.0868	0.088	0.0904	0.1356	0.041	0	0.0648
0.0083	0	0	0	0	0.016	0	0	0
0.0966	0.1286	0.1155	0.1934	0.2262	0.2246	0.0255	0.0975	0.1431
0.0608	0.0124	0.0141	0.0112	0.0132	0.0196	0.0791	0.0029	0.0228
0.0603	0.023	0	2.00E-04	0	0.0349	0	0.059	0.054
0	0	0.006	0	0	0.0115	0	0	0
0.0374	0	0	0.0746	0.0917	0.0407	0	0.0282	0.0532
0.0107	0	0	0.0164	0.0346	0	0	0.0146	0.0323
0.0528	0.0509	0.0711	0.0555	0.0815	0.0714	0.0551	0.0849	0.071
0.049	0.0783	0.0707	0.0771	0.1053	0.0918	0.0396	0.1012	0.0669
0.1157	0.0562	0.0106	0.1641	0.2047	0.0802	0	0.0012	0.157
0	0	0	0.0079	0.0264	0.0057	0	0.0051	0.0057
0	0	0	0	0	0	0	0.0165	0.009
0.5802	0.438	0.5007	0.5523	0.6263	0.5343	0.4059	0.3673	0.5783
0.0454	0.007	0.028	0.0038	0.0188	0.0285	0.0018	0.0294	0.0051
0.6255	0.445	0.5287	0.5561	0.6451	0.5628	0.4077	0.3966	0.5834

GSM110092	GSM110092	GSM110092	GSM110092	GSM110092	GSM110092	GSM110093	GSM110093	GSM110093	GSM110093
0.0185	0.0443	0.0258	0.0203	0.0072	0.0097	0.007	0.0098	0.0207	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.0676	0.1053	0.1859	0.1334	0.1364	0.0737	0.1582	0.2041	0.0365	
0	0.0154	0.07	0	0.0364	0.0475	0.1015	0.0399	0.0637	
0.1401	0.142	0.1648	0.0775	0.1585	0.1556	0.0787	0.1486	0.0412	
0.1134	0.0602	0.1286	0.1063	0.0664	0.0262	0.06	0.015	0.0477	
0.0643	0.0615	0.041	0.0732	0.0078	0.0601	0.0523	0.0972	0	
0.1882	0.1559	0.196	0.1014	0.2093	0.2009	0.0933	0.224	0.0639	
0.0605	0.0842	0.06	0.0341	0.0782	0.0518	0.0391	0.0339	0	
0.1133	0.1231	0.0789	0.0617	0.1466	0.1738	0.1664	0.1099	0.052	
0	0.0603	0.0161	0.0129	0.0598	0.1239	0.0776	0.0587	0	
0.121	0.0978	0	0.1116	0.0013	0.1304	0.0632	0.0442	0	
0.0702	0.0292	0.0817	0.0137	0.1196	0.0327	0.0721	0.0774	0.0673	
0.083	0.073	0.0452	0.0426	0.0837	0.1103	0.0802	0.1158	0.0489	
0.0371	0	0.0137	0	0	0.0872	0.0209	0	0.0233	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.0388	0.106	0.1239	0.1456	0.088	0.1022	0.1036	0.101	0.0649	
0.0045	0	0.0119	0.0011	0	0.0169	0	0	0	
0.0055	0	0	0.0107	0	0	0	3.00E-04	0.0198	
0.3493	0.1976	0.2372	0.2074	0.1933	0.2926	0.1337	0.1792	0.3012	
0.0436	0.0588	0.0363	0.0698	0.0478	0.0244	0.0698	0.042	0.0468	
0.1562	0.0618	0.1915	0.1114	0.0662	0.0719	0.0469	0.0351	0.1698	
0.013	0.0149	0.0453	0.024	0	0.0205	0.0194	0	0	
0	0	0	0	0	0.0633	0	0	0	
0.006	0	0.0421	0	0.0104	0	0	0	0	
0	0.011	0.0074	0.0015	0.0073	0	0.0298	0.0056	0.0024	
0	0	0.0067	0.0227	0.0072	0	0.0055	6.00E-04	0	
0	0.0254	0	0.0429	0	0	0.0042	0	0	
0.0783	0.0863	0.0548	0.0575	0	0.1359	0.1353	0.0253	0.0651	
0.2036	0.1425	0.2213	0.2314	0.1	0.145	0.177	0.0762	0.2793	
0.0375	0.0567	0.0178	0.0239	0.0071	0.0724	0.0427	0.0332	0.0525	
0.0129	0.0093	0.0016	0.0144	0	0.0184	0.0131	0.0185	0.0113	
0.0069	0.0069	0	0.01	0	0.0055	0.0611	0.0053	0.0191	
0.0212	0.005	0.0099	0.0113	0.0047	0.024	0	0	0.004	
0.1311	0.0734	0.1223	0.1497	0.0924	0.0851	0.1944	0.1355	0.2252	
0.0112	0.0163	0.0172	0.0193	0.0115	0.014	0.0079	0.0124	0.0064	
0.0127	0.0658	0.0855	0.0804	0.0536	0.001	0.071	0.0827	0.0177	
0	0	0	0.0371	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6.00E-04	0	0	0.0072	0.0046	0.0068	0.0061	0	0	
0.1417	0.0778	0	0.0717	0.0807	0.1268	0.0827	0.0889	0	
0.1677	0.2671	0.1063	0.3845	0.1741	0.0854	0.3099	0.1161	0.2847	
0	5.00E-04	0	0.0017	0.0069	0	0	0	0	
0.0398	0.0766	0.0732	0.0577	0.074	0.0108	0.0502	0.0418	0.1114	
0.2226	0.3121	0.1857	0.2077	0.2321	0.2797	0.3026	0.2719	0.1732	
0.0599	0.0695	0.0464	0.0471	0.0356	0.0448	0.0368	0.0438	0.0423	
0	0	0.0011	0	0	0.0429	0.0186	0.0032	0	
0.096	0.0484	0.1216	0.1147	0.0778	0.0696	0.0961	0.1095	0.114	
0.0319	0.0557	0.0579	0.0271	0.0831	0.1003	0.0535	0.077	0.0116	

0.0039	0.0029	0.0053	0.0076	0.0043	8.00E-04	0.0029	0.0037	0.0019
0.0055	0	2.00E-04	0.0101	0	6.00E-04	0.0142	0.0045	0.0036
0.0195	0.0412	0.0404	0	0.155	0.1162	0	0.1562	0
0	0	0	0	0	0.0257	0	0.0062	0
0.1935	0.1815	0.175	0.1636	0.1252	0.1733	0.2141	0.122	0.1412
0.0243	1.00E-04	0	0	0.0194	0.0625	0.0264	0.0321	0
5.00E-04	0.0299	0.0309	0.042	0.0604	0.0051	0.0017	0.0666	0.0157
0	0	0.0084	0.0045	0	0	0	0.0034	0
0.0123	0.0368	0.013	0.0547	0.0452	0.0096	0.0141	0.0355	0.0136
0.0475	0.0085	0.0267	0.0261	0.0054	0.0181	0.0029	0.0022	0
0.0779	0.0356	0.0473	0.0878	0.0582	0.0303	0.0637	0.0577	0.0374
0.0961	0.0672	0.0936	0.125	0.0485	0.0495	0.1103	0.063	0.061
0.0808	0.0835	0.1437	0.1028	0.1139	0.0572	0.1091	0.188	0.0088
0	0	0.006	0.0367	0.0174	0	0	0.0118	0
0	0	0.0321	0.0204	0	0	0	0.0034	0
0.61	0.5227	0.5197	0.4305	0.5342	0.6311	0.4751	0.5371	0.3992
0.0185	0.0296	0.0356	0.0275	0.0036	0.0151	0.0132	0.005	0.0202
0.6285	0.5523	0.5553	0.458	0.5378	0.6462	0.4883	0.5422	0.4194

GSM110093	GSM110093	GSM110093	GSM110093	GSM110093	GSM110093	GSM110094	GSM110094	GSM110094
0	6.00E-04	0.0159	0.0026	0.0179	0	0.027	4.00E-04	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1504	0.0974	0.183	0.1432	0.125	0.1259	0.2192	0.1229	0.0277
0	0	0	0.037	0	0.0595	0	0.0221	0
0.1606	0.1634	0.1945	0.1492	0.1994	0.1244	0.0981	0.1201	0.0614
0.1555	0.0552	0.1091	0.0589	0.1	0.0572	0.0126	0.0646	0.0331
0.1072	0.0631	0.0707	0.0522	0.0501	0.0217	0.0708	0.0201	0.0162
0.2542	0.2384	0.2503	0.2349	0.2422	0.1742	0.157	0.1515	0.0597
0.0378	0.0528	0.0817	0	0.1138	0.0533	0.03	0.089	0.0196
0.1471	0.0994	0.162	0.1076	0.1182	0.1124	0.1378	0.136	0.0939
0.1052	0.0502	0.1175	0.0606	0.0374	0.044	0.0776	0.0605	0.0345
0.147	0.0175	0	0.0461	0.0375	0.0144	0.0926	0.0464	0.0781
0.0325	0.0773	0.0776	0.0841	0.0702	0.0732	0.0518	0.0699	0.0563
0.0747	0.1162	0.0987	0.106	0.097	0.1074	0.0749	0.067	0.0547
0	0.0034	0	0.0019	0	0	0	0.0038	0.0404
0	0.0303	0	0.0076	0	0	0	0	0
0.1224	0.0745	0.0845	0.0589	0.0791	0.0825	0.1499	0.0906	0.0579
0.0045	0	0.0239	0	0	0	0	0	0.0025
0.0317	0.0027	0.0056	0	0.0127	0.0126	0.0061	0.009	0
0.1635	0.1917	0.08	0.1405	0.2225	0.2123	0.1303	0.2729	0.356
0.0526	0.0275	0.0363	0.0302	0.0517	0.0609	0.0506	0.0529	0.0513
0.1641	0.0783	0.0957	0.0879	0.0388	0.056	0.0347	0.1326	0.1331
0.0391	0.0304	0.0446	0.0289	0	0.0598	0	0	0.0365
0	0.0211	0	0.0237	0.0064	0	0	0.0033	0.0024
0.0166	0.0225	0.0409	0.0345	0	0.0134	0	0	0
0	0.0064	0.0162	0.0118	0.0102	0.0128	0.0144	0.0035	0.0038
0.0277	0.004	0.0022	0.0068	0.0014	0.0057	0	0.0033	0.0051
0.0678	0	0.0708	0	0.0074	0	0.0065	0	0.0461
0.0024	0	0	0.0318	0.0358	0.0039	0.042	0.0611	0.0961
0.2289	0.0121	0.1625	0.0422	0.1024	0.1538	0.1677	0.1469	0.2582
0	0.0325	0.0363	0.0419	0.0548	0.032	0.0439	0.0203	0.0643
3.00E-04	0.0064	0.0074	0.0148	0.0127	0.0068	0	0.0015	0.0078
0	0.0088	0.0256	0.015	0.0088	0.0162	0.0068	4.00E-04	0.0585
0.0015	0.0164	0.0069	0.0235	0	0.0136	0	0.0151	0.0197
0.1967	0.1997	0.0895	0.1933	0.1533	0.2676	0.0758	0.199	0.1428
0.0095	0.0124	0.0111	0.0113	0.012	0.026	0.0109	0.0205	0.0133
0.0708	0.0215	0.0984	0.0289	0.0456	0.0494	0.0951	0.0549	0
0.0065	0	0	0	0	0.0153	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0.0172	0.0062	0.0116	0.0054	0.002	0	0	0
0.1407	0.0972	0.0503	0.1246	0.0715	0.0451	0.0947	0.0456	0.0802
0.1066	0.1534	0.1346	0.0525	0.1408	0.2409	0.2529	0.2392	0.307
0	0.0031	0.0094	0.0035	0.0019	0	0.0024	0	0
0.0109	0.0711	0.047	0.0292	0.0463	0.0447	0.0833	0.0559	0.0316
0.2095	0.1562	0.2231	0.1653	0.2154	0.192	0.2513	0.2728	0.2889
0.0624	0.0442	0.0399	0.016	0.0488	0.0404	0.0648	0.0523	0.071
0.0077	0	0.0182	0	0	0.0092	0.0354	0.0119	0
0.1482	0.1126	0.0487	0.1611	0.0918	0.1445	0.0479	0.1229	0.0988
0.0771	0.0916	0.0772	0.0979	0.0882	0.055	0.0549	0.0451	0.0189

0.0052	0.0034	0.0043	0.0039	0.0042	0.0047	0	0.0055	0.0064
0	0	0	0	0.0045	9.00E-04	0	0.0028	0.0083
0.0818	0.1732	0.1613	0.1968	0.132	0.0807	0.053	0.0643	0.0488
0.01	0.0043	0	0.0123	0	0	0	0	0
0.2308	0.0855	0.1423	0.1251	0.1222	0.1421	0.1704	0.178	0.1995
0	0.031	0.0175	0.037	0.0396	0.0139	0.035	0.0144	0
0	0.0546	0.0378	0.0304	0.0358	0.0267	0.0264	0.0394	0.0488
0.0496	0	0.013	0	0.004	0	0.0083	0	0
0.0523	0.0376	0.085	0.0529	0.0347	0.0194	0.0498	0.012	0.0311
0.0036	0	0.0059	0.0036	0.0029	0.0209	0.0043	0.021	0.0387
0.0738	0.0709	0.0568	0.0368	0.0746	0.0872	0.0595	0.0552	0.0566
0.1137	0.051	0.0286	0.0219	0.0764	0.0899	0.0657	0.0896	0.0913
0.1235	0.095	0.1626	0.131	0.1204	0.1051	0.1639	0.099	0.0221
0.0087	0	0.027	0.0196	0.0023	0.004	0.0313	0	0
0.0135	0	0	0	0	0	0.0142	0	0
0.5195	0.5127	0.5226	0.5065	0.5585	0.4736	0.5382	0.5259	0.4915
0.0354	0.0168	0.0331	0.0158	0.0153	0.0362	0.0166	0.0047	0.0182
0.5549	0.5296	0.5557	0.5222	0.5738	0.5098	0.5548	0.5306	0.5098

GSM110094	GSM110094	GSM110094	GSM110094	GSM110094	GSM110094	GSM110094	GSM110095	GSM110095
0	0.0332	0	0.0123	0.018	0	0	0	0.0219
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.2339	0.1134	0.2324	0.1175	0.1357	0.0723	0.1237	0.1113	0.1237
0	0	0	0	0.002	0	0	0	0
0.1807	0.1478	0.1698	0.1995	0.1919	0.1337	0.1123	0.1118	0.1113
0.0968	0.0961	0.133	0.1029	0.1307	0.1231	0.1072	0.0821	0.0452
0.079	0.0889	0.0795	0.0524	0.1026	0.0551	0.0782	0.0409	0.0279
0.2781	0.2596	0.2353	0.2648	0.2345	0.167	0.1617	0.1616	0.1439
0.0757	0.0259	0.0681	0.0848	0.0547	0.0634	0.0201	0.0586	0.0335
0.205	0.1682	0.1575	0.1773	0.1156	0.1423	0.0982	0.1232	0.0503
0.1142	0.0806	0.0634	0.1111	0.022	0.0514	0.0339	0.0466	0.0371
0.0918	0.1532	0.1474	0.0457	0.1201	0.0604	0.0351	0.0224	0.0069
0.0735	0.0529	0.0532	0.102	0.0458	0.1108	0.1064	0.0892	0.0419
0.0888	0.1231	0.0858	0.1173	0.0613	0.0867	0.0512	0.1059	0.0973
0	0.0134	0	0	0.0061	0	0	0	0.0158
0.0228	0	0	0.0034	0	0	0	0	0
0.1849	0.0909	0.0849	0.1087	0.179	0.0889	0.0327	0.1235	0.0691
0	0.0039	0.0098	0.0076	0	0	0	0	0.0277
0.0022	0.0078	2.00E-04	0.0165	0	0.0095	0	0	0.0032
0	0.0903	0.0674	0.0226	0.2117	0.2477	0.2225	0.3114	0.2311
0.0278	0.0353	0.0428	0.0246	0.0478	0.0518	0.0591	0.0487	0.0478
0.0646	0.1092	0.1303	0.0752	0.1607	0.1731	0.0992	0.1446	0.0836
0.0126	0.0173	0	0.0237	0	0	0	0	0.0343
0	0	0	0	0	0	0	0	0.0051
0.0045	0.0264	0.0441	0.0302	0.0561	0.0276	0	0.0375	0.013
0.0128	0.0053	0.0084	0.016	0.0039	0	0.0209	0.0058	0.0022
0.0142	0.0079	0.0132	0.0086	0.0291	0.0106	8.00E-04	0	0
0.0168	0.0038	0.0538	0	0	0.0522	0.0036	0	0.015
0	0.0383	0.0132	0	0.0461	0.0194	0.059	0	0.0376
0.1411	0.1015	0.1786	0.0523	0.2631	0.3325	0.2123	0.1026	0.131
0.0015	0.0494	0.0225	0.0352	0.0253	0.0293	0.0584	0.0208	0.0462
0	0.0183	0.0087	0.0094	0	0.0181	0.0123	0.0145	0.0128
0	0	0	0.0041	0	0	0.0561	0.0276	0
0	0.0034	0.0043	7.00E-04	0.0185	0.0061	0.0022	0	0.0126
0.0951	0.1627	0.1519	0.1491	0.123	0.2712	0.1689	0.1161	0.2656
0.0111	0.0155	0.0051	0.0228	0.0191	0.0172	0.0019	0.0107	0.0125
0.1189	0.046	0.1031	0.0535	0.0618	0.026	0.0603	0.0422	0.0433
0	0	0	0	0.0019	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0122	0.0051	0	0.0177	0.0035	0	0	0.007	0
0.1011	0.2034	0.2189	0.0927	0.1069	0.1368	0.0425	0.0642	0.0145
0.1093	0.1042	0.0474	0.0573	0.147	0.1919	0.3599	0.2576	0.2096
0.0069	0.0084	0.0091	0.0096	0	0	0	0	0
0.0179	0.0365	0.0067	0.0802	0.0661	0	0.0762	0.0152	0.0598
0.1914	0.254	0.3103	0.1996	0.2427	0.1969	0.2516	0.275	0.2836
0.0299	0.0444	0.0334	0.0444	0.0579	0.0479	0.0724	0.0454	0.0669
0.051	0.0681	0.0413	0.0271	0.0048	0.0575	0	0.0345	0
0.0765	0.0824	0.1172	0.107	0.0546	0.1527	0.0887	0.08	0.1728
0.0893	0.1058	0.0873	0.0958	0.0416	0.0604	0.0293	0.0718	0.0662

0.0038	0.0034	0.0057	0.0058	0.007	0.0048	0.0052	0.0022	0.0065
0	0	0	0	0.0136	0.0034	4.00E-04	0.0102	0
0.1484	0.1482	0.1383	0.2	0.0166	0.0761	0.0815	0.1404	0.0221
0	0.0039	0.0046	0.0152	0	0.009	0	0.0031	0
0.2322	0.1761	0.2071	0.1135	0.1904	0.2227	0.1946	0.1929	0.1622
0.0143	0.0729	0.0263	0.0532	0	1.00E-04	0	0	0.0232
0.0435	0	0	0.0262	0.0251	0	0	0	0.0444
0.0215	0.0227	0	0	0	0.0142	0	0	0.0245
0.0776	0.0723	0.0718	0.0439	0.0345	0.0426	0.0381	0.0116	0.0509
0.0305	0	0.032	0.0035	0.0247	0.0148	0	0.0017	0.0199
0.082	0.0603	0.0342	0.0449	0.0941	0.0455	0.0071	0.0464	0.0579
0.0565	0.0667	0.0466	0.0324	0.0863	0.0927	0.0847	0.0589	0.062
0.1695	0.0778	0.2016	0.097	0.0948	0.0162	0.1002	0.058	0.1293
0.0511	0.042	0.0165	0.0598	0.008	0	0.003	0.0182	0
0.0197	0	0.0268	0.0015	0.0119	0.0026	0	0	0
0.4934	0.5442	0.5929	0.4889	0.5811	0.5121	0.4907	0.5053	0.4515
0.0074	0.0292	1.00E-04	0.0262	0.009	0.0048	0	0	0.0297
0.5008	0.5734	0.593	0.5151	0.5901	0.5169	0.4907	0.5053	0.4812

GSM110095	GSM110095	GSM110095	GSM110095	GSM110095	GSM110095	GSM110095	GSM110095	GSM110095	GSM110095
0	0	0.007	0.0304	0	0.0208	0	0.0272	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.0868	0.026	0.1947	0.1163	0.116	0.1703	0.0608	0.1113	0	
0	0.0123	0.0084	0	0	0.0096	0.0101	0	0	
0.1008	0.1663	0.145	0.1847	0.0835	0.184	0.0901	0.0851	0	
0.035	0.0622	0.0575	0.1319	0.0628	0.0651	0.078	0.0017	0.0104	
0.0084	0.0283	0.1029	0.1104	0.0091	0.1107	0.0344	0.034	0	
0.1322	0.2081	0.2172	0.2345	0.1203	0.2628	0.1654	0.153	0	
0.047	0.0707	0.0127	0.0375	0.0098	0.0598	0.0143	0.0135	0	
0.0995	0.1568	0.1555	0.1108	0.1478	0.1914	0.1052	0.1184	0	
0.0359	0.0756	0.0786	0.074	0.0534	0.1179	0.0681	0.0679	0	
0	0.0461	0.1248	0.0029	0.0784	0.1655	0.0457	0.0708	0	
0.0776	0.0667	0.0344	0.0688	0.086	0.0436	0.0829	0.0259	3.00E-04	
0.1071	0.0845	0.1172	0.0689	0.0851	0.12	0.0804	0.0964	0.0112	
0.0256	0.0182	0	0	0.0108	0	0	0.0871	0.0273	
0	0	0	0.0047	0	0.0125	0	0	0.033	
0.1039	0.0378	0.1122	0.1376	0.0881	0.0426	0.0803	0.1315	0.0493	
0	0.0092	0	0.0139	0	0.0271	0	0.0133	0	
0.0011	0	0	0.0184	0.003	0.0118	0.0079	0.0101	0.0022	
0.2571	0.3117	0.2054	0.0317	0.301	0.1321	0.1679	0.2822	0.3868	
0.0558	0.0483	0.0413	0.0461	0.0475	0.0228	0.0466	0.0281	0.0611	
0.092	0.1004	0.0559	0.1381	0.1525	0.0658	0.1388	0.0388	0	
0.0425	0	0	0.0512	0	0	0	0.0439	0.0384	
0.0365	0.0168	0.0151	0	0	0.0137	0	0.0188	0	
0.0026	0	0	0.0035	0.0165	0	0.0043	0	0	
0.0056	0.0093	0.011	0.0052	0.001	0.006	0.0029	0.0065	0	
0.0036	0	0	0.0053	0	0	0.002	0	0.0159	
0	0.028	0.0328	0.0362	0.0139	0.0428	0	0.038	0	
0.071	0.0633	0.0416	0.0274	0.0758	0.0359	0.0508	0.0375	0.1004	
0.1122	0.1884	0.3076	0.203	0.2404	0.0768	0.1778	0.1377	0.2784	
0.058	0.0354	0.017	0.0545	0.0744	0.0346	0.0427	0.0677	0.0905	
0.0143	0.0082	0.009	0.0157	0.0252	0.01	0.0121	0.0215	0.0149	
0.0242	5.00E-04	0	0.0121	0.0141	0.0031	0.0066	0.0166	0.0649	
0.0172	0.0182	0.0149	0	0.0114	0.0149	0.0068	0.0035	0	
0.2535	0.13	0.1285	0.1169	0.2232	0.0694	0.2687	0.1291	0.2101	
0.0186	0.0157	0.0145	0.0226	0.0128	0.0162	0.0136	0.0161	0.0235	
0.0328	0	0.0881	0.0726	0.0409	0.0816	0.0114	0.0339	0	
0	0	0	0.0053	0	0	0	0	0.009	
0	0	0	0	0	0	0	0	0.0223	
5.00E-04	0.007	0	0.0064	0	0.0063	0	0.0059	0	
0.0356	0.097	0.1505	0	0.0943	0.2178	0.0816	0.0603	0	
0.3128	0.1533	0.09	0.2579	0.2428	0.038	0.2679	0.2209	0.4033	
0	5.00E-04	0.0028	0.003	0.003	0.0062	0	5.00E-04	0	
0.0197	0.0319	0.0437	0.0723	0.037	0.0045	0.0503	0.0547	0.1549	
0.1991	0.1868	0.2567	0.1819	0.1545	0.3043	0.193	0.2178	0.2296	
0.0452	0.0535	0.0273	0.0745	0.0575	0.0385	0.0365	0.0566	0.0785	
0.0246	0.0033	0.019	0.0273	0.009	0	0.0519	0.0279	0	
0.1693	0.0864	0.0888	0.0525	0.138	0.0758	0.1712	0.0954	0	
0.0705	0.0747	0.0661	0.0663	0.0457	0.0886	0.0605	0.0732	0	

0.0049	0.0032	0.0024	0.0042	0.0016	0.0046	0.0033	0.0028	0.004
0	0.0037	0.0041	0	0	0	0	0	0.0125
0.1037	0.1252	0.1004	0.0472	0.062	0.1818	0.1272	0.1026	0
0	0	0	0	0	0.0325	0.0022	0.0056	0
0.129	0.1267	0.1985	0.1779	0.2138	0.1897	0.1892	0.2033	0.0861
0.0509	0.0238	0.0247	0	0.0129	0.029	0.0036	0.0309	0
0.0397	0.0616	0.0128	0.0537	0	0	0.0172	0.0351	0.041
0	0	0	0.0433	0.0024	0.0147	0.007	0	0
0.0431	0.0419	0.0363	0.0664	0.0449	0.0999	0.0444	0.061	0
0.0109	0.0463	0	0.0145	0.0156	0.0236	0	0.0308	0
0.075	0.0346	0.0674	0.0779	0.023	0.0314	0.0648	0.0679	0.0698
0.08	0.0373	0.07	0.0853	0.0643	0.0667	0.066	0.076	0.0988
0.0569	0.034	0.1455	0.0749	0.1035	0.1732	0.0372	0.0722	0
0.019	0.033	0.0047	0.0872	0	0.0194	0.0224	0.0035	0
0	0	0.01	0.0045	0	0	0	0	0
0.4498	0.5683	0.6178	0.3895	0.5769	0.6511	0.4036	0.531	0.4363
0.0218	0	0.0035	0.05	0.0015	0.0163	0.004	0.0406	0.0203
0.4716	0.5683	0.6213	0.4395	0.5784	0.6674	0.4076	0.5716	0.4566

GSM11009€	GSM11009€	GSM11009€	GSM11009€	GSM11009€	GSM11009€	GSM11009€	GSM11009€	GSM11009€	GSM11009€
0.0283	0	0.0186	0	0.0109	0	0	0.002	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.1125	0.0915	0	0.205	0	0.0773	0.1234	0.0665	0.1567	
0	0	0	0.0133	0.0398	0	0	0.0343	0.0044	
0.0921	0.0362	0.0632	0.128	0.0699	0.1304	0.1996	0.0595	0.145	
0.0151	0.0588	0.0409	0.0675	0.0548	0.0716	0.1303	0.0437	0.0927	
0.0349	0	0.0373	0.0395	0.0235	0.0674	0.0807	0.0775	0.0571	
0.142	0.0894	0.1443	0.206	0.1082	0.1816	0.2728	0.1	0.1779	
0.0358	0	0	0.044	0	0.0572	0.111	0.0206	0.0851	
0.1149	0.0585	0.0442	0.1015	0.0206	0.1528	0.179	0.1089	0.1338	
0.0408	0.0108	0	0.0393	0	0.0812	0.082	0.0238	0.0561	
0	0	0	0.0699	0.0081	0.0851	0.0856	0.103	0.0606	
0.0953	0.0941	0.0651	0.064	0.1027	0.0749	0.0631	0.0669	0.0753	
0.0974	0.0321	0.0961	0.0874	0.0532	0.0788	0.1067	0.0686	0.082	
0.0398	0.1025	0.1551	0	0.0435	0	0.0188	0	0	
0.0215	0.0334	0.0041	0	0	0	0.0353	0	0	
0.0685	0.1217	0	0.1367	0.0552	0.0615	0.1401	0.074	0.0987	
0	0	0	0	0	0.0076	5.00E-04	0	0	
0	0	0	0	0.0108	0	0.0247	0.0374	7.00E-04	
0.2897	0.2799	0.2961	0.1353	0.2892	0.3991	0.0495	0.2479	0.1245	
0.0352	0.0462	0.0462	0.0416	0.0565	0.0547	0.0443	0.0629	0.0443	
0.0948	0	0.0623	0.1304	0.0729	0.1006	0.009	0.1107	0.0729	
0	0	0.0266	0	0.0064	0	0	1.00E-04	0	
0.018	0	0.0593	0	0.012	0	0	0	0	
0.0282	0	0	0.059	0	0	0	0	0.0103	
0.0046	0	0.006	0.006	0.0014	8.00E-04	0.0043	0.0133	0.0112	
0.0032	0	0	0.0106	0.0184	0	0.0034	0	0.0123	
0	0	0	0	0	0	0.0501	0.0179	0	
0.0624	0.189	0.2309	0.0161	0.1852	0.0506	0	0.0602	0.0248	
0.1034	0.1577	0.0015	0.1216	0.2803	0.1923	0.1789	0.131	0.2448	
0.0534	0.0474	0.102	0.0425	0.0533	0.0263	0.0282	0.0902	0.0393	
0.0063	0.007	0.012	0.0135	0.009	0.0056	0.0039	0.0131	0.0179	
0.0216	0.0095	0.0465	0	0.0646	0	0.0065	0.042	0.0073	
0.0128	0.0024	0.0126	0.0171	0.0161	0.0053	0	0.0127	0.0039	
0.1958	0.2669	0.1387	0.1989	0.3275	0.1154	0.0776	0.1825	0.2074	
0.0076	0.0157	0.0124	0.0188	0.0164	0.0145	0.0106	0.0124	0.0066	
0.0492	0.0136	0	0.0916	0	0.0069	0.0553	0.0169	0.0829	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.0038	0	0.0039	0.0019	0	0	0	0	0	
0.0623	0.0227	0.0271	0.1486	0.0801	0.1003	0.1053	0.0822	0.0774	
0.1511	0.3696	0.2699	0.1182	0.2317	0.1864	0.2623	0.3136	0.2417	
0	7.00E-04	0.0012	0.0062	0	0	0.0086	0	0.0041	
0.0626	0.0799	0.1034	0.0279	0.0692	0.0338	0.0649	0.07	0.0624	
0.2066	0.1335	0.2184	0.2529	0.1979	0.2385	0.2912	0.2824	0.2494	
0.0406	0.0467	0.0338	0.0361	0.0416	0.0458	0.0642	0.0741	0.0404	
0	0.0405	0	0.0091	0	0	0	0.0066	0.0146	
0.1281	0.1703	0.0785	0.1437	0.1792	0.085	0.0213	0.1248	0.1259	
0.0579	0.0328	0.0652	0.0853	0.0262	0.056	0.0745	0.0412	0.0477	

0.0034	4.00E-04	0	0.0054	0.0045	0.0037	0.004	0.0041	0.0043
0.0031	0	0.0074	0	0.0132	0	0	0.0017	0.0065
0.1413	0.0206	0.1023	0.1422	0.0132	0.0865	0.123	0.0707	0.0772
0	0	0	0	0	0.0049	0	0	0
0.0998	0.0879	0.0904	0.1139	0.1398	0.1694	0.2157	0.1997	0.1907
0.0282	0.0489	0.0598	0.033	0	0.0215	0.0075	0.0175	0.0098
0.0181	0.04	0.0245	0.0197	0.0482	0.0126	0.0418	0	0
0	0	0	0	0	0	0.0164	0	0
0.0378	0	0.0051	0.0544	0.0331	0.0114	0.0824	0	0.0454
0.014	0	0	0.0228	0.0232	0.0649	0	0	0.0058
0.0423	0.0563	0.0666	0.0725	0.0477	0.0665	0.068	0.0731	0.0492
0.0529	0.0365	0.0416	0.0544	0.0535	0.0871	0.0791	0.1239	0.058
0.0912	0.0775	0	0.1619	0	0.0938	0.0886	0.0582	0.1397
0	0	0	0.0175	0.0219	0	0.0227	0	0.0436
0	0.0088	0	0.0087	0.0143	0	0	0	0.0052
0.5335	0.4123	0.4324	0.5373	0.3989	0.6219	0.5003	0.4919	0.4953
0.0142	0	0.0226	0	0.014	0	0.0124	0.0198	4.00E-04
0.5477	0.4123	0.455	0.5373	0.413	0.6219	0.5126	0.5117	0.4957

GSM110097	GSM110097	GSM110097	GSM110097	GSM110097	GSM110097	GSM110097	GSM110097	GSM110097
0.0034	0	0.0154	0.0017	0	0	0.0012	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1314	0.1323	0.1988	0.1394	0	0.2136	0.1111	0.0948	0.111
0	0	0.0497	0	0	0.0083	0	0	0
0.0881	0.1807	0.0829	0.2155	0.053	0.083	0.1067	0.2025	0.128
0.0176	0.0565	0.074	0.1141	0.0644	0.0512	0.0735	0.113	0.0626
0.02	0.0756	0.0338	0.0566	0	0.0341	0.0761	0.1209	0.0438
0.1362	0.2601	0.1356	0.2477	0.0808	0.1318	0.1775	0.2737	0.1811
0.0074	0.0412	0	0.1359	0	0.0321	0	0.08	0.0465
0.088	0.1738	0.0634	0.2295	0.0179	0.0308	0.0646	0.1519	0.1219
0.0472	0.0986	0	0.1178	0	0	0.0107	0.0837	0.0674
0.0034	0.2033	0	0.1951	0	0.017	0.0488	0.1036	0.0867
0.0663	0.0169	0.065	0.031	0.0379	0.08	0.0441	0.0537	0.0703
0.0991	0.1236	0.068	0.0937	0.0493	0.0804	0.1033	0.1243	0.1022
0	0	0.0214	0	0.0045	0	4.00E-04	0	0.011
0	0	0	0	0.0119	0	0	0.002	0
0.082	0.1273	0.1244	0.0596	0.0412	0.1317	0.128	0.1222	0.076
0	0.0139	0	0.0245	0	0	0	0	0
0	0	0.0362	0.0166	0.0344	0.0103	0	0.0192	0
0.238	0.0712	0.2415	0.2748	0.3306	0.2805	0.1866	0.1142	0.2823
0.0464	0.0346	0.0385	0.0276	0.0458	0.0504	0.0456	0.049	0.0505
0.0643	0.0655	0.1142	0.1019	0.0885	0.0921	0.1275	0	0.0732
0.024	0.0706	0	0	0.0369	0.0252	0.0788	0.0117	0.0262
0	0	0	0	0	0	0	0	0.0118
0.0094	0	0.0306	0	0.0055	0	0.0241	0	0
0.0162	0.0103	0.0016	0.0051	0	0	0.0039	0.0099	0.0014
0	0	0.0052	0	0.0037	0	0.0036	0.0207	0.0048
0	0.1061	0	0.0656	0	0	0	0.0422	0
0.0298	0	0.0497	0	0.1054	0.0658	0.007	0	0.0355
0.1514	0.1207	0.1079	0.2867	0.1683	0.1266	0.0897	0.1655	0.0878
0.0606	0.0547	0.0485	0.011	0.0644	0.0248	0.0505	0.0473	0.0456
0.0146	0.0185	0.0133	0	0.014	0.0026	0.0147	0.0196	0.0182
0.0395	0.0097	0.0074	0	0.023	0	0.0372	0	0.0233
8.00E-04	0.0098	0.0039	0.0079	0.0018	0.0203	0	0	0.0129
0.1991	0.048	0.2746	0.0767	0.2634	0.2856	0.1326	0.1314	0.204
0.0139	0.0092	0.0075	0.0064	0.0167	0.0157	0.0152	0.014	0.0197
0.0495	0.0513	0.0843	0.0498	0	0.0732	0.0269	0.0401	0.0334
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0031	0	0.0061	0	0	0	0.0019	0	0
0.0592	0.2134	0.0603	0.1626	0	0.1062	0.1056	0.1346	0.1124
0.2496	0.0999	0.1767	0.0627	0.2914	0.2723	0.2132	0.1131	0.1731
0	0.0057	0	0	0	0	0.0044	0.0067	0
0.0625	0.0117	0.0621	0	0.135	0.0361	0.0613	0.032	0.0267
0.2134	0.2948	0.1676	0.3132	0.1982	0.2821	0.1902	0.2646	0.2328
0.0514	0.0511	0.0324	0.0523	0.0617	0.0676	0.0536	0.0469	0.0512
0.0034	0.048	0.0173	0	0.0244	0.0219	0.03	0.0193	0.0112
0.1107	0.0373	0.1726	0.0368	0.1219	0.1624	0.099	0.093	0.1315
0.059	0.1053	0.0467	0.0675	0.024	0.0549	0.0693	0.0943	0.0999

0.0034	0.0037	0.0041	0.0043	0.0032	0.0028	0.0046	0.0044	0.0042
0	0.0042	0.0088	0	0.0042	0	0	3.00E-04	0.0015
0.0886	0.1447	0.0708	0.0678	0.0082	0.0963	0.1141	0.1555	0.1081
0	0.0333	0	0.0095	0	0	0	0.018	0
0.1375	0.2632	0.0865	0.261	0.0868	0.1692	0.0904	0.1975	0.1689
0.0135	0.0938	0.0469	0.0386	0.0038	0.0074	0.0589	0.0112	0.0224
0.0698	0.0257	0.0302	0	0.0452	0.0222	0.0327	0.0129	0.0399
0	0	0	0.0101	0	0	0.0011	0.0112	0
0.0343	0.0701	0.0017	0.0157	0.0098	0.0081	0.0263	0.0701	0.0353
0.0286	0	0	0.0704	0	0.0222	0.0059	0.0147	0.0424
0.0091	0.0436	0.056	0.0834	0.1084	0.0699	0.0126	0.0667	0.0591
0.0468	0.069	0.0893	0.1294	0.1033	0.0733	0.0166	0.083	0.0585
0.1202	0.1173	0.1509	0.1401	0	0.1691	0.0855	0.0846	0.1069
0.0182	0.0268	0.0096	0.0031	0	0	0.0336	0.0245	0
0	0	0.0084	0	0	0.0065	0	0	0
0.4857	0.5743	0.5076	0.7101	0.4018	0.5302	0.4576	0.5182	0.5605
0.0137	0.0353	0.0258	0.0092	0.0356	0.0178	0.04	0.0154	0.0131
0.4994	0.6096	0.5334	0.7193	0.4374	0.548	0.4976	0.5336	0.5736

GSM110097	GSM110098	GSM110098	GSM110098	GSM110098	GSM110098	GSM110098	GSM110098	GSM110098
0	0.0104	0	7.00E-04	0.0011	0.0221	0.0143	0	0.0118
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.2093	0.143	0.1585	0.0569	0.0905	0.0929	0	0.0304	0.1257
0.0174	0	0	0	0	0	0	0	0.0134
0.0572	0.166	0.1035	0.1026	0.1071	0.1274	0.2253	0.2138	0.1411
0.0071	0.095	0.097	0.0944	0.058	0.0276	0.1193	0.1636	0.0666
0.0349	0.0793	0.0626	0.0561	0.045	0.0358	0.0632	0.032	0.0196
0.1531	0.2371	0.1719	0.1857	0.1832	0.1708	0.3053	0.2407	0.1629
0	0.1008	0.0456	0	0	0.0464	0.0736	0.1527	0.0598
0.0831	0.14	0.1312	0.1008	0.064	0.1514	0.1573	0.2006	0.1397
0.0289	0.0707	0.0391	0.0305	0.0197	0.0798	0.0932	0.085	0.0729
0.1014	0.08	0	0.0915	0.0685	0.0981	0.1171	0.0443	0.005
0.0574	0.0423	0.1012	0.064	0.08	0.0282	0.0922	0.0919	0.0786
0.085	0.0852	0.0847	0.0945	0.0963	0.0793	0.1437	0.1066	0.1234
0	0	0	0.0081	0.0167	0.0257	0	0	0.0188
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1476	0.0857	0.1467	0.0421	0.0653	0.1119	0	0.0503	0.0501
0.0274	0	0	0	0.0019	0	0.0168	0	0
0.0098	0.0286	0.0043	0	0	0.0136	0	0.0332	0
0.273	0.2202	0.2266	0.2771	0.3094	0.291	0.1202	0.0296	0.1525
0.0396	0.0353	0.0495	0.05	0.0568	0.0441	0.0296	0.0439	0.0387
0.0904	0.0433	0.1047	0.114	0.0366	0.0119	0.1776	0.1691	0.0448
0.0582	0	0	0.0023	0.0132	0.0128	0.0391	0.0163	0.0167
0	0	0	0	0.0328	0.0143	0	0	0.019
0.0013	0	0	0.0274	0.0015	0	0.0614	0.0087	0.0272
0	0.0125	0	8.00E-04	0	0.0063	0.0145	0.0049	0.0186
0	0	0.0066	0	0.009	0.0118	0.0013	0.0121	0
0.0129	0.0444	0	0	0	0.0309	0.049	0.0784	0.0095
0.0678	0	0.0663	0.0426	0.0561	0.0584	0.0092	0.0251	0.017
0.0875	0.1651	0.1681	0.1141	0.1197	0.1646	0.1118	0.2323	0.0465
0.0429	0.0392	0.0125	0.0283	0.0514	0.0549	0.0333	0.0891	0.0397
0.0086	0.0099	0.0076	0.0091	0.0098	0.014	0.0195	0.0306	0.0054
0	0	0.0031	0	0.0249	0	0.012	0.0182	0.0131
0.0232	0.0089	0.0088	0.0155	0.0192	0.0109	0.0222	0	0.0164
0.2058	0.2065	0.2344	0.249	0.1863	0.1789	0.2277	0.2058	0.1119
0.0275	0.0186	0.0162	0.0221	0.0156	0.0179	0.0073	0.0214	0.0115
0.0819	0.0391	0.0521	0.0086	0.0024	0.0249	0	0.032	0.0435
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0061	0	0	0.0018	0.0053	0	0.0228	0.0016	0.0159
0.153	0.1108	0.0518	0.1424	0.1264	0.1281	0.1578	5.00E-04	0.0335
0.1913	0.1203	0.3088	0.2581	0.1909	0.1628	0	0.1864	0.2051
0	0	0.0011	0	0.0087	0.0015	0.0045	0.0052	0.0076
0.0195	0.036	0.0106	0.0374	0.0271	0.052	0	0.0054	0.0904
0.2202	0.244	0.1799	0.1975	0.202	0.2981	0.1752	0.2703	0.2003
0.0531	0.0457	0.0331	0.0588	0.0537	0.0517	0.0282	0.027	0.0429
0.0348	0.0624	0.0335	0.0159	0	0.0203	0	0.0603	0.0055
0.1254	0.1221	0.1945	0.1537	0.1522	0.1051	0.1623	0.1447	0.0677
0.0852	0.0843	0.0675	0.0725	0.0704	0.0582	0.1101	0.0829	0.0713

0.0021	0.0039	0.0067	0.0035	0.0042	0.0044	0.0064	0.0065	0.0012
0	0	0	0	0.0051	0.001	5.00E-04	7.00E-04	0
0.097	0.1235	0.1407	0.1346	0.139	0.0869	0.2254	0.1184	0.1798
0	0	0	0	0.0014	0.0029	0.0196	0	0
0.1689	0.174	0.196	0.2205	0.1394	0.1779	0.249	0.2122	0.1514
0.0506	0.0453	0.0058	0.0225	0.0269	0.0169	0	0	0.0314
0.0274	0	0.0425	0.0229	0.0403	0.0644	0	0.0045	0.0468
0.0286	0.0034	0.002	0.0029	0	0.0103	0.0414	0.0114	0
0.1009	0.0292	0.0174	0.0244	0.0221	0.0497	0.0641	0.0712	0.047
0.0326	0.0199	0.0172	0.0064	0.0512	0.0037	0.0055	0.004	0.0027
0.0598	0.1049	0.0633	0.0549	0.0401	0.0536	0.0357	0.0875	0
0.0616	0.1146	0.0793	0.0603	0.05	0.086	0.0278	0.0933	0.0135
0.1479	0.108	0.108	0.0595	0.0972	0.0339	0	0.005	0.1229
0	0	0.004	0	0	0.0098	0.0197	0.056	0.0105
0	0	0	0	0	0	0	0.003	0
0.5924	0.5761	0.469	0.5073	0.5313	0.6057	0.4886	0.3796	0.4927
0.034	0.0195	0.0022	0.0015	0.0072	0.0242	0.0267	0.0248	0.0142
0.6264	0.5956	0.4712	0.5088	0.5385	0.63	0.5153	0.4044	0.5069

GSM110098	GSM110098	GSM110099	GSM110099	GSM110099	GSM110099	GSM110099	GSM110099	GSM110099
0.011	0.0306	0.0134	0.0117	0.0131	0.0017	0	0.0095	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0582	0.0779	0.191	0.1043	0.1214	0	0.1055	0.185	0.1093
0	0.0411	0	0.0099	0.0305	0	0	0.0284	0
0.124	0.159	0.1889	0.1515	0.1284	0.0884	0.1014	0.1289	0.169
0.0205	0.0702	0.1503	0.1563	0.0185	0.0567	0.0251	0.0762	0.1006
0.0419	0.0581	0.0762	0.0934	0.0676	0.0299	0.0479	0.0323	0.0816
0.1886	0.2114	0.2573	0.2133	0.1553	0.1328	0.1148	0.2117	0.2185
0	0.0275	0.0604	0.0438	0.0724	0	0.0389	0.0041	0.0662
0.1233	0.1129	0.1177	0.0827	0.189	0.1065	0.1806	0.1171	0.1628
0.0738	0.0571	0.0594	0.0204	0.0958	0.0493	0.1079	0.0567	0.0779
0.0783	0.0377	0.0136	0.0294	0.1902	0.0341	0.0248	0	0
0.0609	0.0676	0.0656	0.0842	0.0385	0.0847	0.0692	0.1137	0.1302
0.1153	0.1019	0.1406	0.0908	0.0832	0.0806	0.058	0.0977	0.1012
0	0.021	0.0136	0.008	0	0.0366	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0.0156
0.0276	0.0738	0.072	0.0796	0.1102	0	0.1048	0.0751	0.0684
0.0368	0	0.0028	0	0.0143	0	0	0.0187	0
0.0109	0	0	0.0193	0.0022	0.0093	0	0	0.0047
0.3712	0.3002	0.2272	0.1936	0.2479	0.2448	0.2329	0.0898	0.0955
0.0605	0.0349	0.0317	0.071	0.0566	0.048	0.0574	0.0307	0.0353
0.122	0.1305	0.1066	0.1261	0.0154	0.1369	0	0.2001	0.1646
0.0813	0.005	0	0.0668	0	0	0	0.0577	0.0104
0	0.0281	0.014	0.0088	0	0.0019	0	0	0
0.0268	0.0217	0	0	0	0	0.0408	0.0438	0.0023
0.0053	0.0122	0.0114	0.0086	0.0091	0.0109	0.0028	0.0101	0.0108
0.005	0	0	0.016	0.0064	0	0.0014	0	0.0027
0	0	0.011	0.0026	0.0742	0	0	0	0
0	0.0378	0.0148	0.055	0.0684	0.1115	0.0218	0	0.0235
0	0.0779	0.1603	0.227	0.2529	0.0916	0.1992	0	0.0871
0.0349	0.0352	0.0599	0.0445	0.0318	0.0618	0.048	0.0136	0.0472
0.0046	0.0147	0.0147	0.0182	0.0033	0.0204	0.0236	0.0062	0.0188
0.0067	0.0045	0.0139	0.0301	0	0.0273	0.0428	0	0.0172
0.0095	0.0176	0	0.0209	0.0104	0.0188	0	0.0112	0.0108
0.0691	0.1869	0.2138	0.2734	0.1637	0.2492	0.1873	0.2731	0.179
0.0195	0.0229	0.0169	0.0198	0.018	0.0167	0.0123	0.0196	0.0211
0.0041	0.0181	0.0765	0.0746	0.0427	0	0.0235	0.0645	0.0523
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0092	0	0.0059	0.0111	0	0.0128	0	0.0168	0.0093
0.1468	0.0818	0.0488	0.0616	0.1461	0.0771	0.0461	0.075	0
0.1547	0.0805	0.0784	0.2901	0.1494	0.2634	0.2395	0.1388	0.1846
0.0036	9.00E-04	0.0011	0	0	0	0	0.007	4.00E-04
0.0336	0.0392	0.0036	0.0099	0.0325	0.0666	0.0791	0.0213	0.0155
0.2396	0.2602	0.231	0.2787	0.2751	0.1974	0.1982	0.1609	0.2664
0.042	0.0428	0.0357	0.0599	0.0542	0.0462	0.0675	0.0133	0.0289
0.0144	0.0059	0.0114	0.0233	0.038	0	0.0151	0.0699	0
0.0463	0.1165	0.1369	0.1779	0.1059	0.1182	0.097	0.1673	0.1256
0.0724	0.075	0.0782	0.0435	0.0483	0.0466	0.0503	0.09	0.0717

0.0039	0.0041	6.00E-04	0.006	0.005	0.0029	8.00E-04	0.0024	0.0051
6.00E-04	0.0022	0	0.0115	0	0.0169	6.00E-04	0.0039	0.0107
0.1558	0.1535	0.1893	0.0702	0.0496	0.1061	0.0854	0.2259	0.1523
0.0083	0	0	0	0.0161	0	0.0018	0	0
0.1673	0.1784	0.1438	0.2292	0.2186	0.1553	0.1099	0.134	0.1565
0.0153	0.025	0.0456	0	0.0168	0.0216	0.0411	0.0419	0
0.0703	0.0513	0.0285	0	0.0094	0.0103	0.0671	0.0219	0.0036
0.0207	0.0216	0.0158	0.0163	0.016	0	0	0.0383	0.0254
0.0168	0.0075	0.0569	0.0427	0.0639	0.0184	3.00E-04	0.031	0.0391
0.0728	0.0024	0.0092	0.0139	0.0394	0	0	0.0266	0.0189
0.0285	0.0305	0.0856	0.102	0.0935	0.0174	0.0451	0.018	0.0752
0.0538	0.0378	0.0384	0.1373	0.1081	0.0525	0.0342	0.0132	0.0656
0.0746	0.0921	0.1634	0.0692	0.1006	0	0.0824	0.1552	0.108
0	0	0.0057	0.0191	0	0	0	0.0346	0.0169
0	0	0	0	2.00E-04	0	0.02	0	0
0.6255	0.5492	0.5599	0.446	0.6145	0.4427	0.5291	0.4404	0.4067
0.0516	0.0178	0.0067	0.0489	0.0076	0.0055	0	0.0336	0.0076
0.6771	0.567	0.5666	0.4949	0.6222	0.4482	0.5291	0.474	0.4143

GSM110099	GSM110099	GSM110099	GSM110100	GSM110100	GSM110100	GSM110100	GSM110100	GSM110100	GSM110100
0.0118	0.0256	0.0202	0	0	0.0157	0	0.0022	0.0236	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.0795	0.0874	0.038	0.158	0.2279	0.1785	0.1661	0.1966	0.1808	
0	0	0.0363	0.0067	0	0	0.0377	0.0266	0	
0.1122	0.1993	0.0701	0.1466	0.0904	0.1766	0.0737	0.129	0.2065	
0.0551	0.1013	0.0661	0.1063	0.0733	0.0897	0.0243	0.0758	0.0332	
0.0514	0.0657	0.0392	0.023	0.06	0.0664	0.0483	0.0695	0.0107	
0.1736	0.2217	0.1032	0.1914	0.1666	0.2361	0.1387	0.2042	0.2546	
0.0573	0.055	0.0173	0.0805	0	0.0454	0	0.0434	0.1297	
0.148	0.0784	0.0935	0.2019	0.0744	0.1347	0.1481	0.1274	0.2076	
0.0838	0.0235	0.0312	0.1179	0.0286	0.0852	0.0542	0.0946	0.1119	
0.0904	0	0.0558	0.1648	0.018	0.0032	0.114	0.1108	0.0212	
0.0651	0.0621	0.0765	0.0445	0.0975	0.0749	0.0463	0.0261	0.0855	
0.099	0.1043	0.0615	0.0812	0.0526	0.0976	0.0774	0.1011	0.1119	
0.0241	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0.0407	0	0	0.0198	0.0175	0	0.0196	0.0465	
0.0551	0.0584	0.0435	0.0971	0.1626	0.1049	0.1103	0.191	0.1086	
0	0	0	0.013	0	0	0	0	0	
0.0191	0	0	0	0.0211	0	0.0108	0.0087	0.0331	
0.0889	0.1585	0.308	0.1674	0.2549	0.1905	0.1531	0.1363	0.0058	
0.0328	0.0455	0.0632	0.0461	0.0495	0.033	0.0421	0.0522	0.0255	
0	0.1119	0.1757	0.1384	0.0747	0.108	0.0798	0.1361	0	
0.0133	0.0241	0	0.0282	0	0.0109	0	0.0252	0	
0.0374	0	0	0	0	0	0	0	0	
3.00E-04	0.0465	0	5.00E-04	0.0163	0.0377	0.0207	0.0121	0.0299	
0.0053	0.0107	0.0134	0.0142	0.0173	0	0.0158	0.0029	0.0169	
0	0.0046	0.0014	0.0054	0	0	0	0.0177	0.0092	
0.094	0	0	0.0572	0	0.0313	0	0	0	
0.0373	0	0.059	0.063	0.0802	0.0018	0.0293	0.0387	0	
0.1254	0	0.1252	0.2528	0.0403	0.0906	0.1677	0.2683	0	
0.0848	0.0563	0.0355	0.04	0.0376	0.0391	0.0701	0.039	0.0025	
0.0238	0.0172	0.0062	0.0221	0.0225	0.0137	0.0332	0.022	0	
0.0222	0.0232	0.0182	0	0.0068	8.00E-04	0.0149	0	0	
0.0146	0.0056	0.0169	0.0211	0	0.0174	0.0027	0.022	0.007	
0.1838	0.1666	0.2406	0.1756	0.1116	0.1264	0.22	0.2451	0.2087	
0.0231	0.0189	0.0201	0.0244	0.0239	0.0128	0.0255	0.0234	0.0244	
0.032	0.0296	0	0.0674	0.0712	0.0528	0.0574	0.0814	0.065	
0	0	0	0	0	0	0	0.0151	0	
0.0148	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.0019	0.0141	0	0	0.02	0.0089	0	0	0.0131	
0.1189	0.0064	0.0642	0.1254	0.0302	0	0.0999	0.1367	0.1082	
0.1931	0.1523	0.2871	0.1308	0.3556	0.1665	0.3039	0.1611	0.0225	
0.0013	0.0039	0	0.001	0	0.0022	0	0	0.0144	
0.0382	0.0866	0.0607	0	0.0493	0.0621	0.0554	0	0.0657	
0.2827	0.1805	0.2223	0.2381	0.177	0.2251	0.2083	0.1872	0.1804	
0.0414	0.0445	0.0401	0.0663	0.0388	0.0367	0.0463	0.0396	0.0048	
0	0.0275	0.007	0.0444	0.054	0.0399	0.0517	0.0764	0.0358	
0.1447	0.1119	0.1743	0.132	0.062	0.0942	0.1276	0.163	0.1075	
0.076	0.0716	0.0429	0.0716	0.0425	0.0715	0.0453	0.087	0.1216	

0.0027	0.0054	0.0047	0.0043	0.0024	0.0038	0.0026	0.0062	0.0013
0	0.0035	0.0033	0	0.0126	0.0017	0	0	0
0.1201	0.1284	0.0908	0.0398	0.1231	0.1114	0.1203	0.0774	0.1645
0.0189	0	0	0	0	0	0.0013	0	0.0284
0.1836	0	0.197	0.2554	0.1992	0.1287	0.2366	0.1879	0.0222
0.0152	0.0386	0	0.0245	0.0241	0.0499	0.0294	0.0208	0.0674
0.0111	0.0897	0	0.0334	0.023	0.0208	0.0285	0.0144	0.0672
0	0.0095	0	0.0292	0	0.0179	0	0.0371	0.0275
0.0866	0.0178	0	0.034	0	0.015	0.0293	0.0153	0.0553
0.0063	0	0	0.0344	0	0	0.0144	0.001	0
0.0654	0.0338	0.0532	0.0615	0.064	0.0324	0.0738	0.0781	0.0771
0.0719	0.024	0.1015	0.0975	0.1164	0.0501	0.0894	0.0857	0.0242
0.0674	0.098	0.0442	0.1463	0.148	0.1541	0.1017	0.1037	0.1624
0.0059	0.0161	0	0.0229	0	0.0085	0.0224	0.0484	0.0479
0	0	0	0.0026	0	0	0	0.0132	0
0.4666	0.4523	0.4579	0.5823	0.5098	0.5326	0.5127	0.5247	0.5227
0.0221	0.0248	0.0101	0.0141	0.0106	0.0133	0.0054	0.018	0.0284
0.4887	0.4772	0.468	0.5964	0.5204	0.5459	0.5181	0.5427	0.5511

GSM11010CGSM11010CGSM11010CGSM11010CGSM110101GSM110101GSM110101GSM110101GSM110101									
0.0268	0.0147	0.0121	0	0	0.0152	0.0105	0.0025	0.0388	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.3468	0.1029	0.0843	0.1397	0.1964	0.0732	0.1261	0.1315	0.2166	
0.0297	0.1081	0	0	0	0.0331	0	0	0	
0.1563	0.0562	0.1178	0.168	0.0846	0.1648	0.1449	0.2365	0.173	
0.0399	0.033	0.0853	0.0513	0.0512	0.0928	0.079	0.0834	0.068	
0.0796	0.0438	0.018	0.0535	0.0475	0.055	0.0509	0.053	0.0537	
0.2507	0.1164	0.147	0.243	0.1549	0.2276	0.2001	0.3061	0.2458	
0	0.0089	0.0709	0.036	0.045	0.0183	0.0362	0.1262	0	
0.1097	0.0722	0.1328	0.1094	0.1328	0.109	0.1299	0.2054	0.0797	
0.0784	0.023	0.0669	0.0556	0.0767	0.0466	0.0875	0.1439	0.0445	
0.0859	0	0	0.055	0.0535	0.0218	0.0145	0.1368	0.0382	
0.0419	0.0749	0.1076	0.04	0.0129	0.1062	0.0813	0.0899	0.0721	
0.115	0.0639	0.0769	0.1166	0.0924	0.0915	0.0885	0.1228	0.1118	
0	0	0	0	0.0025	0	0.0015	0	0.013	
0	0.1166	0	0.0104	0.0098	0.0067	0	0.0135	3.00E-04	
0.1615	0.0771	0.0381	0.1221	0.0969	0.0555	0.0841	0.076	0.0693	
0	0	0	0.0068	0	0.0107	0	0	0	
0	0.0083	0.0221	0.0131	0.0188	0.0067	0.0303	0.0135	0.0037	
0	0.194	0.1478	0.1022	0.2444	0.1655	0.1317	0.103	0.2122	
0.0308	0.0433	0.0638	0.0388	0.0393	0.031	0.0379	0.014	0.0348	
0.0247	0.0154	0.0968	0	0.0838	0.0958	0.0877	0.032	0.0932	
0.0054	0	0.0109	0.011	0.0085	0.0756	0.0132	0.0306	0.0037	
0	0	0	0	0	0.0547	0	0	0	
0.0338	0	0	9.00E-04	0	0.0637	0.0302	0	0.0456	
0.0127	0.0101	0.0102	0.0061	0.0162	0.0134	0.0206	0.0127	0	
0	0.0187	0.0089	0	4.00E-04	0.0101	0	0.0151	0.0101	
0	0	0	0	0.0347	0.0393	0.0518	0	0	
0.0493	0.0385	0.0409	0	0.0884	0.0042	0	0	0	
0.0444	0	0.1174	0.126	0.3123	0.0832	0.1208	0.1003	0.0367	
0.0571	0.0546	0.0145	0.067	0.0441	0.05	0.0962	0.0169	0.0398	
0.0206	0.0191	0	0.0159	0.0229	0.0234	0.024	0.0053	0.0231	
0	0.0347	0	0.0451	0.0443	0	0.0309	0	0	
0.0048	0.0065	0	0	0.0015	0.025	0	0	0.0158	
0.2101	0.1787	0.1976	0.1836	0.1138	0.223	0.1655	0.1593	0.1034	
0.0132	0.0194	0.0238	0.0131	0.0241	0.0235	0.0186	0.0217	0.0203	
0.1242	0.0176	0.0378	0.0307	0.1104	0.0241	0.0415	0.0379	0.0871	
0	0.0027	0	0	0.0067	0	0	0	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.012	0.0118	0	0.0112	0.0113	0.008	0.0028	0.0041	0.0066	
0.1357	0.048	0	0.0981	0.0868	0.0479	0.0436	0.133	0.127	
0.0836	0.2424	0.2372	0.1208	0.2465	0.0394	0.2175	2.00E-04	0	
0.0051	5.00E-04	0.0042	0.0035	0.0072	0.0042	0.004	0.0055	0.0033	
0.0241	0.0972	0.0861	0.0531	0.0217	0.0162	0.0536	0	0.0322	
0.2191	0.1439	0.2204	0.2304	0.1859	0.1613	0.2624	0.2267	0.1972	
0.0235	0.027	0.0483	0.0325	0.0702	0.0262	0.0577	0.0414	0.0193	
0.0772	0	0	0.0563	0.0624	0	0.0698	0.0437	0.0104	
0.1384	0.1105	0.1516	0.1206	0.091	0.1739	0.0874	0.1201	0.1091	
0.1051	0.0416	0.0672	0.0897	0.0226	0.0868	0.0658	0.1135	0.1211	

0	0.0029	0.0062	0.0019	0.0041	0.0068	0.0036	0.0039	0.0045
0	0.0046	0	0.0083	0.0198	0	0	0.0056	0
0.1616	0.0569	0.0787	0.1243	0.0158	0.1163	0.1145	0.1592	0.1817
0	0	0	0	0	0.0068	0	0.0345	0.0066
0.1776	0.0812	0.1297	0.164	0.1165	0.061	0.1705	0.246	0.0834
0.1222	0.0389	0.009	0.0285	0.0409	0.0625	0.0085	0.0214	0.0766
0.0465	0.005	0.0114	0.086	0	0.0553	0.038	0.0548	0.0891
0.0387	0	0.0154	0.0121	0	0.0434	0	0.0067	0.0059
0.0017	0	0.0246	0.0717	0.0607	0.0487	0.0587	0	0.0529
0	0	0.0095	0.0172	0.0375	0.0104	0	0.0219	0.0069
0.0292	0.0655	0.0667	0.0539	0.1181	0.0376	0.0389	0.0858	0.0618
0.0299	0.0434	0.0498	0.0647	0.0912	0.0139	0.0485	0.08	0.0518
0.2331	0.1005	0.0962	0.1008	0.1295	0.0728	0.0917	0.1293	0.1995
0.0586	0.0033	0	0.0292	0.0342	0.0141	0.0229	0.0454	0
0.0425	0	0	0	0	0	0	0	0
0.5563	0.4211	0.3889	0.4962	0.5415	0.4415	0.484	0.5509	0.5975
0.0161	0.0115	0.0226	0.012	0.0136	0.0488	0.027	0.0233	0.0231
0.5724	0.4326	0.4114	0.5082	0.5552	0.4903	0.511	0.5742	0.6206

GSM110101	GSM110101	GSM110101	GSM110101	GSM110101	GSM110102	GSM110102	GSM110102	GSM110102
0.0069	0	0	0.0042	0.016	0	0.0139	0.011	0.0178
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1916	0.1479	0.1036	0.0704	0.3643	0.2133	0.1845	0.2021	0.2344
0	0	0	0.013	0.0104	0.0089	0.0819	0	0.0364
0.2256	0.1128	0.0973	0.1466	0.1163	0.1418	0.1385	0.1631	0.1603
0.0494	0.0626	0.0938	0.0793	0.0088	0.1005	0.025	0.0069	0.0442
0.1185	0.0107	0.1365	0.0568	0.089	0.0281	0.0461	0.023	0.0431
0.2957	0.1684	0.1905	0.2069	0.201	0.1976	0.1996	0.222	0.2363
0.0411	0.0547	0.0108	0.0552	0	0.0889	0.0632	0.0789	0
0.1454	0.1224	0.0939	0.1276	0.0654	0.1452	0.1917	0.199	0.1372
0.1161	0.0466	0.0324	0.0797	0.0139	0.0958	0.1538	0.0924	0.0624
0.1563	0	0	0.0037	0.0564	0.0715	0.1123	0.1553	0.1252
0.0213	0.0754	0.0455	0.0999	0.076	0.059	0.0109	0.0321	0.06
0.1042	0.0755	0.1033	0.0982	0.0963	0.0953	0.1083	0.1259	0.11
0	0	0.0146	0	0	0	0.0111	0	0.0178
0	0	0	0.016	0	0	0	0	0
0.1419	0.1319	0.0762	0.1115	0.1539	0.114	0.0927	0.1315	0.0751
0.0539	0	0	0	0.045	0.0125	0.0017	0	0.0216
0.0075	0	0.0016	0.0159	0	0	0.0036	0	0
0.0464	0.1638	0.2396	0.1931	0.0589	0.0426	0.1254	0.042	0.1366
0.0268	0.0472	0.0516	0.0449	0.0299	0.0331	0.0159	0.0274	0.0192
0.0753	0.1358	0.0447	0.166	0.0473	0.1291	0.0327	0	0.0567
0.0705	0.0426	0.0487	0.0377	0	0.0844	0	0.0263	0.0328
0	0	0	0	0	0	0.0432	0	0.062
0	0.0064	0.0193	0.007	0.0201	0.0277	0.0114	0	0
0.0268	0.009	0.0174	0	0.0078	0.0127	0.0249	0.0132	0.0099
0.0047	0.001	0.0116	0.0054	0.0034	0	0	0.0076	0.003
0	0	0	0	0	0.0666	0	0	0.0337
0	0.0198	0.0721	0.0104	0.0381	0.0322	0.0625	0	0.0658
0.2284	0.1378	0.1116	0.1172	0.0323	0.146	0.1758	0.1829	0.1434
0.0424	0.0355	0.0523	0.0334	0.0412	0.0088	0.0963	0.0449	0.081
0.0296	0.0074	0.0264	0.015	0.0251	0.02	0.0485	0.0255	0.038
0.0227	0.0428	0.0144	0.002	0.012	0	0.0358	0.019	0.0252
0.0099	0	0	0.0136	0.0205	0.0276	0.0096	0.0031	0.029
0	0.1995	0.291	0.2432	0.188	0.1626	0.2212	0.1527	0.1487
0.0289	0.0193	0.0157	0.0245	0.0078	0.0281	0.0236	0.0266	0.0174
0.0909	0.0475	0.047	0.0244	0.1465	0.1202	0.0679	0.0859	0.0999
0.0124	0	0.0021	0.0016	0	0.0048	0	0.0112	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0109	0	0.0074	0.0069	0.0106	0.0052	0	0	0
0.2183	0	0	0	0.1874	0.1056	0.0964	0.1822	0.1927
0	0.2654	0.2654	0.2551	0	0.2433	0.0513	0.105	0
0.0064	0.0044	0	0	0.0046	0.0078	0	0.0029	0.0041
0	0.0568	0.0669	0.0283	0.0212	0.0396	0	0	0
0.2923	0.2207	0.2181	0.1729	0.1953	0.1952	0.288	0.2477	0.2212
0.063	0.0594	0.0643	0.0448	0	0.0495	0.0381	0.0388	0.0238
0.0633	0.0688	0.066	0.0498	0.0593	0.0342	0.005	0.0709	0.044
0.0063	0.1171	0.1408	0.1614	0.126	0.0997	0.1328	0.1111	0.1032
0.079	0.0467	0.0467	0.0779	0.1207	0.0685	0.0682	0.0831	0.1023

0.0055	0.0049	0.0038	0.0047	0.0022	0.0043	0	0.0013	0.0051
0.0145	0	0.0059	0.0061	0	0	0.0026	0.0075	0
0.1063	0.1034	0.0733	0.1216	0.142	0.0713	0.1078	0.1209	0.1419
0.0018	0	0	0	0	0	0.0111	0.0444	0.0157
0.1682	0.1371	0.1904	0.1219	0.1424	0.1998	0.2259	0.1902	0.1335
0.0381	0	0	0.0397	0.0615	0.0394	0.0263	0.038	0.0513
0.0591	0.0281	0	0.0282	0.0379	0.0149	0.0065	0.0733	0.0877
0.0331	0.0145	0.0271	0.0243	0.0239	0.0315	0.0272	0.014	0.0397
0.1072	0.0525	0.0338	0.0213	0.0727	0.0767	0.0395	0.0191	0.0322
0.0258	0.0055	0	0	0.0208	0.0334	0.027	0.007	0.0076
0.0582	0.0302	0.0617	0.09	0.0385	0.053	0.0651	0.0586	0.0265
0.0564	0.0401	0.0741	0.0775	0.0087	0.043	0.0812	0.0706	0.0414
0.1229	0.0982	0.0731	0.0349	0.2649	0.1677	0.152	0.1381	0.1954
0.0933	0.0102	0.0387	0.0347	0.066	0.0707	0.0589	0.0513	0.0206
0	0	0	0	0.0515	0	0.0063	0.0017	0.0165
0.6223	0.4261	0.4357	0.4087	0.6135	0.4913	0.5627	0.5576	0.6619
0.0424	0.0213	0.0252	0.0289	0.008	0.0422	0.0087	0.0186	0.0253
0.6648	0.4474	0.4609	0.4376	0.6215	0.5335	0.5715	0.5762	0.6872

GSM110102	GSM110102	GSM110102	GSM110102	GSM110102	GSM110102	GSM110103	GSM110103	GSM110103
0	0	0	0.0154	0	0	0	0.0029	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1708	0.1837	0.08	0.1192	0.1651	0.1896	0.1722	0.1368	0.3759
0.0958	0	0	0.0076	0.0205	0	0.0215	0	0
0.1542	0.1627	0.0471	0.1334	0.1797	0.125	0.1218	0.1452	0.1308
0.0829	0.1221	0.0185	0.0838	0.0154	0.1044	0.0581	0.0704	0.0721
0.0437	0.0816	0	0.0449	0.0417	0.0515	0.0604	0.1151	0.1148
0.1598	0.2001	0.0458	0.1891	0.2297	0.2003	0.1537	0.1931	0.2269
0.0609	0.085	0.0064	0.0232	0.0584	0.046	0.0796	0.0336	0.0114
0.1261	0.0964	0.0609	0.1371	0.1818	0.1328	0.1788	0.1121	0.1615
0.0738	0.0253	0.0172	0.0905	0.1127	0.0837	0.0811	0.0707	0.0997
0.0709	0.0462	0.0706	0.1117	0.1306	0.0795	0.0887	0.0935	0.1322
0.0461	0.0874	0.0457	0.0463	0.0079	0.0532	0.0387	0.0271	0.0528
0.0661	0.087	0.0435	0.09	0.122	0.0863	0.0445	0.0619	0.1197
0	0	0.0293	0	0.0466	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0.0457	0	0.0014	0
0.1166	0.0831	0.0531	0.0688	0.141	0.0786	0.0699	0.1146	0.1596
0.0035	0	0.0159	0	0.0187	0.0045	0.0273	0	0.0245
0	2.00E-04	0.0113	0.0052	0	0.0124	0.0282	0.0022	0.0029
0.1704	0.1729	0.2188	0.1579	0.0526	0.0672	0.1298	0.1747	0.0121
0.0631	0.0425	0.0509	0.0373	0.0237	0.0593	0.0587	0.0669	0.03
0.1532	0.0842	0.1723	0.0879	0.0957	0.0643	0.1374	0.06	0.0653
0	0	0	0.0635	0.035	0.0442	0	0	0
0	0	0	0	0.0027	0	0	0	0
0	0.008	0	0	0.0149	0.0033	0	0	0.0168
0.0079	0.0093	0.0049	0.0179	0.0145	0.0061	0.0146	0	0.0196
0.0128	0	0.0115	0.0051	0.0069	0.016	0.0134	0.0034	0
0.0758	0.0354	0	0	0.0395	0	0	0	0.0079
0.111	0.0482	0.0549	0.0247	0	0	0	0.045	0.0331
0.4195	0.1849	0.3578	0.2007	0.2192	0.0772	0.3263	0.1767	0.1435
0.0595	0.049	0.0614	0.067	0.0611	0.0474	0.0244	0.035	0.0449
0.0124	0.0164	0.0238	0.0283	0.033	0.0296	0.0126	0.0122	0.0359
0.025	0.0028	0.0572	0.0301	0	0.011	0.0379	0.0108	0
0.0158	0.0057	0.003	0.0149	0.0164	0	0.0086	0.0033	0.0028
0.1705	0.1675	0.102	0.2493	0.0571	0.2229	0.006	0.1735	0.242
0.0336	0.0168	0.019	0.022	0.04	0.0275	0.0174	0.0272	0.0151
0.0637	0.0824	0.0569	0.0368	0.0637	0.0848	0.1146	0.0631	0.1444
0	0	0.0403	0	0.0059	0.004	0.0164	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0.0031	0	0	0	0.0077
0.0783	0.0716	0.0827	0.1564	0.1492	0.1136	0.073	0.0974	0.202
0.2245	0.226	0.4345	0.1697	0.1312	0.2148	0.2121	0.2532	0
0	0.0061	0.0065	0	0.0015	0.0041	0.0018	0	0.0029
0.0113	0.0396	0.0715	0.0074	0.0124	0.0511	0.069	0.0741	0
0.2244	0.2784	0.158	0.265	0.2898	0.2647	0.2465	0.2569	0.2858
0.0382	0.0374	0.0494	0.0545	0.039	0.0389	0.0392	0.042	0.0357
0.0784	0.0365	0.0076	0.063	0.0688	0.0043	0	0.0283	0.0913
0.0949	0.1063	0.0773	0.1459	0.0363	0.1565	0.0268	0.0917	0.1447
0.0117	0.0552	0	0.084	0.0734	0.0701	0.0159	0.061	0.0979

0.0055	0.0048	0.0062	0.0041	0.0044	0.0045	0.0054	0.0039	0.0058
0	0	0	0	0.0014	0.0016	0.0126	0	0
0	0.1062	0	0.1032	0.1142	0.1028	0	0.0541	0.1722
0	0	0	0.0043	0.0128	0	0	0	0.001
0.2169	0.2075	0.2023	0.2125	0.2309	0.2247	0.1955	0.1707	0.3017
0.0038	0	0	0.0203	0.0147	0.0059	0.018	0.0262	0.0237
0.0321	0	0.0243	0.0661	0.0759	0.0161	0.0113	0.0295	0
0.0378	0.0086	0.0346	0.0152	0.0317	0.0449	0.0252	0	0.042
0.0112	0.0332	0.0285	0.0328	0.0606	0.0403	0.0629	0.0435	0.0352
0.0093	0.0144	0	0	0.018	0.0067	0.0142	0	0.0093
0.0871	0.0575	0.096	0.0648	0.0743	0.0529	0.1046	0.0504	0.0417
0.1022	0.0807	0.1227	0.0664	0.0646	0.0608	0.0989	0.0799	0.089
0.1271	0.1549	0.0894	0.0878	0.1059	0.165	0.1518	0.1111	0.2568
0.0224	0.0073	0.0414	0.0264	0.0744	0.0671	0.0526	0.0039	0.0552
0.046	1.00E-04	0.0011	0	0.0018	0	0	0	0.0675
0.5266	0.5211	0.4275	0.5289	0.558	0.4875	0.5366	0.5191	0.6363
0	1.00E-04	0.0056	0.0421	0.0175	0.0283	0.0141	0.0026	0.0014
0.5266	0.5212	0.4332	0.5709	0.5755	0.5158	0.5507	0.5216	0.6378

GSM110103	GSM110103	GSM110103	GSM110103	GSM110103	GSM110103	GSM110103	GSM110103	GSM110104	GSM110104
0.0054	0.0061	0.0067	0.0212	0	0	0	0.0252	0	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.1128	0.2202	0.1505	0.2218	0.0668	0.2122	0.2421	0.0781	0.0935	
0.0475	0.0505	0	0	0	0.0468	0.0062	0.0503	0	
0.016	0.1505	0.1189	0.1737	0.1915	0.1648	0.2388	0.0855	0.0528	
0.0299	0.0706	0.0194	0.1271	0.1298	0.0415	0.1563	0.0474	0.0339	
0.0196	0.0316	0.0293	0.0625	0.0912	0.0686	0.065	0.0218	0	
0.0759	0.2189	0.1987	0.2847	0.2064	0.1651	0.2822	0.1312	0.1065	
0	0.0529	0.0406	0.083	0.0985	0.0942	0.1472	0.0198	0.033	
0.0649	0.1698	0.1149	0.1389	0.2098	0.1999	0.1792	0.1129	0.041	
0	0.092	0.0864	0.0935	0.1023	0.1252	0.1045	0.0106	0.0072	
0	0.0983	0.026	0.0383	0.095	0.1694	0	0.0176	0	
0.0815	0.0344	0.0492	0.0922	0.0821	0.0187	0.1027	0.102	0.0701	
0.0746	0.0886	0.105	0.1321	0.077	0.0739	0.1173	0.0805	0.0599	
0.015	0	0.003	0	0.0126	0.0399	0	0.1644	0.0125	
0.0473	0	0	0	0	0	0	0.0282	0	
0.0595	0.1504	0.0813	0.0752	0.1083	0.1695	0.091	0.117	0.1118	
0	0	0.0232	0	0	0.0044	0	0	0	
0	0	0.0062	0	0.016	0.001	0	0	0	
0.2925	0.2986	0.2667	0	0.3115	0.1943	0.0617	0.309	0.262	
0.0617	0.0355	0.0417	0.016	0.0627	0.0452	0.0332	0.0534	0.0647	
0.0325	0.1004	0.0624	0.1549	0.0571	0.0308	0.186	0.0423	0.1308	
0	0	0	0.0054	0	0	0.0335	0	0	
0.0313	0	0	0	0	0	0.0048	0.0129	0	
0	0.0099	0.0363	0.0685	0	0	0.0331	0.0049	0	
0	0.0028	0.005	0.015	9.00E-04	0	0.0204	0	0.0057	
0	0	0	0.0041	0	0.0117	0	0	0.0086	
0	0	0	0.0045	0.0998	0.0662	0.0399	0	0	
0.1775	0.028	0	0	0.0418	0.1363	0.0084	0.1582	0.1433	
0.0972	0.1244	0	0	0.2728	0.4207	0.0929	0.1304	0.1488	
0.0898	0.0397	0.0419	0	0.0333	0.053	0.0101	0.0354	5.00E-04	
0.0211	0.0099	0.0107	0.0127	9.00E-04	0.0218	0.01	0.002	0	
0.0468	0	9.00E-04	0	0	0	0	0.0085	0	
0	0.0201	0.0027	0	0	0.0087	0.0195	0.0145	6.00E-04	
0.1679	0.2009	0.1993	0.2846	0.0847	0.0965	0.1246	0.1521	0.2713	
0.0208	0.0207	0.0174	0.015	0.0325	0.0263	0.0279	0.0193	0.0259	
0.0463	0.0919	0.0476	0.0928	0	0.0922	0.1075	0.0022	0.0194	
0	0	0	0	0	0.0043	0	0	0.0048	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.0135	0	0.0102	0.0193	0	0	0.0063	0	0.0035	
0	0.0822	0.1123	0.17	0.0211	0.0658	0.0177	0.1097	0	
0.3907	0.0971	0.1688	0	0.2651	0.2026	0.0963	0.2622	0.364	
0	0	0.0026	0.0147	0	0	0.0086	0	0	
0.0706	0	0.0621	0	0.0294	0	0.0303	0.0712	0.0633	
0.2255	0.2284	0.1531	0.175	0.3364	0.2928	0.1575	0.1823	0.1591	
0.0252	0.0381	0.0296	0.0261	0.0698	0.0572	0.0325	0.0473	0.0405	
0.0619	0.0511	0.028	0.0441	0.0582	0.0515	0.0123	0.0189	0.0244	
0.0988	0.1106	0.1132	0.1528	0.0192	0.0595	0.0719	0.0961	0.1815	
0.028	0.096	0.0845	0.1143	0.0412	0.0214	0.1026	0.051	0.0527	

0.001	0.0055	0.0019	0.0025	0.0036	0.0041	0.0065	9.00E-04	0.0065
0.0054	0.0021	0	0	9.00E-04	2.00E-04	0	0.0042	0.0042
0.0422	0.1276	0.1466	0.2473	0.0308	0	0.1635	0.0721	0.0476
0	0	0	0	0	0	0	0.0072	0
0.1446	0.2451	0.097	0.1336	0.2503	0.2965	0.1271	0.1239	0.1018
0.0392	0.0207	0.0753	0.0497	0	0	9.00E-04	0.0256	0
0	0.0474	0.0396	0	0.0174	0	0.0133	0.0512	0.082
0	0.0183	0	0.0383	0	0.0081	0.0431	0	0.0056
0.0364	0.0088	0.0237	0.0616	0.0054	0.0362	0	0.008	0.0237
0	0.0204	0.0701	0.0042	0.0282	0.0436	0	0	0
0.0042	0.0407	0.0439	0.0449	0.0736	0.1119	0.0381	0.0785	0.0553
0.0377	0.0692	0.0511	0.011	0.1337	0.1391	0.0316	0.0643	0.0531
0.0679	0.1348	0.1367	0.2046	0.0411	0.1461	0.1969	0.069	0.0883
0.0016	0.0153	0	0.0461	0	0.0269	0.0239	0	0.0211
0	0	0	0.0101	0	0.0298	5.00E-04	0	0.0149
0.4311	0.6541	0.5955	0.4696	0.5756	0.6021	0.5329	0.5442	0.3425
0.0027	0.0031	0.0064	0.0133	0.008	5.00E-04	0.0168	0.0126	0
0.4338	0.6571	0.6019	0.4829	0.5836	0.6026	0.5497	0.5568	0.3425

GSM110104	GSM110104	GSM110104	GSM110104	GSM110104	GSM110104	GSM110104	GSM110104	GSM110105
0.0195	0	0.0184	0	0.0083	0.0162	0	0.0176	0.0016
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1026	0.2587	0.126	0.0874	0.2002	0.137	0.1896	0.1976	0.2087
2.00E-04	0.0343	0	0	0	0	0	0.0022	0
0.0994	0.1395	0.1416	0.1454	0.149	0.156	0.1754	0.1319	0.1428
0.0836	0.1019	0.0637	0.0761	0.1305	0.0497	0.0893	0.0849	0.0794
0.0577	0.0516	0.0203	0.0547	0.0587	0.0606	0.0542	0.0948	0.0239
0.149	0.1667	0.1975	0.1556	0.2389	0.2312	0.2315	0.1896	0.1963
0.0471	0.0586	0.0608	0.0838	0.0439	0.0314	0.0518	0	0.0826
0.0581	0.0776	0.094	0.1311	0.1599	0.0908	0.1435	0.0617	0.1747
0.0302	0.022	0.043	0.0638	0.0805	0.0431	0.0653	0.0294	0.0897
0.007	0	0.0122	0.0776	0.0396	0.0748	0.0831	0.0382	0.0325
0.0509	0.0469	0.0852	0.0291	0.0907	0.0367	0.0756	0.0559	0.0603
0.0288	0.0791	0.0969	0.0634	0.0995	0.1134	0.0972	0.09	0.0924
0	0.0794	0	0	0	0.0337	0.011	0.0451	0
0	0	0.0067	0	0	0	0	0	0
0.1108	0.1106	0.0453	0.1042	0.1274	0.0975	0.0844	0.1151	0.0535
0	0.0217	0	0	0	0.0157	0	0.0266	0
0.0016	0	0	0.0138	0	0.0078	0.0056	0.0018	0
0.2252	0.2085	0.2468	0.2598	0.097	0.3029	0.2275	0.1428	0.1699
0.0703	0.0544	0.0247	0.0567	0.0466	0.0438	0.0134	0.0577	0.0423
0.1334	0.1077	0.0894	0.0795	0.1589	0.0252	0.0454	0.0575	0.0714
0.0645	0	0.0265	0	0.0199	0.0138	0.0121	0.0786	0
0	0.0355	0	0	0	0.0385	0.0078	0	0
0.0593	0.0031	0.0333	0	0.0679	0	0.0075	0.0249	0.0273
0.0112	0	0.0067	0.0037	0.0126	0.0058	0.012	0.0116	0.014
0.0127	0	0.0034	0.008	0.0156	0.0045	0	0.0167	0.0069
0	0	0	0	0	0.0199	0.0201	0	0
0.0106	0.1514	0.0226	0.0164	0	0.0284	0.0683	0.02	0.0056
0.0785	0.1861	0.0623	0.2602	0.1466	0.0371	0.1261	0.0489	0.1781
0.0367	0.0728	0.0347	0.0272	0.0022	0.0653	0.0753	0.0517	8.00E-04
0.0177	0	0.0116	0	0.0108	0.0219	0.0318	0.0072	0
0.071	0.0141	0.0036	0	0	0.0054	0	0.0811	0
0	0.0165	0.0034	0	0.0025	0.0104	0.0018	0.0187	0.0059
0.2344	0.1764	0.197	0.1137	0.1652	0.2303	0.2865	0.1202	0.2174
0.0123	0.0248	0.0243	0.0274	0.0365	0.0207	0.0177	0.0271	0.0311
0.033	0.0988	0.0425	0.0213	0.0858	0.0246	0.058	0.0818	0.0922
0.0135	0	0	0	0.0028	0	0	0.0153	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.008	0	0.0066	0	0.013	2.00E-04	0	0.0197	0.0013
0.0553	0	0.1095	0.0539	0.0891	0.1236	0.1067	0.0682	0.0589
0.3989	0.2863	0.0727	0.2705	0.1769	0.1313	0.04	0.2939	0.1706
0	0	0.0102	0	0.0055	3.00E-04	6.00E-04	0.0037	0.0022
0.0439	0.0186	0.0316	0.0879	3.00E-04	0.0148	0	0.0682	0.0214
0.1786	0.2609	0.173	0.2693	0.1678	0.2502	0.278	0.0585	0.1662
0.0662	0.0247	0.0367	0.0547	0.0367	0.0473	0.0327	0.059	0.0272
0.0697	0.0533	0.0234	0.0308	0.0627	0.052	0.0977	0.0058	0.023
0.1481	0.1116	0.157	0.0726	0.1326	0.1374	0.1743	0.0449	0.1522
0.0673	0.0518	0.0723	0.0355	0.0609	0.0981	0.0926	0.0646	0.0791

0.0031	0.0036	0.006	0.0041	0.0045	0.0049	0.0019	0.0045	0.004
0.0325	0	0	0	0.0042	0	0	0	0
0.0249	0.0355	0.1699	0	0.148	0.18	0.1516	0.0952	0.0929
0	0	0	0	0	0	0.0125	0	7.00E-04
0.195	0.1985	0.1075	0.1789	0.1459	0.1578	0.2034	0.1396	0.1486
0	0.0062	0.0366	0.0125	0.0171	0.0588	0.0314	0.0226	0.0342
0	0.0319	0.0194	0.017	0.0127	0.0654	0.0435	0.0733	0.0582
0.0087	0.002	0	0.0114	0.0345	0.0094	0.0232	0.029	0.0133
0.0148	0.0286	0.0081	0	0.0324	0.0234	0.0086	0.0183	0.0356
0.0287	0.0321	0.006	0.0169	0.008	0.0228	0.0059	0.0331	0.0127
0.1081	0.0296	0.0431	0.0873	0.0598	0.0738	0.0687	0.0819	0.0617
0.0749	0.0508	0.0328	0.1052	0.0415	0.0477	0.0633	0.0352	0.0496
0.0386	0.2038	0.1272	0.0649	0.1439	0.1095	0.1267	0.1642	0.1877
0.0389	0	0.0146	0	0.0591	0	0.027	0.0157	0.0095
0	0	0	0	0	0	0.009	0	0.0055
0.4141	0.5426	0.5251	0.5285	0.4668	0.611	0.6132	0.5116	0.5221
0.0428	0	0.0224	0.0069	0.0141	0.0189	0.0088	0.049	8.00E-04
0.4569	0.5426	0.5475	0.5354	0.4809	0.6299	0.622	0.5606	0.5229

GSM110105	GSM110105	GSM110105	GSM110105	GSM110105	GSM110105	GSM110105	GSM110105	GSM110105	GSM110105
0.0064	0.0104	0.0204	0	0.0068	0.0148	0.0084	0.0162	0.0191	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0.1909	0.1461	0.1463	0.0784	0.0254	0.2192	0.2168	0.0489	0.2419	
0	0	0	0.0307	0	0.0367	0	0	0.0189	
0.1179	0.1073	0.0921	0.0469	0.0377	0.1412	0.1223	0.1921	0.1108	
0.0702	0.046	0	0.0473	0.05	0.1121	0.0603	0.0795	0	
0.0705	0.0329	0.0554	0.0126	0.0304	0.0704	0.0342	0.0575	0.0156	
0.1405	0.1866	0.1463	0.1254	0.105	0.1777	0.1846	0.2303	0.1606	
0.0681	0.0111	0.0164	0.0397	0.0158	0.0719	0.0449	0.0877	0.0586	
0.1487	0.1202	0.1286	0.0934	0.0756	0.0822	0.109	0.1798	0.176	
0.1006	0.0829	0.0702	0.0421	0.0513	0.0382	0.0654	0.1264	0.1182	
0.1155	0.0775	0.0895	0	0	0.0837	0.0387	0.0537	0.0518	
0.0489	0.0526	0.0527	0.1031	0.0507	0.0481	0.063	0.0602	0.0518	
0.0919	0.1495	0.0879	0.0176	0.0399	0.0718	0.0672	0.1429	0.1153	
0	0.0196	0.0066	0	0	0	0	0	0	
0	0	0	0.0526	0.0209	0	0.0057	0	0.0153	
0.1163	0.0669	0.049	0.1114	0.0587	0.0925	0.1336	0.035	0.0923	
0	0	0.0048	0	0	0.0103	0.0093	0.023	0	
0.0136	0.0014	0.0035	0.0304	0.0073	0.0218	0.0109	0.0195	0	
0.0964	0.2324	0.1518	0.2446	0.2327	0.1007	0.072	0.111	0.1081	
0.0518	0.0336	0.0547	0.0569	0.0701	0.0477	0.0514	0.0213	0.0326	
0.0985	0.0415	0.0553	0.1751	0.106	0.052	0.063	0.1211	0.0531	
0	0.0234	0.0023	0	0	0	0	0.0303	0	
0	0	0	0	0	0	0	0.0045	0	
0	0	0	0.0185	0	0	0.0013	0	0.0422	
0.0118	0.0152	0.0154	0.0121	0.0154	0.0081	0.0153	0.0156	0.0012	
0.003	0	0	0.0072	0.0299	0.008	0.0015	0	0	
0.0792	0.0068	0	0	0	0.0998	0.0132	0.0213	0	
0.0116	0	0.071	0.0047	0	0.0639	0.0045	0.0146	0	
0.1631	0.0948	0.1626	0.012	0.1586	0.1922	0.1788	0.1649	0.0294	
0.0411	0.0762	0.086	0.0177	0.0396	0.0474	0.0626	0.1013	0.0251	
0.0248	0.0302	0.0221	0.0098	0.0109	0.0163	0.0379	0.0443	0.0031	
0	0.0144	0.0397	0.0207	0.0245	0	0.0236	0.0383	0	
0.0104	0	0.0038	0.0157	0	0.0145	0.0023	0	0.0047	
0.1903	0.1757	0.0769	0.2573	0.2683	0.2094	0.1949	0.1528	0.1565	
0.0205	0.0186	0.0223	0.0177	0.0272	0.0239	0.023	0.0154	0.0244	
0.0558	0.034	0.0652	0	0.0145	0.1129	0.0769	0.0046	0.1039	
0	0	0	0	0.01	0.0122	0	0	0	
0	0	0.0329	0	0	0	0.001	0	0	
0	0.0102	0	0.0054	0	0	4.00E-04	0.0041	0.0121	
0.1324	0.1227	0.1073	0.0016	0	0.0524	0.0696	0.0409	0.0811	
0.2365	0.1515	0.2596	0.3525	0.3541	0.2139	0.2326	0.0773	0.1605	
5.00E-04	0	3.00E-04	0.0022	0.0012	8.00E-04	0	0.0075	0.0058	
0.0247	0.0446	0.0768	0.0741	0.0659	0.0527	0.0605	0.0153	0.0554	
0.2971	0.2244	0.2604	0.0561	0.1523	0.3071	0.2273	0.3362	0.1706	
0.0411	0.0547	0.052	0.0111	0.0502	0.0525	0.0456	0.0498	0.0165	
0.0803	0.1047	0.005	0.0398	0.0264	0.0446	0.0685	0.1081	0.026	
0.1225	0.1311	0.0358	0.1513	0.157	0.1356	0.0899	0.1098	0.1057	
0.0761	0.0959	0.056	0.0274	0.0188	0.0417	0.0779	0.0922	0.0863	

0.0036	0.0024	0.0034	0.0038	0.003	0.0058	0.0016	0.0038	0.0032
0	0.0025	0	0.0074	0.0042	0.0019	0.0021	0	0
0.0927	0.1675	0.0717	0.0841	0.0376	0.0561	0.0794	0.1472	0.1379
0	0.0443	0.0032	0	0	0	0	0.0011	0
0.2593	0.1398	0.1498	0.0869	0.1098	0.1972	0.1759	0.2303	0.1272
0.0046	0.1335	0.0244	0.0518	0.0288	0.021	0.0578	0.0487	0.0563
0	0.0191	0.0742	0	0	0.0079	0.0297	9.00E-04	0.0072
0.012	0.0062	0	0.0048	6.00E-04	0.0527	0.0348	0.0278	0.0224
0.0258	0.0072	0.0506	0	0	0.053	0.0189	0.0511	0.0209
0.0162	0	0.0172	0.0032	0.0041	0	0.0161	0	0
0.0694	0.0723	0.0424	0.0756	0.0882	0.0754	0.0767	0.0574	0.0103
0.099	0.0498	0.0707	0.0863	0.079	0.1018	0.0632	0.0708	0.0359
0.1448	0.0966	0.1464	0.021	0.0216	0.1805	0.155	0.019	0.2047
0.0382	0.0102	0.014	0	0	0.0214	0.047	0.0566	0.0426
0.0154	0.0015	0	0	0	0.0047	0	0	0.0033
0.5083	0.5663	0.5536	0.3816	0.3179	0.4804	0.4836	0.4749	0.5354
0.01	0.0176	0.0131	0.0152	0.007	0.0183	0.0096	0.033	0.0096
0.5183	0.5839	0.5667	0.3968	0.325	0.4987	0.4932	0.5079	0.5449

GSM110106	GSM110106	GSM110106	GSM110106	GSM110106	GSM110106	GSM110106	GSM110106	GSM110106
2.00E-04	0	0	0.004	0.0186	0.0035	0.0192	0.0059	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1424	0.1222	0.2215	0.0668	0.1547	0.1594	0.1869	0	0.2293
0	0	0.0747	0.0318	0	0	0.006	0.021	0
0.0417	0.1329	0.1171	0.0689	0.1897	0.1262	0.1071	0	0.1927
0.0544	0.0614	0.0313	0	0.1134	0.0074	0	0	0.0801
0.0332	0.0837	0.0193	0.0053	0.1032	0.0169	0.0221	0	0.0805
0.1166	0.2324	0.149	0.1121	0.2556	0.1677	0.1972	0	0.2554
0	0	0.0727	0.0402	0.0567	0.0834	0	0	0.0534
0.0638	0.1198	0.0974	0.0865	0.1235	0.1697	0.1107	0	0.124
0.0135	0.0763	0.0558	0.0247	0.0798	0.1119	0.0751	0	0.0914
0	0.0568	0.0406	0.1272	0.1014	0.1357	0.0877	0.0761	0.0692
0.0567	0.0446	0.0621	0	0.0262	0.0231	0.0257	0	0.0475
0.0828	0.104	0.1093	0.0975	0.1113	0.0971	0.1236	0	0.1312
0.01	0	0	0.0626	0	0	0.0528	0.1552	0
0	0	0.0415	0	0	0	0.0451	0.0417	0
0.0731	0.0628	0.1235	0.0479	0.1319	0.092	0.0607	0.0666	0.0821
0	0.009	0	0.0407	0.0097	0.0034	0	0	0.0074
0.0172	0.0092	0	0.0178	0	0.0045	0	0	0
0.2382	0.0352	0.1305	0.3397	0.1872	0.116	0.2051	0.2805	0.0524
0.0536	0.0431	0.055	0.0543	0.0297	0.0377	0.0229	0.0314	0.0284
0.0789	0.0881	0.0546	0.0969	0.0488	0.0098	0	0.1171	0.0275
0.0073	0.0363	0.0023	0.0267	0	0.0021	0	0	0
0	0	0	0.0109	0	0	0.0665	0	0.0071
0	0.0189	0.01	0.0057	0.0353	0	0.019	0	0.0097
0.0151	0.0027	0	0.004	0.0102	0.0149	0.0118	0	0.0182
0	0.0041	0.0103	0.006	0.0061	0.0035	0	0.0167	0.0016
0	0	0	0.0794	0.0138	0.0678	0	0	0.0274
0.0196	0	0	0.0777	0.0147	0.0373	0.1369	0.3655	0
0.1671	0.1543	0.1853	0.2042	0.1947	0.1878	0	0.1165	0.1367
0.0345	0.0557	0.0703	0.0585	0.0364	0.0703	0.0557	0.0744	0.0883
0.0025	0.0411	0.0393	0.0213	0.02	0.0279	0.0229	0.0171	0.0509
0.0319	0.0028	0.0406	0.0236	0	0.0133	0.0205	0.0168	0.0136
0.005	0	0.0069	0.0185	0	0.0083	0.0079	0.0051	0.0033
0.2533	0.2854	0.1339	0.0042	0.1784	0.1648	0.099	0.2648	0.2782
0.0285	0.0174	0.0343	0.0268	0.0176	0.0229	0.0159	0.0228	0.0153
0.0592	0.0601	0.0993	0.0279	0.0576	0.0516	0.0493	0	0.1075
0	0	0	0.004	0.0045	0	0	0.0246	0
0	0.0011	0	0	0	0	0	0	0
0	0.007	0	0.0011	0	0	0.0071	0.0014	0
0	0.1515	0.1015	0.1912	0.1173	0.1298	0.1853	0.0659	0.126
0.3106	0.1625	0.2051	0.2547	0.0799	0.1461	0.0405	0.3642	0.0273
0	0.0023	0	0	0	0	0.0047	0.003	0.0012
0.0681	0.0225	0.0185	0.0312	0.0133	0.044	0.0616	0.1105	0.005
0.1745	0.2373	0.2343	0.2971	0.2469	0.2813	0.2333	0.0695	0.282
0.0573	0.0422	0.0442	0.0637	0.0511	0.0494	0.0051	0.0453	0.0309
0	0.0871	0	0.0056	0.0511	0.0975	0.0209	0.0363	0.0706
0.1508	0.1836	0.0877	0	0.1146	0.121	0.0737	0.1081	0.1535
0.0379	0.0894	0.0588	0.056	0.0821	0.0749	0.098	0	0.0861

0.0015	0.0044	0	0.0052	0.0037	0.0022	0	0.0028	0.003
0.01	3.00E-04	0	0.017	0	0	0	0.0074	0
0.0624	0.1724	0.0919	0.0078	0.1197	0.0972	0.1353	0	0.1904
0	0	0	0	0	0.0268	0.0196	0	0.0024
0.1823	0.1968	0.1925	0.2093	0.2265	0.2406	0.1182	0.1462	0.2112
0.0126	0.0504	0	0.0093	0.0158	0.0161	0.0862	0.0109	0.0128
0.0076	0.0331	0	0.0494	0.0256	0.0268	0.0303	0	0.0282
0.002	0.0181	0.0198	0.0211	0.004	0.0178	0.0099	0	0.0287
0.0369	0.0566	0	0.0785	0.04	0.043	0.0115	0	0.0522
0	0.0137	0.0097	0.0477	0.0419	0	0	0	0
0.0876	0.0725	0.065	0.0519	0.06	0.0561	0.0111	0.0671	0.0406
0.0813	0.069	0.0709	0.0919	0.0876	0.083	0	0.078	0.029
0.1285	0.0749	0.1776	0.0435	0.0969	0.1031	0.1669	0	0.1319
0.02	0.0633	0.0616	2.00E-04	0.0505	0.0347	0.0169	2.00E-04	0.0543
0	0	0	0	0.0165	0	0.0245	0.0488	0.0174
0.3958	0.4333	0.5091	0.6013	0.5545	0.5514	0.6135	0.3576	0.5523
0.0124	0.0228	0.0012	0.0242	0.0093	0.005	0.0096	0.003	0
0.4082	0.456	0.5103	0.6256	0.5638	0.5564	0.6231	0.3606	0.5523

GSM110106	GSM110107	GSM110107	GSM110107	GSM110107	GSM110107	GSM110107	GSM110107	GSM110107
0	0	0.0423	0.0236	0.0267	0	0	0	0.0046
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.223	0.1827	0.0897	0.0848	0.182	0.0754	0.1132	0.2613	0.0802
0	0	0.048	0	0	0	0	0	0.0059
0.0764	0.2088	0.0928	0.1984	0.1834	0.0538	0.1214	0.1477	0.1241
0.0493	0.0745	0.0764	0.0875	0.0713	0.0408	0.0676	0.0679	0.0451
0.061	0.0397	0.0261	0.0616	0.0589	0.0098	0.0287	0.0224	0.0704
0.1011	0.2655	0.1384	0.28	0.2469	0.0673	0.1844	0.2068	0.2016
0.0414	0.0726	0.0277	0.0769	0.061	0.0204	0.0149	0.0668	0.0416
0.1039	0.1938	0.1327	0.1541	0.1598	0.0373	0.1832	0.1716	0.1067
0.0305	0.1318	0.058	0.105	0.0906	0.0112	0.1041	0.1292	0.0644
0.1116	0.0948	0.0627	0.1124	0.0676	0.01	0.1244	0.1138	0.0846
0.033	0.0603	0.0812	0.0166	0.0529	0.0655	0.0397	0.0504	0.0388
0.0713	0.0989	0.09	0.1149	0.1207	0.0414	0.1058	0.1007	0.1133
0	0	0.0326	0	0	0	0.0122	0	0
0	0.0538	0	0.0286	0	0	0	0.0214	0
0.0928	0.1187	0.0851	0.0536	0.0818	0.0937	0.1025	0.1268	0.0728
0.026	0.0112	0	0.0107	0.0081	0.0102	0.0244	0.0089	0.0061
0.0105	0.0092	0.0157	6.00E-04	0.0214	0	0.0044	0.0064	0.0056
0.1718	0.0251	0.2115	0	0.1175	0.4771	0.3174	0	0.1829
0.0536	0.0389	0.0377	0.0366	0.0267	0.0661	0.0333	0.0339	0.0342
0.168	0.0413	0.0789	0.089	0.0852	0.137	0.0395	0.1924	0.0391
0.0232	0.0042	0.0014	0.0219	0.0123	0.0026	0.012	0.0365	0.0375
0	0	0	0	0	0	0.0179	0	0
0	0.0279	0.0013	0.0278	0.0204	0	0.0085	0.0167	0
0.0086	0.013	0.0149	0.0168	0.0139	0	0.0111	0.0173	0.0058
0.0024	0.0088	0.0058	0.0106	0	0	0	0	0.0115
0.0335	0	0.016	0	0	0	0.0336	0.0069	0
0.0445	0.0466	0.0962	0	0.0127	0.0396	0.0219	0	0.0041
0.2584	0.0975	0.0834	0.0914	0.0576	0.1484	0.1205	0.0911	4.00E-04
0.0463	0.0452	0.0665	0.0579	0.0341	0.021	0.0447	0.0338	0.0597
0.0221	0.02	0.025	0.0274	0.0192	0	0.012	0.0253	0.029
6.00E-04	0.0117	0.0275	0	0	0	0	0.0234	0.0154
0.0139	5.00E-04	0.0165	0	0.001	0.0088	0.0128	0	0.0074
0.1283	0.1866	0.3372	0.1769	0.1489	0.1934	0.1837	0.0419	0.2829
0.0263	0.0122	0.0219	0.0365	0.0271	0.0272	0.0212	0.0261	0.0201
0.1064	0.0608	0.0148	0.0304	0.0643	0	0.0186	0.1057	0
0.0051	0	0	0	0	0	0	0	0.0037
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0.0086	0	0.0044	0.0052	0.0035	0.0135
0.1031	0.1017	0.0484	0.1546	0.0904	0.0075	0.1184	0.1853	0.1983
0.3106	0.1147	0.1449	0.0707	0.0684	0.3474	0.1565	0.1141	0.1205
0	0.0047	0	0.0086	0.0069	0	0.0032	0.0089	0
0.0442	0.0221	0.0414	0.0176	0.0367	0.0575	0.018	0.0112	0.0058
0.2602	0.2093	0.2567	0.1973	0.2401	0.1767	0.2422	0.2576	0.1974
0.051	0.0167	0.0647	0.0244	0.0407	0.0374	0.0484	0.0386	0.0449
0.0354	0.059	0.0538	0.027	0.0389	0.0462	0.0604	0.0777	0.036
0.0708	0.0926	0.2112	0.1029	0.1036	0.1144	0.1019	0.0193	0.1641
0.0375	0.0985	0.0579	0.103	0.0974	0.0149	0.0574	0.1033	0.0894

0.0049	0.0028	0.0044	0.0035	0.0031	0.0036	0.0017	0.0028	0.003
0	0	0.01	0	0	0	0	0	0.0029
0.0055	0.1175	0.1088	0.1672	0.1788	0.0378	0.1373	0.1047	0.1835
0	0.025	0	0.0119	0.0059	0	0.0135	0	0.0165
0.2037	0.1096	0.2559	0.1409	0.1546	0.1781	0.1957	0.2033	0.1435
0.0058	0.0563	0.0163	0.0408	0.0599	0	0.0278	0.0807	0.0475
0	0.094	0.0085	0.0317	0.0385	0.0114	0.0452	0	0.0204
0.0227	0.0407	0.0035	0.0426	0.023	0	0	0.0501	0.0183
0.0525	0.0416	0.0362	0.0497	0.0325	0	0.0488	0.0379	0.0253
0.057	0.0091	0	0	0.0068	0.0809	0.0549	0.0046	0.0381
0.0564	0.0698	0.0278	0.0553	0.0571	0.0723	0.0336	0.072	0.0615
0.0958	0.0785	0.0931	0.0295	0.0478	0.079	0.0698	0.0711	0.067
0.1799	0.1373	0.0548	0.0786	0.1532	0.065	0.0583	0.1956	0.0685
0.024	0.0656	0.0189	0.0502	0.0396	0	0	0.0787	0.0204
6.00E-04	0.0188	0	0	0	0	0	0.0366	0
0.5391	0.5274	0.4663	0.4521	0.542	0.4991	0.6357	0.5465	0.5141
0.0168	0.0067	0.0297	0.023	0.0302	0.0013	0.0082	0.0214	0.0238
0.5559	0.5341	0.496	0.4751	0.5722	0.5004	0.6439	0.568	0.538

GSM110107	GSM110107	GSM110108	GSM110108	GSM110108	GSM110108	GSM110108	GSM110108	GSM110108
0.0025	0	0	0	0.0117	0.012	0	0	0.0218
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1494	0.2311	0.3295	0.1686	0.1542	0.0693	0.0064	0.1738	0.2708
0.0211	0.0122	0.0413	0	0	0.0675	0	0.049	0.0136
0.1741	0.1489	0.1862	0.1289	0.162	0.0823	0.0283	0.116	0.1578
0.0134	0.0335	0.0824	0.0552	0.0378	0.0531	0.0141	0	0.0584
0.0352	0.089	0.0651	0.0266	0.0548	0.0538	0.0159	0.0167	0.0064
0.2544	0.2137	0.2751	0.1614	0.2278	0.1433	0.1014	0.1631	0.2044
0.0337	0.0458	0.0532	0.0497	0.0399	0.005	0	0.0152	0.0725
0.1229	0.088	0.1512	0.1746	0.1285	0.1133	0.0416	0.1762	0.1339
0.1119	0.0583	0.1246	0.1069	0.0893	0.0766	0.0295	0.1386	0.1141
0.0728	0.0284	0.0567	0.1761	0.0704	0.0598	0	0.1943	0.0064
0.0315	0.0513	0.0197	0.0223	0.0546	0.0656	0.0414	0.0264	0.0748
0.1042	0.1063	0.1171	0.1038	0.0933	0.0758	0.0476	0.1013	0.1162
0.0214	0	0	0	0	0	0.0328	0	0
0.007	0.0681	0	0	0.0469	0	0.0484	0	0
0.0847	0.1607	0.1677	0.0851	0.0731	0.0922	0.0569	0.0688	0.1331
0	0.001	0.0427	7.00E-04	0.013	0	0	0.0325	0.0122
0.0074	0	0	0	0	0.0162	0.0106	0	0.0018
0.2142	0.0688	0.0084	0.21	0.1099	0.0978	0.2851	0.3068	0.0729
0.045	0.0387	0.0287	0.0436	0.0144	0.0624	0.0462	0.0539	0.0404
0.081	0.0291	0.0859	0.0965	0.1808	0.1148	0.0579	0.0682	0.1012
0.0279	0.0089	0.0169	0.0201	0.0167	0.0143	0.026	0	0
0.022	0	0	0	0	0	0.0097	0	0
0.0077	0	0.0066	0	0.0262	0	0.011	0	0.0288
0.0189	0.0128	0.0202	0.0087	0.0116	0.0107	0.0015	3.00E-04	0.0082
0.0053	0.0165	0.0064	0	0.0029	0.0061	0.0035	0	0.0064
0.0067	0	0	0.0542	0	0	0	0.0534	0.016
0.0077	0	0.1119	0.0826	0	0.0151	0.1428	0.0211	0
0.0161	0.103	0.2042	0.1779	0.1196	0.1703	0	0.2083	0.0801
0.0263	0.0439	0.0096	0.0478	0.0451	0.0681	0.0803	0.0201	0.0408
0.0236	0.0185	0.02	0.0263	0.0242	0.0204	0.0198	0.0073	0.0162
0.0095	0.0454	0.0082	0	0.025	0.0333	0.0328	0	0.0129
0.016	0.0012	0.019	0.0073	0.0068	0	0.0101	0.0158	0.0185
0.1258	0.1903	0.2031	0.1704	0.076	0.3102	0.2604	0.2334	0.1449
0.0194	0.0321	0.0225	0.0175	0.0259	0.0281	0.01	0.025	0.0245
0.0293	0.0974	0.1336	0.0469	0.0571	0.004	0	0.0519	0.1132
0	0.0074	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0211	0.004	0	0	0.0091	0	0.0069	0	0.0082
0.1386	0.1206	0.0901	0.156	0.1491	0.0389	0.057	0.1788	0.0701
0	0.1541	0	0.2033	0.012	0.2598	0.316	0.1668	0.1218
0.0012	0.0047	0	0.0016	0.0012	0	0	0	0.0051
0.0161	0.0419	0	0.0118	0.0365	0.0561	0.1063	0.002	0.0624
0.1963	0.1701	0.2382	0.2811	0.2053	0.2679	0.1064	0.2446	0.2323
0.0179	0.0277	0.04	0.0627	0.0418	0.0568	0.0273	0.0434	0.0087
0.0684	0.0482	0.0711	0.0851	0.0377	0.1136	0.0079	0.0496	0.0332
0.0815	0.1307	0.1265	0.1017	0.068	0.1951	0.1678	0.0947	0.0778
0.1004	0.081	0.0877	0.0667	0.0759	0.057	0.0542	0.0584	0.0924

0.0037	0.003	0.0059	0.004	0.0046	0.0042	0.004	8.00E-04	0.0022
0.0019	0.0035	0	0	0	0	0	0	0
0.1775	0.1129	0.1223	0.1322	0.1375	0.09	0.0858	0.0883	0.126
0.0479	0	0.0203	0.0229	0.0076	0	2.00E-04	0.047	0
0.1674	0.1307	0.1808	0.2942	0.1097	0.2448	0.0532	0.279	0.1518
0.0547	0.0307	0.0632	0.0272	0.0473	0.0251	0.0517	0.0655	0.044
0.0446	0.027	0.0443	0.0298	0.037	1.00E-04	0.0262	0.0688	0.0493
0.0232	0.0296	0.0643	0.0418	0.0261	0.0234	0	0.0065	0.0344
0	0.0276	0.0786	0.0354	0.0231	0.0138	0.0284	0.0089	0.0204
0	0	0.0379	0.0066	0.0108	0.0029	0	0.0854	0.0094
0.0168	0.0412	0.054	0.05	0.0645	0.0613	0.0786	0.0532	0.0494
0.0351	0.0565	0.0382	0.0858	0.0381	0.0759	0.0556	0.0793	0.0403
0.132	0.1556	0.2204	0.1353	0.1412	0.0045	0.0278	0.133	0.2144
0	0.067	0.0714	0.0091	0.0748	0.0172	0.0047	0	0.0706
0	0.0182	0.0899	0.0236	0	0	0	0.0073	0.0233
0.5717	0.4969	0.5578	0.6038	0.5367	0.3505	0.4101	0.6813	0.5596
0.0189	0.0044	0.0084	0.01	0.0142	0.0212	0.0183	0	0.0118
0.5906	0.5014	0.5662	0.6138	0.5509	0.3718	0.4284	0.6813	0.5714

GSM110108	GSM110108	GSM110108	GSM110109	GSM110109	GSM110109	GSM110109	GSM110109	GSM110109
0.0365	0.0062	0.0263	0	0	0.0131	0.0096	0.0135	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0.1353	0.1573	0.1702	1.00E-04	0.2171	0	0.1133	0
0.0147	0.0269	0	0	0	0	0	0	0.0362
0.0105	0.1001	0.124	0.1481	0.1369	0.2055	0.1092	0.1857	0.0143
0	0.0533	0.0607	0	0.0408	0.0773	0.0716	0.0621	0
0	0.0814	0.0731	0.015	0.0379	0.0883	0	0.0303	0
0.0104	0.1314	0.1621	0.1829	0.1848	0.286	0.1708	0.2189	0.0199
0	0	0.0318	0.0881	0.0873	0.0292	0.0043	0.1086	0.0033
0.0574	0.0458	0.1023	0.1758	0.0887	0.1395	0.1493	0.1819	0.082
0.0603	0.0229	0.0541	0.1263	0.0683	0.0714	0.1041	0.1211	0.0571
0.0761	0.0828	0.065	0.1352	0	0.0506	0.0879	0.0036	0.0165
0.0571	0.0365	0.0323	0.0426	0.0444	0.0807	0.0768	0.0713	0.0787
0	0.0911	0.076	0.1134	0.0915	0.079	0.0715	0.1171	0.0063
0.0812	0.0067	0	0	0.0221	0	0.0903	0.0523	0.0424
0.0352	0	0	0	0.0327	0.0465	0.0037	0	0.0348
0.0447	0.1372	0.0893	0.0903	0.0218	0.1417	0	0.0765	0.0153
0	0	0	0.0205	0	0.0054	0	0	0
0.0029	0	0	0.0186	0	0.03	0	0	0
0.2613	0.2565	0.2649	0.0646	0.2108	0.0478	0.2443	0.162	0.2313
0.0532	0.0477	0.0535	0.0274	0.0446	0.0319	0.0399	0.0337	0.0598
0.2327	0.0858	0.1353	0.0081	0.0821	0.0659	0.0477	0.0316	0.14
0.0017	0	0	0.0242	0	0.0363	0	0	0
0	0.003	0	0	0.006	0	0.0273	0.0177	0
0	0	0	0	0	0.0523	0	0.0163	0
0.0095	0.0142	0.0092	0.0159	0	0.0261	0.0067	0.0075	0.0036
0.0098	0	0	6.00E-04	0.0085	0.0034	0.0074	0	0.0069
0	0.0386	0.0173	0.0611	0	0	0	0	0
0.16	0.0308	0.0182	0.0401	0.0367	0	0.1111	0.0783	0.1459
0.1943	0.2301	0.1927	0.1521	0.04	0.0299	0.1169	0.0774	0.1788
0.1001	0.0876	0.0553	0.0709	0.0653	0.0134	0.0464	0.0541	0.0728
0.0159	0.0373	0.0215	0.0391	0.0302	0.0127	0.0162	0.029	0.0206
0.0088	0.0467	0.012	0.0167	0.035	0.018	0.014	0	0.041
0.0176	0.0149	6.00E-04	0	0.0075	0	0.0159	0.0032	0.0115
0.2277	0.1203	0.1038	0.1511	0.2302	0.0803	0.2345	0.2526	0.2091
0.0167	0.0125	0.0243	0.0184	0.0285	0.0278	0.0195	0.0317	0.0303
0	0.0376	0.0545	0.0616	0	0.095	0	0.0206	0
0	0.0047	0	0	0	0.007	0	0	0.0148
0.0101	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0.007	0.0059	0.0018	0.0017	0
0.0781	0.0827	0.0313	0.1063	0.081	0.0598	0.0976	0	0.0057
0.1935	0.2908	0.2923	0.1154	0.2002	0.1417	0.2577	0.2031	0.4133
0.0032	0	0	0.0047	0.0039	0.0058	0	0.0019	0
0.0838	0.0569	0.0804	0.0234	0.0477	0.0969	0.0926	0.0384	0.1189
0.157	0.2861	0.2774	0.3125	0.2236	0.134	0.2057	0.2255	0.1842
0.0631	0.045	0.0601	0.0457	0.0315	0.029	0.0499	0.03	0.0562
0.0862	0.0575	0.0285	0.0777	0.0243	0.0409	0	0.0366	0.049
0.1144	0.0963	0.0383	0.1008	0.1404	0.0152	0.1129	0.1409	0.1046
0	0.0508	0.0444	0.0943	0.0655	0.0921	0.0668	0.095	0.0018

0.0019	4.00E-04	1.00E-04	0.001	0.0027	0.001	0.0038	0.0029	0.0033
0.0126	0.0103	0	0	0.0011	0	0.0035	0	0.0088
0.0049	0.0629	0.0417	0.1141	0.1889	0.0912	0.0846	0.1548	0
0	0	0	0.0483	0.0079	0	0	0.0127	0
0.2034	0.2016	0.2098	0.2646	0.1169	0.1143	0.2281	0.1567	0.1428
0.0194	0.0189	0.0104	0.0447	0.0311	0.058	0.0183	0.0316	0.0239
0	0.0498	0.0289	0.0163	0.0415	0.0648	0.0517	0.021	0
0	0	0	0.0496	0.0202	0.0406	0.0262	0.0177	0
0	0	0.0111	0.0321	0.0143	0.0361	0	0.0037	0
0	0.023	0	0	0	0	0.0023	0	0
0.0563	0.051	0.0414	0.0599	0.0308	0.0637	0.0513	0.069	0.0695
0.067	0.0974	0.0774	0.0616	0.0415	0.0389	0.0709	0.057	0.0747
0	0.0914	0.1377	0.1275	0	0.1542	0	0.0757	0
0	0.0291	0.0055	0.0453	0.0234	0.0463	0	0.0173	0
0	0	0	0.0273	0	0.0058	0	0	0
0.4126	0.5199	0.5441	0.5199	0.4253	0.5236	0.5035	0.4924	0.3577
0.0206	0.0031	0.0132	0.0214	0	0.0397	0.0048	0.0068	0
0.4332	0.523	0.5572	0.5413	0.4253	0.5633	0.5083	0.4992	0.3577

GSM110109	GSM110109	GSM110109	GSM110109	GSM110110	GSM110110	GSM110110	GSM110110	GSM110110
0	0	2.00E-04	0	0	0	0.0151	0.0185	0.0127
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.2713	0.2649	0.0363	0	0.1029	0.134	0	0.2696	0.1425
0	0	0	0.0428	0.0074	0	0.0626	0	0
0.1435	0.1886	0.0927	0.0682	0.0941	0.0797	0.0264	0.138	0.1301
0.0157	0.0938	0.0337	0	0.0807	0	0	0.0883	0.068
0.0698	0.045	0	0	0.0494	0	0	0.0937	0.0255
0.2263	0.2614	0.1419	0.0774	0.144	0.0924	0.0777	0.2172	0.2167
0.0331	0.0597	0.0124	0	0.019	0.027	0	0	0
0.1359	0.2142	0.0672	0.1219	0.1123	0.1811	0.11	0.0565	0.1175
0.1014	0.1415	0.029	0.0854	0.039	0.1056	0.1177	0.0429	0.081
0.0918	0.1302	0.0046	0.1618	0.0379	0.1971	0.1798	0.0051	0.0392
0.0573	0.067	0.0949	0.017	0.0661	0	8.00E-04	0.0832	0.0874
0.1431	0.1355	0.0712	0.0598	0.0825	0.071	0.1117	0.1067	0.1066
0	0	0	0.1871	0.0294	0	0.075	0.0178	0.0274
0	0	0.049	0.0443	0	0	0	0	0.0158
0.1314	0.126	0.078	0.0117	0.0641	0.1193	0	0.0869	0.0744
0	0.0096	0	0	0	0	0	0.0061	0
0	0.0028	0.002	0	0	0.0024	0.0278	0	0
0.1715	0	0.3317	0.2992	0.2541	0.1989	0.141	0.1602	0.2315
0.0362	0	0.0511	0.0471	0.0606	0.0555	0.0337	0.037	0.0358
0.0029	0.0965	0.0533	0	0.1281	0	0.1723	0.0384	0.1555
0.035	0	0.0077	0	0.0403	0.0433	0.0363	0	0.0187
0.0083	0	0	0.0552	0	0	0.0091	0	0.0109
0	0.0126	0.0136	0	0	0	0	0	0.0205
0.0163	0.0198	0.012	0.0015	0.004	0.0092	0.0238	0.0159	0.0066
0	0	5.00E-04	0	0.0025	0.0046	0	0	0
0.0511	0.0445	0	0	0	0.0788	0	0.0301	0
0	0	0.0618	0.2488	0.0624	0	0.043	0.0629	0.0111
0	0.1071	0.0096	0.1424	0.1351	0.2669	0.1509	0.0714	0
0.0543	0.0251	0.0256	0.1102	0.0517	0.0592	0.1429	0.0655	0.0171
0.0413	0.03	0.0153	0.0213	0.0167	0.0236	0.0528	0.0356	0.0047
0.0245	0	0.0049	0.0218	0.0272	0.0416	0.0416	0.0165	4.00E-04
0.0113	0	0.0126	0.0105	0.0173	0.0049	0.003	0.0162	0.0168
0.1382	0.1556	0.2446	0.0865	0.2503	0.1246	0.0927	0.174	0.2393
0.0196	0.0247	0.0298	0.01	0.0301	0.0326	0.0298	0.0149	0.0235
0.097	0.1193	0	0	0.0178	0.0507	0	0.1182	0.0226
0	0	0	0	0	0.0053	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0.0835	0	0
0.0118	0.0039	0.0076	0	0	0	0.0091	0.0011	0.0163
0.1465	0.1589	0.0666	0.1548	0.0587	0.1465	0.1981	0.0382	0.1144
0.1221	0	0.3152	0.2585	0.2821	0.2458	0.1637	0.1483	0.1551
0	0.0136	0	0	0	0	0	2.00E-04	0
0.0012	0.0065	0.0675	0.0853	0.0412	0.046	0.0613	0.063	0.0354
0.2307	0.2831	0.1512	0.2101	0.1635	0.2762	0.26	0.2166	0.1426
0.0375	0.0185	0.0278	0.0436	0.0704	0.0748	0.0515	0.023	0.021
0.0622	0.1079	0.0771	0	0.0464	0.046	0.0182	0.0562	0.0659
0.0595	0.0911	0.1312	0.0449	0.1444	0.0659	0.0152	0.1223	0.1423
0.104	0.0929	0.06	0.0372	0.0489	0.0288	0.0442	0.0528	0.1093

0	0	0.0032	0.0011	0.0051	0.0038	0.002	0.0027	0.0027
0	0	0.0056	0.0027	0	0	0.0047	0	0
0.1712	0.2089	0.1139	0	0.1056	0.0055	0.0781	0.1432	0.1695
0.0151	0.027	0	0.0341	0	0.012	0	0	0
0.1745	0.2569	0.1639	0.1784	0.2181	0.3001	0.2575	0.1506	0.1494
0.045	0.0472	0.0565	0.0553	0	0	0	0.0257	0.0742
0.0254	0.0212	0.0683	0	0.0235	0.0271	0	0.0299	0.0587
0.0103	0.048	0	0	0	0.0046	0.0032	0.0172	0.0154
0.0215	0.0659	0	0	0.0338	0.0325	0.0253	0.0446	0.0153
0.0245	4.00E-04	0.0467	0	0.0018	0.0014	0	0.0138	0
0.0297	0.0362	0.0454	0.0317	0.0505	0.0547	0.0297	0.0443	0.0487
0.0274	0.0389	0.0571	0.0502	0.0625	0.077	0.0853	0.0468	0.0405
0.1971	0.1759	0	0	0.0821	0.1024	0	0.2116	0.1212
0.0206	0.0732	0	0	0.0082	0.0386	0.0216	0.0443	0
0	0.0136	0	0.0039	0	0	0	0.016	0
0.6237	0.5785	0.4668	0.5667	0.4882	0.5669	0.5108	0.5422	0.5369
0.0175	0.0014	0.005	0	0.0202	0.0228	0.0396	0.0092	0.0157
0.6412	0.5799	0.4718	0.5667	0.5084	0.5897	0.5504	0.5514	0.5526

GSM11011CGSM110110GSM11011CGSM110110GSM11011CGSM110111GSM110111GSM110111GSM110111								
0	0	0.0132	0.0279	0	0.0046	0	0.0059	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1916	0.2729	0.1434	6.00E-04	0.1815	0.0962	0.3313	0	0.1457
0.0611	0	0	0.0626	0	0.0414	0	0.0135	0
0.0101	0.1932	0.1447	0.0851	0.1354	0.1087	0.1934	0.0206	0.1918
0.0031	0.1174	0.0784	0	0.0857	0.06	0	0.006	0.1064
0	0.0462	0.0846	0	0.076	0.0228	0.0825	0	0.028
0	0.2395	0.2391	0.1647	0.1889	0.1696	0.2422	0.0756	0.2393
0.0037	0.1076	0.0041	0	0.0571	0.0048	0.0372	0	0.0957
0.0445	0.1838	0.0971	0.0859	0.1298	0.145	0.1244	0.0365	0.1898
0.0153	0.1139	0.0241	0.0981	0.0793	0.1019	0.1224	7.00E-04	0.1137
0.0536	0.0196	0.072	0.0754	0.0533	0.0847	0.0636	0	0.0857
0.0322	0.0576	0.0677	0.0566	0.0968	0.0828	0.0128	0.0717	0.062
0.053	0.0873	0.0789	0.0747	0.0943	0.1124	0.1507	0.0687	0.1257
0.0325	0	0	0.1792	0	0.0497	0.0126	0.2173	0
0	0	0	0.0499	0	0.0229	0	0.0223	0
0.1205	0.1148	0.127	0.0199	0.0969	0.0434	0.1035	0	0.0613
0	0	0.0016	0	0	0	0.0648	0	0.0219
0	0	0.0015	0	0.0092	0	0	0	0.007
0.2734	0.0104	0.0481	0.1935	0.107	0.2609	0.1837	0.3387	0.101
0.0655	0.0362	0.0567	0.0344	0.0409	0.0289	0.0061	0.0507	0.014
0.15	0.123	0.0574	0.1342	0.0634	0.0933	0	0.0372	0.0682
0	0	0.027	0	0	0.0052	0.0491	0	0.0123
0	0	0	0.0577	0	0	0.0108	0.0731	0
0	0.0225	0.0078	0	0	0	0	0	0.031
0	0.0173	0.0205	0.0025	0.0072	0.0067	0.014	0	0.013
0.0116	0.0094	0.0311	0.004	0.0038	0	0	0	0
0	0	0	0	0.0269	0	0.0862	0	0.0679
0.1438	0.0029	0	0.2739	0.0412	0.0173	0.0309	0.2742	0
0.3612	0.1641	0.1396	0	0.1675	0.0537	0.1161	0.097	0.0293
0.0582	0.0089	0.0457	0.0748	0.0607	0.0616	0.0534	0.09	0.0349
0.0177	0.0046	0.0201	0.0353	0.034	0.0224	0.0439	0.02	0.0152
0.0859	0	0.0378	0.0061	0.0133	0.0248	0.0032	0.0468	0
0.0236	0	0	0.016	0.0013	0.014	0.0045	0.0245	0.007
0.2284	0.1222	0.2698	0.208	0.3196	0.1773	0.051	0.2015	0.1225
0.0274	0.0276	0.028	0.0049	0.0241	0.0266	0.0205	0.0181	0.0196
0.0673	0.1381	0.0579	0	0.0636	0.0113	0.1332	0	0.0634
0.0017	0	0.0046	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0.007	0.008	0.0124	0	0.001	0	0.0082	0.0026
0.0302	0.0313	0.0566	0.1195	0.0964	0.1267	0.1146	0.05	0.096
0.2971	0.1234	0.2292	0.0875	0.1981	0.1311	0	0.2355	0.1427
0	0.0054	0.0118	0.0014	0.0019	0	0.0106	0.001	0.0077
0.0405	0.0344	0.0666	0.0824	0.0198	0.0438	0	0.0919	0.0201
0.1747	0.1963	0.1995	0.0446	0.2714	0.2152	0.3127	0.1077	0.2429
0.0637	0.0393	0.0456	0	0.0465	0.0308	0.0403	0.0044	0.0342
0.0707	0.0321	0.0655	0.0699	0.0763	0	0.0748	0.0069	0.0556
0.1625	0.0984	0.1422	0.1473	0.1846	0.1234	0.0196	0.1328	0.0857
0	0.0689	0.058	0.059	0.0702	0.0706	0.099	0.0332	0.1022

0.0032	0.0033	0.003	0.003	0.0049	0	0	0	0.0028
0.0056	4.00E-04	0.0027	0.0018	0	0.0063	0	0.0057	0
0	0.1275	0.1023	0.0755	0.1607	0.1474	0.1574	0.0463	0.208
0	0	0	0.0317	0.0142	0.0095	0.0165	0.0013	0.0315
0.1933	0.1817	0.0996	0.0853	0.2246	0.1829	0.2034	0.0891	0.198
0.0232	0.0068	0.0692	0.1464	0.0203	0.0451	0.0745	0.0735	0.0302
0.0348	0.0075	0.0806	0.0202	0.0029	0.0199	0.0489	0.0155	0.0496
0.0129	0.0027	0.0411	0.0081	0.038	1.00E-04	0.0377	0	0.0332
0	0.043	0.0278	0	0.0444	0	0.076	0	0.1012
0.0298	0.0269	0	0	0	0	0.0579	0	0.0029
0.0885	0.042	0.0535	0	0.0454	0.0508	0.0267	0.027	0.0368
0.1241	0.0606	0.043	0	0.0724	0.0503	0.0514	0.025	0.0509
0.1255	0.2032	0.0809	0	0.1348	0.0987	0.2479	0	0.1358
0.0175	0.0687	0.0413	0.0163	0.0279	0.0055	0.0591	0	0.0428
0.049	0.0331	0	0.0197	0.0017	0	0.0359	0	0
0.4481	0.4899	0.4025	0.4385	0.4879	0.5713	0.7134	0.4348	0.5388
0	0	0.0208	0.014	0.0046	0.0049	0.0246	0.003	0.0096
0.4481	0.4899	0.4234	0.4525	0.4925	0.5762	0.738	0.4378	0.5485

GSM110111	GSM110111	GSM110111	GSM110111	GSM110111	GSM110111	GSM110112	GSM110112	GSM110112
0.0042	0	2.00E-04	0	0	0.0088	0	0.0061	0.0296
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0042	0.1765	0	0.0925	0.1058	0.1447	0.0436	0.1298	0.2017
0	0.0014	0	0	0	0.0084	0.0621	0	0.0873
0.0948	0.1345	0.0527	0.1259	0.0593	0.1403	0	0.1597	0.1613
0.0517	0.0715	0.016	0.0928	0.0615	0.0732	0.0165	0	0.053
0.0429	0.0737	0	0.0606	0	0.0464	0.0173	0.0138	0.0155
0.1155	0.183	0.0777	0.1901	0.0679	0.2009	0	0.2542	0.1873
0.0231	0.0442	0.03	0.0306	0.0205	0.0262	0.0116	0.0231	0.041
0.086	0.1488	0.0026	0.1408	0.0596	0.0899	0.0408	0.137	0.0693
0.0466	0.0939	0	0.1038	0.0442	0.0367	4.00E-04	0.1091	0.0449
0	0.0565	0	0.1505	0.0622	0	0	0.1013	0
0.0608	0.0757	0	0.0427	0.0507	0.1207	0.0718	0.041	0.0902
0.0538	0.0677	0.0449	0.0796	0.0264	0.0904	0.0485	0.1322	0.0719
0.0018	0	0.2727	0	0.0311	0	0.0443	0	0.1331
0	0	0.0382	0	0	0.0122	0.1052	0	0.0371
0.0194	0.0583	0	0.1319	0.1104	0.0846	0.102	0.0817	0.132
0	0.0017	0	0	0.0143	0	0	0	0
0.024	0.0179	0	0	0	0	0.0264	0.0073	0
0.294	0.1222	0.3107	0.0916	0.4965	0.222	0.3251	0.1314	0.1982
0.0556	0.0341	0.0492	0.048	0.0517	0.0491	0.0586	0.0362	0.0524
0.1251	0.0877	0.0434	0.1625	0.1519	0.1237	0.1689	0.0628	0.0914
0.0091	0	0	0.0655	0	0	0.0017	0.0706	0
0	0	0.0263	0	0.0232	0	0	0.0374	0.0491
0	0.0046	0	0.005	0.0126	0.0167	0.0266	0	0.0523
0.0103	0.0091	0	0.004	0	0.0093	0	0.0086	0.0057
0.0033	0.0051	0	0.0056	0	0.0098	3.00E-04	0.0019	0.0163
0	0	0	0.0181	0.0045	0	0	0.0623	0
0.0062	0.0102	0.2694	0	0.1475	0.0246	0.0339	0	0.1403
0.1676	0.2774	0.0866	0.2	0.199	0.0577	0.0679	0	0.0342
0.0822	0.0375	0.1274	0.076	0	0.0344	0.0606	0.0591	0.0437
0.0342	0.0088	0.0284	0.0535	0	0.0156	0.0216	0.0321	0.0127
0.0557	0.0324	0.0229	0.0168	0	0.0163	0.0152	0.0063	0
0	0.0024	0.0152	0.0103	0.0212	0.0085	0	0	0.0252
0.1554	0.1747	0.1426	0.26	0.1128	0.1538	0.1427	0.2083	0.2733
0.0243	0.0196	0.0126	0.0219	0.0409	0.0245	0.03	0.0214	0.0244
0	0.0692	0	0.0148	0.0325	0.0372	0	0.0098	0.0512
0	0	0	0.0048	0.0019	6.00E-04	0	0	0
0	0	0.0059	0	0	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0.0076	0
0	0.0665	0.0345	0.1038	0.0685	0.038	0	0.1769	0.049
0.2952	0.1796	0.2958	0.2442	0.3701	0.2534	0.3899	0.0415	0.0703
0	0.0022	0.0027	0	0	0	0	0.0034	0.0072
0.067	0.0636	0.1267	0.0241	0.0575	0.0687	0.0915	0	0.0557
0.2955	0.2405	0.1746	0.2759	0.1312	0.1823	0.1372	0.2297	0.0675
0.06	0.0381	0.0418	0.0561	0.0401	0.0142	0.0302	0.0347	0.0138
0	0.0585	0	0.1289	0.0158	0.0316	0.0605	0.144	0.0714
0.0698	0.1124	0.075	0.1487	0.0637	0.0975	0.0864	0.1272	0.1433
0.0392	0.0363	0.0216	0.0496	0	0.0764	0	0.1224	0.0957

0.003	0.0021	0.0028	0.0023	6.00E-04	0.0031	0.0023	0.0043	0.0037
6.00E-04	0	0.0064	0	0	0.003	0.0138	0	0
0.0492	0.0659	0.0249	0.0857	0	0.1077	0.0196	0.2322	0.1036
0	0.0037	0.024	0.0114	0	0.0026	0	0.0612	0.0025
0.1907	0.1931	0.1514	0.287	0.1183	0.1212	0.0649	0.2366	0.0585
0	0.0215	0.0864	0.0288	0.0165	0.0576	0.0398	0.1131	0.0963
0.0268	0.0074	0	0.0139	0.0675	0.0732	0.0374	0.0546	0.0554
0	0.0193	0	0.0526	0	0.0037	0	0.0192	0
0	0.0497	0	0.0085	0	0	0	0	0
0.0067	0.0099	0	0	0.1244	0	0	0	0
0.0935	0.0592	0.0148	0.0422	0.0765	0.0492	0.0595	0.0359	0.0113
0.1144	0.0713	0.0246	0.0784	0.0453	0.0489	0.1012	0.0567	0.0045
0.002	0.151	0	0.0132	0.0955	0.1349	0.0167	0.0426	0.1499
0	0.0548	0	0.05	0	0.0122	0	0.0195	0
0	0.0225	0	0	0	0	0	0	0.0081
0.4188	0.5025	0.4505	0.4433	0.5885	0.4977	0.3744	0.5293	0.5361
0.0186	0.009	1.00E-04	0.0328	0	0.0044	0.014	0.042	0.0148
0.4374	0.5114	0.4506	0.4761	0.5885	0.5021	0.3884	0.5713	0.5509

GSM110112	GSM110112	GSM110112	GSM110112	GSM110112	GSM110112	GSM110112	GSM110113	GSM110113
0.0072	0.0134	0	0.0024	0.0051	0	0.0089	0.0189	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1204	0.139	0.1765	0.1424	0.1895	0.1837	0.1587	0.2127	0.1275
0	0	0	0.0187	0	0.0446	0.0538	0	0.0658
0	0.088	0.0612	0.1132	0.095	0.1219	0.0866	0.1048	0.0673
0	0.0677	0.019	0.0478	0.0744	0.0195	0	0.0366	0.0248
0	0.0521	0.0252	0	0.0872	0.06	0.0447	0.0734	0.0259
0.0378	0.155	0.0719	0.0987	0.1713	0.1669	0.1214	0.1582	0.1074
0	0.0087	0.0444	0.087	0.0016	0.0642	0.0016	0.0381	0.0198
0	0.0627	0.1087	0.1527	0	0.1472	0.0826	0.0872	0.0944
0.0255	0.036	0.0466	0.0972	0.0088	0.0828	0.0681	0.0694	0.0356
0.0146	0	0.0465	0.0502	0	0.1344	0.0228	0.0341	0.0579
0.0193	0.0643	0.0553	0.0834	0.0224	0.0528	0.0422	0.0461	0.0488
0.0752	0.0555	0.05	0.0572	0.1045	0.0905	0.1034	0.0697	0.0642
0.041	0	0.0078	0.0985	0.0159	0	0.006	0	0.1888
0.012	0	0	0	0.0148	0	0.0014	0	0.0363
0.0819	0.1501	0.0405	0.1184	0.0686	0.1163	0.0764	0.0978	0.1148
0.002	0	0.0219	0	2.00E-04	0	0.0089	0	0
0.0097	0.0217	0	0	0.0017	0.0058	0	0.0072	0
0.5371	0.1443	0.3289	0.3029	0.2632	0.0115	0.1752	0.1911	0.2348
0.0477	0.0579	0.065	0.0588	0.0389	0.0438	0.047	0.0584	0.0472
0.0287	0.0918	0.0765	0.1406	0.1165	0.0567	0.017	0.0308	0.0017
0.0576	0.0387	0	0	0	0	0.022	0	0
0.0157	0	0	0.0021	0.025	0	0.012	0	0.0452
0.0577	0	0	0	0.0211	0	2.00E-04	0	0
0	0.0059	0	0	0.0147	0.0068	0.0085	0.0137	0
0	0.0052	0.0016	0.0129	0	0.003	0	0.0027	0.0021
0	0	0.0138	0	0.0154	0.0255	0	0	0
0.1004	0.0128	0.0736	0.1174	0.0061	0	0.0578	0.0486	0.2714
0.0122	0.0198	0.1931	0.2763	0.0222	0.201	0.1275	0.086	0.1033
0.0302	0.0538	0.0379	0.0399	0.0809	0.0665	0.0952	0.0219	0.072
0.0213	0.0259	0.0077	0.0077	0.0192	0.0256	0.0491	0.011	0.0301
0.0108	0.0262	0.0112	0.026	0.0348	0.0411	0.0526	0.0025	0
0.0049	0	0.0023	0.016	0	0.0021	0.0053	0	0.0156
0.2212	0.2395	0.1921	0.1519	0.1733	0.0475	0.1806	0.2387	0.1026
0.0329	0.0259	0.0234	0.0257	0.0222	0.025	0.0217	0.0344	0.0341
0.007	0.0296	0.0832	0.0406	0.0626	0.0647	0.0364	0.0693	0.0303
0.0022	0.0067	0	0.0085	0	0	0	0	0.0184
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0051	0.0012	0	0	0	0	0	0.007	0
0.0927	0.0259	0.0194	0	0.0605	0.1773	0.1298	0.0215	0.0825
0.2811	0.399	0.3177	0.3724	0.2132	0.2468	0.1727	0.3003	0.3366
0	0	0	6.00E-04	0	0.0058	0.0038	0	0
0.0606	0.0793	0.0648	0.0382	0.0675	0.0563	0.0343	0.0665	0.0956
0.1599	0.2066	0.2155	0.1872	0.248	0.2864	0.2172	0.1898	0.1488
0.0477	0.067	0.0416	0.0583	0.0286	0.0428	0.0448	0.0406	0.0246
0.0293	0.0851	0.0184	0.0494	0.0218	0.0716	0.0814	0.0898	0
0.1084	0.1341	0.0948	0.0783	0.0976	0.0095	0.1114	0.1472	0.0797
0.0589	0.0523	0.027	0.0288	0.0617	0.0637	0.0657	0.0661	0.018

9.00E-04	0.0037	0.0042	0.004	7.00E-04	0	0.0012	0.0043	0.0019
0	0	0	0.0033	0	0	0.0023	0	0.0067
0.0448	0.1229	0.0222	0	0.1445	0.1077	0.1454	0.076	0
0	0	0	0	0	0.0273	0	0	0
0.1498	0.1867	0.1777	0.2157	0.1737	0.2169	0.1873	0.1572	0.0903
0.0332	0.031	0	0	0.031	0.018	0.0264	0.0549	0.0258
0.0104	0.0592	0.041	0.0109	0.0106	0	0.0476	0.0207	0.045
0	0.0219	0	0.0104	0	0	0.058	0.0121	0
0	0.0093	0.0413	0	0.0368	0.0283	0.0157	0	0
0.0707	0	0.0566	0	0.035	0	0	0	0
0.0243	0.0876	0.0833	0.0794	0.0768	0.0277	0	0.0667	0.0386
0.0582	0.0802	0.0907	0.0918	0.0786	0.0874	0.0284	0.0813	0.04
0.0969	0.077	0.1702	0.0953	0.1608	0.1331	0.0986	0.1513	0.0765
0	0.0145	0	0	0.0107	0.0505	0.0026	0.0157	0.0233
0	0	0	0.0057	0	0	0	0.0022	0.0167
0.5653	0.3953	0.5477	0.5369	0.5045	0.511	0.5177	0.4705	0.5265
0.0372	0.0369	0	0.0012	0.0034	0.0029	0.0154	0.013	0
0.6025	0.4322	0.5477	0.5381	0.5079	0.5139	0.5332	0.4835	0.5265

GSM110113	GSM110113	GSM110113	GSM110113	GSM110113	GSM110113	GSM110113	GSM110113	GSM110114
0	0	0.0014	0.0122	0	0	0	0.0041	0.0034
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1551	0.14	0.1858	0.1414	0.1599	0.1385	0.2478	0.2618	0.053
0.0836	0.0177	0.0233	0	0.0167	0.0312	0	0.0112	0.0346
0.1326	0.1835	0.0901	0.0976	0.134	0.1763	0.0981	0.1436	0.0026
0.0817	0.0866	0.0525	0.0776	0.0632	0.1049	0	0.0666	0
0.0703	0.0628	0	0.0675	0.0522	0.0602	0	0.0727	0
0.203	0.2726	0.0901	0.1414	0.1969	0.2129	0.178	0.2092	0.053
0.0114	0.0474	0.0342	0	0.0062	0.0708	0	0.0129	0
0.1434	0.1853	0.1257	0.0571	0.1002	0.1015	0.0934	0.1087	0.0116
0.0783	0.1201	0.0598	0.0076	0.0757	0.1151	0.0915	0.0965	0.0032
0.062	0.1671	0.0567	0.0128	0.0697	0.036	0.0175	0.1542	0
0.0978	0.0403	0.0845	0.0733	0.0343	0.0488	0.0586	0	0.0358
0.0788	0.1146	0.0848	0.0875	0.0893	0.0761	0.1338	0.078	0.0618
0.0086	0	0.0188	0.0062	0	0	0.0143	0	0.1116
0	0	0	0.0193	7.00E-04	0	0	0	0.0713
0.1024	0.0967	0.0806	0.0434	0.0677	0.1091	0.109	0.1951	0.0655
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0.0084	0.0106	0.0124	0	0	0	0.003	0
0.1882	0.0959	0.2757	0.107	0.2256	0.2064	0.2101	0.189	0.3027
0.0627	0.019	0.0446	0.0457	0.0476	0.0551	0.0133	0.042	0.0529
0.0782	0.0474	0.0875	0.1371	0.0104	0.1574	0	0.0995	0
0	0.0044	0	0.0082	0	0.016	0.0459	0.0011	0
0	0	0	0	0	0	0.0098	0	0.0537
0	0	0	0.0706	0	0	0.0083	0	0
0.0046	0.0186	0.0107	0.012	0.0021	0.0081	0.0183	0.0064	0.0044
0.0085	0.0044	0	0.0106	0	0.0012	0	0.0024	0.0029
0	0	0	0	0.0036	0	0	0.0463	0
0.0557	0	0.0428	0	0.0486	0	0	0.1391	0.1885
0.2218	0.1734	0.2054	0.0526	0.1309	0.1439	0	0.2002	0.0351
0.0397	0.0606	0.0711	0.012	0.0564	0.0357	0.0678	0.0281	0.0938
0.0155	0.0472	0.0274	0.0068	0.0173	0.0193	0.0339	0.0088	0.0213
0	0	0.0137	0.0151	0.0088	0	0.0393	0	0.0311
0.0071	0.008	0.0088	0.0061	0.0081	0.0139	0	0.0233	0
0.2356	0.159	0.1942	0.282	0.1073	0.2323	0.1206	0.1944	0.2874
0.0253	0.0228	0.0205	0.0329	0.0218	0.0282	0.0216	0.0334	0.0272
0.0435	0.0418	0.059	0.0466	0.0557	0.027	0.084	0.1062	0
0	0	0	0	0	0	0	0.0019	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0.0118	0	0.0046	0	0	0.0027	0	0
0.0953	0.1947	0.03	0.0407	0.0545	0.0111	0.081	0.1404	0
0.205	0.0058	0.2133	0.3064	0.2505	0.1609	0.1701	0.1474	0.2557
0.0021	0.0014	0	6.00E-04	0.0026	0	9.00E-04	0	0
0.0416	0.0149	0.0723	0.0501	0.1001	0.0367	0.0334	0.028	0.1124
0.2125	0.1497	0.2703	0.2119	0.2526	0.2365	0.2318	0.2841	0.179
0.0493	0.0325	0.0592	0.0488	0.0453	0.045	0.0252	0.0534	0.051
0.0765	0.0724	0.0177	0.0195	0.0173	0.1038	0.0813	0.1104	0.064
0.1206	0.1046	0.0898	0.1858	0.0481	0.117	0.0839	0.1058	0.1692
0.0608	0.0953	0.0224	0.0581	0.0487	0.0841	0.0939	0.0945	0.0268

0.0021	0.0031	4.00E-04	0.0046	0	0.0023	0	0.0041	0.004
0	0.0023	0.0013	0.0037	0	0	0	0.0064	0.0059
0.1111	0.1645	0.0271	0.1566	0.0481	0.1146	0.2016	0.0664	0.0541
3.00E-04	0.0378	0	0	0	0.0117	0	0	0
0.1744	0.1847	0.259	0.1509	0.2308	0.2247	0.1629	0.3474	0.0179
0.0328	0.0373	0	0	0.0407	0.0982	0.0881	0.0252	0.0849
0.0345	0.0376	0	0.0083	0.0737	0.0125	0.0741	0.0313	0.0183
0	0.0247	0.0017	0.0112	0.0052	0.0199	0.0254	0.0321	0
0.0131	0.0073	0	0.0322	0	0	0.024	0.0138	0
0.0131	0	0	0.0178	0	0	0.0029	0	0
0.0705	0.0701	0.0557	0.0398	0.0441	0.0463	0.0616	0.0547	0.0521
0.0769	0.0671	0.0848	0.04	0.0614	0.0906	0.0312	0.0903	0.0277
0.1012	0.1062	0.1591	0.1234	0.1515	0.0968	0.1875	0.1251	0.0086
0.0323	0.0624	0	0.0294	0	0	0.0421	0.0114	0
0	0.0025	0.0123	0	0.002	0	0	0.0239	0.0129
0.5353	0.5886	0.573	0.3413	0.5592	0.4801	0.5544	0.6153	0.3841
0	0.0064	0.006	0.0164	0	0.008	0.023	0.0041	0.0017
0.5353	0.595	0.579	0.3577	0.5592	0.4881	0.5774	0.6194	0.3858

GSM110114	GSM110114	GSM110114	GSM110114	GSM110114	GSM110114	GSM110114	GSM110114	GSM110114
0	0	0	0.0084	0.0183	0	0	0	0.0059
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.1025	0.1067	0	0.0395	0.0239	0	0.1113	0.2121	0.1258
0	0	0	0.0413	0	0.1017	0	0	0
0.1376	0.076	0	0	0.1446	0	0.07	0.1028	0.1619
0.0859	0.0392	0	0.0247	0.0924	0	0.0513	0	0.0588
0.0685	0.0237	0	0.0055	0.0637	0	0.0032	0.0385	0.0321
0.1901	0.129	0	0.0249	0.2239	0.0097	0.124	0.1735	0.2016
0.0368	0.0374	0	0	0	0	0.0018	0	0.0381
0.0936	0.1051	0	0	0.1041	0	0.0784	0.0901	0.0812
0.0629	0.0589	0	0	0.1095	0	0.0599	0.0789	0.0598
0.0498	0.023	0	0	0.0577	0	0	0.079	0
0.0367	0.0542	0.0221	0	0.0428	0.033	0.0792	0.0255	0.0386
0.0544	0.0754	0.0222	0.0205	0.0939	0.0434	0.065	0.1087	0.0788
0.0011	0	0.1438	0.0189	0.0592	0.2601	0.0099	0	0
0	0	0	0.0558	0	0.0913	0.0135	0	0.0416
0.0689	0.0455	0.0332	0.1014	0.0288	0	0.0599	0.0899	0.0627
0.0039	0.0012	0	0	5.00E-04	0	0	0.0164	0
0.0119	9.00E-04	0	0.0061	0	0	0.0077	0.0086	0
0.3742	0.1585	0.3209	0.2826	0.3013	0.3005	0.3073	0.0741	0.176
0.0458	0.0371	0.0391	0.0881	0.0414	0.0316	0.0419	0.0423	0.0388
0.1161	0.1686	0	0.1062	0.151	0	0.0879	0.0829	0.0417
0	0	0	0	0.0148	0	0	0.037	0
0	0	0.0538	0	0	0.0658	0	0.0015	0
0	0.012	0	0.0245	0.013	0	0.0089	0.0484	0.0269
0	0.0151	0	9.00E-04	0.0122	0	0.0029	0.0104	0.0264
0.0044	0	0.0077	0.0302	0	0	0	0.0053	0.0041
0	0	0	0	0	0	0	0.0237	0
0.0242	0	0.2307	0.0456	0.0581	0.4098	0.072	0.0101	0
0.256	0.1053	0.2933	0	0.1821	0	0.0979	0.0473	0
0.0139	0.0939	0.128	0.0645	0.0972	0.1342	0.0194	0.093	0.0495
0.0033	0.0446	0.0409	0	0.048	0.034	0.0043	0.0466	0.0203
0	0.0237	0.0864	0.0408	0.0232	0.0138	0	0.051	0.0156
0	0	0	0	0.0067	4.00E-04	0.0082	0.0144	0
0.0799	0.0673	0.2576	0.3594	0.2345	0.2636	0.1006	0.2027	0.1572
0.0325	0.0194	0.0308	0.0074	0.0183	0.0131	0.0313	0.0174	0.0222
0.0145	0.0436	0	0	0	0	0.0319	0.0828	0.0303
0	0	0.0192	0	0	0	0	0.0042	0
0	0	0.0183	0	0	0	0	0.0022	0
0.0045	0.0055	0	0	0	0.0012	0	0.0055	0.0106
0.0369	0.07	0	0	0.0529	0	0.0867	0.1315	0.0623
0.2443	0.2779	0.3222	0.3581	0.1871	0.1571	0.3195	0.1501	0.1258
0	0	2.00E-04	0	0	0	0	0.0049	0.0057
0.0523	0.0773	0.1199	0.1177	0.0541	0.1206	0.1068	0.0203	0.107
0.2025	0.1631	0.2239	0	0.2236	0.1435	0.1637	0.1796	0.1294
0.0473	0.0475	0.0646	0.0131	0.0602	0.0127	0.0393	0.0426	0.0319
0.056	0.0039	0.0485	0.0635	0.0632	0.0045	0.0215	0.0809	0.0621
0.0851	0.057	0.0676	0.128	0.1046	0.1264	0.0448	0.1282	0.0654
0.0255	0.0389	0.0041	0	0.0513	0.0259	0.032	0.0836	0.0766

0.0036	0.0033	0.0021	3.00E-04	0.002	7.00E-04	0.0038	0.0034	0.0015
0.0067	0	0.0088	0.0116	0	8.00E-04	4.00E-04	0.0038	0
0.0195	0.1326	0	0.1224	0.0789	0	0.0856	0.1721	0.1579
0	0	0	0	0	0	0	0.0259	0
0.235	0.1648	0.1267	0	0.3014	0.1636	0.0797	0.1435	0.0643
0	0.0033	0	0.0802	0.0738	0.0645	0.0471	0.0566	0.068
0.0401	0.0095	0	0	0.0143	0	0.0408	0.0097	0.0865
0	0.021	0.005	0	0.03	0	0.0226	0.0428	0.0022
0	0.0305	0	0	0.0096	0	0	0.0613	0
0.0609	0.0088	0	0	0.0201	0	0	0	0
0.0709	0.0368	0.0787	0.0542	0.0319	0.0218	0.042	0.0277	0.0225
0.1045	0.0727	0.0788	0.0761	0.0597	0.0329	0.0359	0.0393	0.0033
0.0882	0.1075	0	0	0	0.0086	0.0946	0.1694	0.107
0	0.0634	0.0395	0.0106	0	0	9.00E-04	0.0822	0.0307
0	0	0	0	0	0.0476	0	0	0
0.5433	0.4591	0.3914	0.3362	0.5235	0.3705	0.5254	0.5046	0.5091
0.006	4.00E-04	0	0.0072	0.0166	0	0.0038	0.0228	0.003
0.5492	0.4596	0.3914	0.3434	0.5401	0.3705	0.5292	0.5274	0.5121

GSM110115	GSM110115	GSM110115	GSM110115	GSM110115	GSM110084	GSM110084	GSM110084	GSM110084
0	0.0188	0	0	0	0.0041	0.0068	0	0.0215
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0692	0.3007	0	0.1293	0.187	0.121	0.1736	0.1455	0.1874
0.0902	0	0.0697	0.0104	0	0	0	0	0.0137
0	0.1741	0	0.0727	0.0685	0.1048	0.1781	0.1474	0.1653
6.00E-04	0.0938	0	0.0485	0.0464	0.0699	0.0795	0.0878	0.0667
0	0.0056	0	0.0307	0.0418	0.0369	0.0648	0.0476	0.0928
0.0046	0.2021	0	0.1088	0.1155	0.1291	0.2187	0.1909	0.2278
0	0.0934	0	0.0437	0.0261	0.0733	0.07	0.076	0.0559
0	0.1621	0	0.1564	0.0637	0.1382	0.1514	0.1503	0.1646
0	0.0936	0	0.0986	0.0273	0.0572	0.0703	0.0765	0.0911
0	1.00E-04	0	0.0313	0	0.0553	0.0978	0.0574	0.1247
0.0573	0.086	0	0.058	0.0526	0.0713	0.0395	0.0662	0.0388
0.0595	0.0839	0.0128	0.0766	0.055	0.0646	0.0844	0.091	0.1033
0.0909	0	0.024	0.0166	0.0015	0	0	0.0026	0
0	0	0.0613	0	0	0	0	0	0
0.0927	0.1099	0.0014	0.0695	0.0977	0.0876	0.1443	0.0887	0.0915
0	0	0	0	0	0	0	0	0.0029
0.015	0	0.0103	0.0183	0	0.0268	0.0127	0.0067	0.0173
0.3411	0.1977	0.2984	0.2229	0.1506	0.2907	0.2556	0.3025	0.1668
0.0635	0.0305	0.0401	0.0397	0.0554	0.0422	0.0428	0.0328	0.0276
0.1342	0.0633	0.0488	0.0906	0.1866	0.073	0.0567	0.0885	0.0368
0	0	0	0.0129	0.035	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0.0287	0.0323	0.0039	0.0402	0	0	0	0
1.00E-04	0.016	0.0019	0.0147	0.0058	0.0076	0.0204	0.0166	0.0123
0	0	0.0182	0	0.0082	0	0	0	0
0	0	0	0	0.0245	0	0	0.0234	0.0081
0	0	0.1603	0.0525	0.0044	0.0026	0.0085	0.0628	0.0136
0.1613	0.0851	0.1363	0.0737	0.1629	0.1035	0.1909	0.1381	0.1689
0.0291	0.0216	0.087	0.0374	0.0658	0.0281	0.0567	0.0484	0.0421
0.0243	0.0033	0.0182	0.0134	0.0531	0.0079	0.0174	0.0122	0.0122
0.0278	0	0.0647	0	0.0383	0.0084	0.0046	6.00E-04	0.0137
0.0114	0	0.0048	0	0.0199	3.00E-04	0	0.0057	0.0036
0.1454	0.1154	0.3702	0.1407	0.1736	0.1365	0.1126	0.1038	0.0694
0.0307	0.0302	0.029	0.0253	0.0147	0.0108	0.0105	0.0062	0
0.0038	0.1215	0	0.0343	0.0882	0.0193	0.0537	0.0422	0.0906
0	0	0	0	0.003	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0.0051	0	0	0	0.0011	0.0014	0.0013	0
0.0443	0.0241	0.0333	0.076	0	0.0856	0.1225	0.0919	0.1833
0.3395	0.1822	0.3108	0.309	0.4039	0.2528	0.107	0.1236	0.0699
0	0.0093	0	0.0049	0	0.0022	0.0011	0	0.002
0.0891	0.0533	0.0922	0.0898	0.0357	0.0616	0.056	0.0314	0.0755
0.2299	0.1753	0.0959	0.1873	0.1318	0.2804	0.2881	0.3245	0.2823
0.0271	0.0395	0.0552	0.0453	0.0487	0.0685	0.0629	0.0475	0.0577
0.0759	0.039	0.0027	0.0551	0.038	0.0345	0.034	0	0.0027
0.0757	0.0177	0.1787	0.0776	0.1402	0.0938	0.0312	0.0686	0.033
0.0258	0.0829	0.0258	0.0337	0.0623	0.0591	0.0577	0.0546	0.0609

0	0	0.0021	0.0017	0.0043	0.003	8.00E-04	0.0017	0.0028
0	0	0.013	1.00E-04	0.0044	0.0029	0.0034	0.0068	0
0.0311	0.1104	0.051	0.0896	0.0969	0.1043	0.0824	0.0896	0.1146
0	0.0023	0	0	0	0	0.0069	0	0.0154
0.1544	0.1199	0.0921	0.1621	0.1624	0.1818	0.1707	0.1797	0.1559
0.0346	0.0168	0	0.0068	0	0.0123	0.039	0.0229	0.0227
0.0505	0.0427	0	0.009	0.0147	0.0017	0.0334	0.0139	0.0541
0.0341	0.0116	0	0.0155	0.0276	0	8.00E-04	0	0.0162
0	0.0141	0	0	0.0018	0.023	0.0353	0.0368	0.076
0	0.0078	0.0103	0	0.0078	0	0.0202	0.0045	0
0.0966	0.0286	0.0954	0.0479	0.0683	0.0726	0.0654	0.0671	0.0632
0.0983	0.0339	0.0632	0.0546	0.0867	0.0984	0.0843	0.0664	0.0992
0.0305	0.241	0	0.1	0.1428	0.1147	0.1309	0.1345	0.169
0	0.0216	0.0398	0.0335	0.0502	0	1.00E-04	0.0035	0.0218
0	0.025	0	0	0	0	0.0179	0	0.0035
0.3895	0.6224	0.3438	0.523	0.3941	0.5535	0.6626	0.6154	0.661
0.0075	0.0094	0.0052	0.0156	0.0175	0.0154	0.0098	0.0034	0.0194
0.397	0.6318	0.349	0.5386	0.4116	0.569	0.6724	0.6187	0.6804

GSM110084	GSM110084	GSM110084	GSM110085	GSM110085	GSM110085	GSM110085	GSM110085	GSM110085
0.0275	0.0216	0.0165	0.0315	0.0248	0	0.0129	0.0202	0.0188
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0907	0.1325	0.0998	0.1574	0.1549	0.0925	0.1771	0.1646	0.1639
0.0249	0.0139	0.0249	0	0	0	0	0.0161	0.0162
0.1191	0.0923	0.1238	0.0576	0.1562	0.1266	0.1196	0.1023	0.1286
0.0367	0.0363	0.0516	0	0.0601	0.028	0.001	0.0337	0.0721
0.0609	0.0109	0.0238	0.0716	0.0136	0.025	0.0682	0.0266	1.00E-04
0.1444	0.1432	0.2134	0.1541	0.2262	0.1821	0.1994	0.1346	0.1816
0.0835	0.0203	0.0492	0	0.0805	0.0645	0.0795	0.0747	0.0827
0.1097	0.0766	0.1137	0.067	0.1399	0.1618	0.1325	0.1356	0.1382
0.0428	0.0434	0.0578	0.0437	0.0721	0.1004	0.0649	0.0571	0.0558
0.0933	0.0343	0.0955	0.0862	0.0567	0.1023	0.1237	0.0721	0.0802
0.047	0.1005	0.1038	0.0707	0.1088	0.1084	0.0713	0.113	0.0959
0.085	0.0927	0.108	0.1167	0.1127	0.094	0.1114	0.0757	0.0926
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0.0113	0	0	0	0	0	0	0
0.0801	0.0615	0.0656	0.0531	0.0716	0.0859	0.1338	0.0908	0.0485
0	0	0	0.0057	0	0	0.0048	0.0181	0
0.0154	0.0191	0.0012	0.0173	0	0	0.0031	0.0105	0.0071
0.3662	0.2153	0.2183	0.1362	0.2393	0.3344	0.0978	0.2367	0.2291
0.0358	0.036	0.0278	0.0371	0.0317	0.0289	0.0269	0.039	0.0411
0.0757	0.1384	0.1314	0.0183	0.138	0.109	0.0993	0.1065	0.1478
0.0109	0.028	0.0292	0.0405	0.0288	0	0.007	0.0068	0.0069
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0.0081	0.0094	0	0.0058	0	0.0101	0	0
0.0017	0.0051	0.0057	0.0149	0.005	0	0.0072	0.0032	0.0013
0	0	0	0	0	0	0	0	0.0076
0	0	0	0	2.00E-04	0	0.061	0.0344	0.0254
0	0.0276	0.0147	0	0.0197	0.0738	0.0039	0.0961	0.073
0.1916	0.0323	0	0	0	0.0226	0.097	0.0313	0.0742
0.0562	0.0443	0.0442	0.0918	0.0471	0.0324	0.0503	0.0595	0.0214
0.0101	0.0026	0.0073	0.0306	0.0044	0	0.009	0.049	0
0.015	0	0	0.0335	0	0	0	0	0
0.0074	0.0115	0.0149	0	0.0193	0.0127	0.01	0.0207	0.0243
0.1273	0.1931	0.254	0.0908	0.2122	0.1289	0.1905	0.2707	0.276
0	0.0146	0.0126	0.0032	0.0089	0.0093	0.0036	0.0084	0.0111
0.0144	0.0356	0.0189	0.0671	0.0387	0.0063	0.0752	0.0602	0.0692
0	8.00E-04	0	5.00E-04	0	0	0.002	0	0
0	0	0	0.0472	0	0	0	0	0
0	0.016	0.0156	0.0109	0.0147	0.0126	0.0077	0.0074	0.0087
0.1132	0.1221	0.1966	0.2044	0.1263	0.1849	0.2078	0.1092	0.1456
0.1771	0.2622	0.0729	0.199	0.0766	0.1095	0.1358	0.2203	0.1761
0	0	0.0021	0.0036	0.0039	0	0.0055	0	0
0.0523	0.0742	0.0238	0.0756	0.0396	0.0669	0.0361	0.035	0
0.3218	0.2537	0.2624	0.2744	0.2575	0.2161	0.2617	0.276	0.2109
0.076	0.0395	0.0366	0.0457	0.0337	0.0286	0.041	0.0447	0.0397
0	0.0281	0.0077	0.0176	0.0062	0.0057	0.0304	0	0.0223
0.1006	0.1208	0.1694	0.0525	0.1443	0.0945	0.1152	0.1537	0.1825
0.0616	0.0833	0.1066	0.0813	0.1125	0.0797	0.0804	0.0836	0.0886

0.0017	4.00E-04	0.004	0	0.0024	0.0029	0.0037	0.0025	0.0044
0.0064	0	0	0	0	6.00E-04	0	0.0018	0.0049
0.0657	0.1332	0.1973	0.1535	0.2032	0.159	0.1888	0.153	0.1474
0.0081	0	0.0146	0.0083	0.0105	0.0341	0.0019	0.0062	0.005
0.2186	0.1806	0.1986	0.1517	0.1543	0.1278	0.1898	0.1628	0.1944
0.0015	0.0129	0.0221	0.0219	0.0246	0.0219	0.0291	0.0229	0
0.0074	0.0213	0.0074	0.0022	0.028	0	0.002	0.0266	0.0388
0	0	0.0037	0	0	0.0059	0.0095	0.0679	0.0112
0.0091	0.0444	0.0293	0.061	0.0084	0	0.0891	0.04	0.0207
0.0074	0	0.0029	0.0119	0	0.0074	0.0109	0	6.00E-04
0.0753	0.0547	0.0319	0.0513	0.0374	0.037	0.0636	0.0643	0.0654
0.1189	0.0697	0.0357	0.0547	0.0423	0.0488	0.0525	0.0749	0.0717
0.0826	0.1344	0.1172	0.1571	0.1615	0.1013	0.1199	0.152	0.1535
0	0	0	0.0237	0	0	0.03	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0.0032
0.6099	0.5125	0.5567	0.5619	0.6151	0.6748	0.5573	0.5878	0.5674
0.0269	0.0344	0.0235	0.0446	0.0268	0	0.0115	0.0188	0.0164
0.6368	0.5469	0.5802	0.6066	0.6419	0.6748	0.5688	0.6066	0.5838

GSM110085GSM110085 GSM110085GSM110085GSM110086GSM110086GSM1100862

0.0087	5.00E-04	0.0128	0.0028	0.0126	0.0068	0.0223
0	0	0	0	0	0	0
0.2341	0.1624	0.1726	0.1441	0.0975	0.1275	0.1151
0.0028	0	0	0.0077	0	0.0616	0
0.1487	0.0975	0.1426	0.1737	0.1137	0.1236	0.1636
0.0297	0.0515	0.1018	0.063	0.0512	0.0576	0.0881
0.0197	0.0236	0.0545	0.0268	0.0277	0.0467	0.0488
0.2206	0.1751	0.2156	0.2457	0.1829	0.1507	0.2287
0.092	0.0353	0.101	0.1042	0.0556	0.0917	0.0704
0.1516	0.1375	0.1163	0.1361	0.094	0.1029	0.1119
0.0759	0.0653	0.0473	0.0766	0.0525	0.0441	0.0516
0.0833	0.1368	0.1068	0.0669	0.0725	0.073	0.0703
0.0922	0.1047	0.0943	0.0849	0.0893	0.0823	0.0878
0.1132	0.1116	0.0889	0.1045	0.0957	0.0614	0.0976
0	0	0	0	0	0	0
0	0	0.0096	0.0147	0	0	0
0.1163	0.0744	0.0619	0.0424	0.0507	0.0951	0.0442
0	0	0	0	0.0049	0	0
0.0033	0.0065	0.0219	0.0039	0	0.0019	0.0011
0.1525	0.169	0.1872	0.1506	0.3562	0.2704	0.2116
0.0222	0.0262	0.0112	0.0282	0.0456	0.0602	0.0315
0.0745	0.1699	0.1134	0.1251	0.062	0.1342	0.1312
0.0251	0.0265	0.0257	0.0309	0	0.019	0.0185
0	0	0	0	0.0102	0	0
0.0038	0	0.0012	0.0032	0	0	0
0.0044	0.0061	0.0131	0.009	0	0	0.0142
0	0	0.0034	0	0	0.0018	0
0	0	0	0	0	0.0073	0.0664
0.0319	0.0408	0	0.0417	0.0942	0.0402	0.0437
0	0.0311	0.0031	0.0261	0.0579	0.2016	0.0577
0.0384	0.0651	0.0307	0.0574	0.0438	0.0379	0.0137
0.0082	0.0201	0.0016	0.0069	0.0053	0.026	0
0	0	0	0	0	5.00E-04	0
0.0128	0.0083	0	0.0149	0.0109	0.0052	0.0135
0.1327	0.1895	0.1965	0.1316	0.2059	0.1096	0.179
0.012	0.0105	0.0123	0.021	0.0067	0.0183	0.016
0.0791	0.0453	0.0688	0.0603	0.0215	0.0558	0.0362
0	0	0.0049	0.0017	0	0.0094	0
0	0	0	0	0	0	0
0.0143	0.0099	0.0174	0.0169	0.0114	0	0.0127
0.1967	0.1909	0.2104	0.1453	0.1544	0.143	0.1776
0.0988	0.1372	0.111	0.0583	0.1509	0.2552	0.0818
0.0029	0.0015	0.0045	0.0046	0	0	0
0.0329	0.0288	0.0347	0.0413	0.042	0.0431	0.056
0.2793	0.298	0.2367	0.2377	0.2537	0.2371	0.2433
0.0352	0.0351	0.0396	0.0388	0.0406	0.0541	0.0454
0.0629	0.0205	0.0046	0.0108	0	0.0336	0.0325
0.085	0.1267	0.1323	0.1102	0.1282	0.0685	0.1089
0.1079	0.0836	0.0955	0.0942	0.0873	0.0583	0.0946

0.0029	0.0019	0.0048	0.0054	0.0034	0.0047	0.0047
0	0	2.00E-04	0.0028	0.0069	0.0101	0.0011
0.1934	0.1721	0.1788	0.1691	0.1301	0.04	0.157
0.0144	0	0.0061	0.0129	0.0178	0.0132	0.0185
0.1411	0.2297	0.1864	0.1642	0.1798	0.1563	0.159
0.0508	0.0224	0.0255	0.0054	0.0163	0	0.0143
0.0159	9.00E-04	1.00E-04	0.0053	0.0263	0.0038	0.0395
0.0055	2.00E-04	0.0142	0.0126	0	0	0
0.037	0.0279	0.0171	0.0597	0.0175	0.0331	0.0105
0	0.02	0.0352	0	0.0519	0.0039	0.0041
0.0403	0.0521	0.0625	0.0372	0.0481	0.0711	0.0576
0.0296	0.048	0.0741	0.0496	0.0473	0.0898	0.0506
0.1879	0.1764	0.1789	0.1405	0.1193	0.1047	0.1298
0.0093	0.007	0	0.0036	0	0.0028	0
0.0026	0.0061	0.0026	0.0069	0	0	0
0.6451	0.573	0.5963	0.5756	0.6116	0.5691	0.5753
0.0186	0.0168	0.0302	0.0188	0.0063	0.0138	0.021
0.6637	0.5898	0.6265	0.5944	0.6179	0.5829	0.5963

Supplementary Table S6: Immune cell enrichment of GSE110169.

	case	control				
CD4+ naiv	0.002528049	0.002907771	0.005868831	0.003154331	9.27E-11	GSE110169
Macrophag	0.014181707	0.005415664	0.008585714	0.004919716	2.00E-10	GSE110169
aDC	0.00780122	0.004419108	0.003737662	0.003311505	8.72E-10	GSE110169
CD4+ T-ce	0.016382927	0.007106193	0.021790909	0.004571081	6.79E-08	GSE110169
Macrophag	0.003990244	0.003878482	0.001257143	0.00203013	1.41E-07	GSE110169
Microenvi	0.04112439	0.010096309	0.048775325	0.009271847	1.76E-06	GSE110169
CMP	0.003708537	0.003642893	0.001423377	0.002152654	4.07E-06	GSE110169
ImmuneScc	0.038404878	0.009442704	0.044966234	0.008517406	9.00E-06	GSE110169
CD4+ memc	0.011247561	0.006077772	0.015474026	0.005496516	9.06E-06	GSE110169
Osteoblas	0.00339878	0.005411681	0.007687013	0.006565146	1.29E-05	GSE110169
Erythrocy	0.002097561	0.00236909	0.000898701	0.001117739	8.41E-05	GSE110169
cDC	0.002415854	0.002934363	0.004127273	0.002848529	0.000269	GSE110169
Keratinoc	0.007612195	0.002659824	0.006076623	0.002567197	0.000298	GSE110169
iDC	0.011180488	0.007364554	0.014823377	0.006432399	0.001146	GSE110169
Preadipoc	0.003030488	0.00385617	0.005038961	0.00403257	0.001608	GSE110169
Adipocyte	0.00309878	0.004454003	0.005514286	0.005196728	0.001937	GSE110169
MSC	0.091813415	0.031026977	0.076294805	0.033353943	0.002777	GSE110169
Epithelia	0.004337805	0.003275824	0.005746753	0.003155804	0.00649	GSE110169
Mast cell	0.000935366	0.000720317	0.001263636	0.000820928	0.00805	GSE110169
Platelets	0.005252439	0.004008239	0.003809091	0.003041562	0.011875	GSE110169
pro B-cel	0.00277439	0.003101446	0.001698701	0.002266315	0.014054	GSE110169
CD8+ T-ce	0.006209756	0.004764649	0.007755844	0.0036328	0.023352	GSE110169
Tregs	0.010540244	0.006464564	0.012751948	0.005786454	0.024703	GSE110169
CLP	0.010330488	0.003986232	0.008988312	0.003455353	0.025052	GSE110169
Class-swi	0.004642683	0.003544393	0.005777922	0.002778613	0.026635	GSE110169
Tgd cells	0.00405122	0.004149676	0.00285974	0.002266591	0.027398	GSE110169
Melanocyt	0.006132927	0.001996976	0.005446753	0.001979074	0.031149	GSE110169
Eosinophi	0.014563415	0.010214919	0.018175325	0.011268484	0.035604	GSE110169
DC	0.008313415	0.004738228	0.009793506	0.004041571	0.036209	GSE110169
mv Endoth	0.011832927	0.006846988	0.009762338	0.005473406	0.037529	GSE110169
StromaScc	0.002717073	0.003265563	0.003809091	0.003509693	0.043801	GSE110169
Myocytes	0.000470732	0.000974551	0.0008	0.001249947	0.064953	GSE110169
MPP	0.00032561	0.000978764	0.000107792	0.000352348	0.067132	GSE110169
Memory B-	0.002796341	0.003097249	0.003761039	0.003617834	0.072265	GSE110169
Smooth mu	0	0	0.000219481	0.001102394	0.073267	GSE110169
GMP	0.001596341	0.002466589	0.001006494	0.001659291	0.080738	GSE110169
ly Endoth	0.009941463	0.005153974	0.008646753	0.004526343	0.095206	GSE110169
NKT	0.015009756	0.010570546	0.012285714	0.010392111	0.103579	GSE110169
Endotheli	0.002073171	0.002677204	0.00147013	0.00208838	0.116879	GSE110169
CD4+ Tcm	0.007232927	0.004552168	0.008328571	0.004610739	0.133743	GSE110169
Fibroblas	0.000278049	0.001161951	0.000635065	0.001988901	0.165831	GSE110169
Macrophag	5.49E-05	0.000234206	0.000133766	0.00047173	0.179627	GSE110169
Plasma ce	0.00325	0.003804651	0.002492208	0.003249849	0.180138	GSE110169
Hepatocyt	0.000442683	0.000934395	0.000635065	0.000892773	0.186868	GSE110169
Skeletal	0.001154878	0.001244856	0.001409091	0.001306983	0.210933	GSE110169
MEP	0.000304878	0.000808123	0.000519481	0.001416541	0.238862	GSE110169
Neurons	0.002954878	0.001370514	0.002666234	0.001728447	0.243613	GSE110169
CD4+ Tem	0.003581707	0.004002873	0.002945455	0.003303967	0.277744	GSE110169
NK cells	0.001984146	0.002738138	0.00245974	0.002773382	0.278374	GSE110169

Basophils	0.010230488	0.007672086	0.008861039	0.00864438	0.291713	GSE110169
CD8+ Tem	8.66E-05	0.000416855	3.38E-05	0.000242037	0.334076	GSE110169
Neutrophil	0.001097561	0.002614205	0.000722078	0.002869468	0.389274	GSE110169
HSC	0.000737805	0.001917601	0.000538961	0.001334083	0.451727	GSE110169
CD8+ Tcm	0.001804878	0.003082804	0.001475325	0.002363826	0.452631	GSE110169
Th2 cells	0.014958537	0.006053648	0.014319481	0.004802194	0.463809	GSE110169
Megakaryoc	0.000573171	0.000788975	0.000483117	0.000833099	0.48493	GSE110169
Chondrocy	0.000464634	0.001902459	0.000306494	0.001464792	0.559661	GSE110169
Mesangial	0.000109756	0.000412044	8.18E-05	0.0004285	0.675725	GSE110169
Sebocytes	0.000209756	0.000212341	0.000222078	0.000218622	0.718977	GSE110169
CD8+ naiv	0.013528049	0.006325654	0.013728571	0.005301287	0.829329	GSE110169
B-cells	0.004123171	0.003967874	0.004232468	0.003643395	0.856936	GSE110169
naive B-c	0.002896341	0.002900423	0.002954545	0.002591309	0.894264	GSE110169
Pericytes	0.016218293	0.002895468	0.016272727	0.003407524	0.913525	GSE110169
Th1 cells	0.004830488	0.003044026	0.004850649	0.002566004	0.964157	GSE110169
pDC	0.00105	0.00163626	0.001041558	0.001681897	0.974453	GSE110169
Astrocyte	0	0	0	0	#DIV/0!	GSE110169
Monocytes	0	0	0	0	#DIV/0!	GSE110169

case	control				mean
0.039682813	0.036342308	0.070845	0.024447397	0.000576705	GSE121239 0.023207071
0.034075	0.02966077	0.009485	0.013466929	0.000576021	GSE121239 0.014477778
0.018704688	0.018608331	0.01258	0.023172048	0.229775791	GSE121239 4.75E-05
0.115348438	0.059788824	0.127055	0.026853021	0.399672353	GSE121239 0.12669798
0.037923438	0.029292947	0.02069	0.016137465	0.014121	GSE121239 0.011883838
0.44559375	0.08230126	0.54661	0.036157825	9.05E-07	GSE121239 0.211150505
0.053776563	0.062214908	0.00899	0.010600839	0.002003845	GSE121239 0.017111111
0.424535938	0.077757091	0.519465	0.041633859	1.35E-06	GSE121239 0.101956566
0.158370313	0.073699367	0.17455	0.034767748	0.346694888	GSE121239 0.061161616
0.188332813	0.061635416	0.25071	0.030342066	3.88E-05	GSE121239 0.028525253
0.060323438	0.047695312	0.07033	0.03599911	0.390576299	GSE121239 0
0.036617188	0.032823088	0.05584	0.026665874	0.019539744	GSE121239 0.15999798
0.00983125	0.009630571	0.00525	0.007835983	0.056536076	GSE121239 0.154070707
0.02393125	0.025649851	0.034875	0.020696678	0.086104357	GSE121239 0.267783838
0.033735938	0.026518872	0.050565	0.019975914	0.010714858	GSE121239 0.014567677
0.00814375	0.010941038	0.015195	0.010219356	0.012506211	GSE121239 0.009773737
0.1480375	0.089630202	0.083765	0.084058985	0.005701804	GSE121239 0.064346465
0.046610938	0.017877929	0.03885	0.012140298	0.073734569	GSE121239 0.046147475
0.009846875	0.008160006	0.013525	0.007934195	0.080313177	GSE121239 0.066307071
0.073520313	0.033309125	0.07009	0.040198113	0.703226518	GSE121239 0.011262626
0.01646875	0.015450884	0.02101	0.012898262	0.237529526	GSE121239 0.007938384
0.08881875	0.051768115	0.104395	0.026645479	0.200860081	GSE121239 0.416206061
0.053275	0.032480935	0.04378	0.019854407	0.220657438	GSE121239 0.064739394
0.071607813	0.03190988	0.07938	0.016209309	0.299170422	GSE121239 0.049550505
0.113520313	0.048738421	0.116635	0.02633953	0.785659158	GSE121239 0.005959596
0.007842188	0.014700651	0.00663	0.008942865	0.7285039	GSE121239 0.01460202
0.01436875	0.0082931	0.006305	0.004451194	7.97E-05	GSE121239 0.003674747
0.1460625	0.081190922	0.17481	0.069651228	0.157524198	GSE121239 0.040909091
0.018445313	0.019248541	0.026375	0.0177707	0.105593634	GSE121239 0.018458586
0.048335938	0.029756324	0.047165	0.027204668	0.875931331	GSE121239 0.805784848
0.021059375	0.015499408	0.02715	0.013410699	0.117802326	GSE121239 0.001009091
0.001448438	0.003398645	0.003165	0.003644358	0.056034429	GSE121239 0.037782828
0.084290625	0.08856768	0.070145	0.037726432	0.490519845	GSE121239 0.030792929
0.041264063	0.034290317	0.05166	0.02072363	0.203646682	GSE121239 0.014848485
0.085034375	0.065567351	0.122255	0.052737827	0.023253556	GSE121239 0.016222222
0.014523438	0.021048921	0.008535	0.011081244	0.227027897	GSE121239 0.001968687
0.054535938	0.029823318	0.05094	0.016055312	0.607975496	GSE121239 0.151038384
0.18490625	0.094960316	0.157455	0.069848358	0.236031877	GSE121239 0.01780404
0.019851563	0.015286273	0.01984	0.012212608	0.997546203	GSE121239 0.022786869
0.026754688	0.031900256	0.01375	0.017593794	0.086036408	GSE121239 0.021057576
0.014123438	0.02017693	0.019275	0.018612386	0.313405662	GSE121239 0.000423232
0.011290625	0.011326409	0.00489	0.009785322	0.025593742	GSE121239 0.819975758
0.037484375	0.03253431	0.02391	0.016215843	0.07678583	GSE121239 1.92E-05
0.004621875	0.005357815	0.002155	0.003590994	0.057786082	GSE121239 0.138867677
0.005110938	0.005430955	0.00492	0.006130304	0.894457258	GSE121239 0.139973737
0.009178125	0.020013983	0.007175	0.016058278	0.684415083	GSE121239 0.053111111
0.001785938	0.002844201	0.0016	0.002128751	0.788386961	GSE121239 0.002085859
0.03306875	0.031496127	0.04757	0.01888528	0.054886951	GSE121239 0.097193939
0.049404688	0.043778448	0.114045	0.039095719	7.72E-08	GSE121239 0.004923232

0.029626563	0.040766724	0.008735	0.016677381	0.028704794	GSE121239	0.194486869
0.048225	0.04328688	0.07188	0.024863598	0.022771824	GSE121239	0.16529697
0.043176563	0.034609737	0.03007	0.018071702	0.108816628	GSE121239	0.247221212
0.0154625	0.020482734	0.003485	0.008462753	0.012983415	GSE121239	0.138414141
0.059184375	0.041438412	0.06538	0.016616973	0.51732906	GSE121239	0.00929697
0.041978125	0.032307159	0.02856	0.019139306	0.082320232	GSE121239	0.021341414
0.108425	0.053427355	0.099775	0.061107514	0.543167585	GSE121239	0.050756566
0.016346875	0.027806171	0.001325	0.003945534	0.018723893	GSE121239	0.104922222
0.0090875	0.010937535	0.008985	0.00923137	0.969886682	GSE121239	0.045681818
0.002326563	0.001772474	0.00231	0.001669195	0.97060348	GSE121239	0.006385859
0.027471875	0.023756566	0.051205	0.027945181	0.000343041	GSE121239	0.001746465
0.127478125	0.077258501	0.166735	0.033530619	0.030527368	GSE121239	0.00100404
0.100865625	0.06132184	0.15219	0.024792718	0.00047763	GSE121239	0.037631313
0.028901563	0.015954981	0.028835	0.012159479	0.986367353	GSE121239	0.014186869
0.1696375	0.056101033	0.178375	0.025193209	0.502562333	GSE121239	0.088535354
0.005645313	0.012208388	0.000665	0.002083336	0.074140244	GSE121239	0.153069697
0	0	0	0	#DIV/0!	GSE121239	0.070161616
0.00029375	0.00235	0.001485	0.006641122	0.224913187	GSE121239	0.002993939

control

0.031768866	0.01433	0.014709583	0.141329897	GSE61635
0.01426006	0.024907	0.016859642	0.001030174	GSE61635
0.000472368	0	0	0.58398475	GSE61635
0.085641643	0.193373	0.045436283	7.73E-05	GSE61635
0.035374024	0	0	0.06884036	GSE61635
0.076347279	0.308483	0.033098225	4.11E-10	GSE61635
0.02485082	0.042793	0.030950549	7.44E-06	GSE61635
0.057617412	0.193383	0.032056245	1.35E-13	GSE61635
0.05662678	0.15898	0.028479629	1.58E-15	GSE61635
0.029171125	0.037497	0.025101374	0.130632084	GSE61635
0	0	0	#DIV/0!	GSE61635
0.063461717	0.21495	0.030452006	1.11E-05	GSE61635
0.045573516	0.18025	0.026040496	0.003286813	GSE61635
0.083779751	0.3486	0.052311698	1.95E-06	GSE61635
0.023891425	0.056127	0.026130969	2.73E-13	GSE61635
0.01983496	0	0	0.008070458	GSE61635
0.041425067	0.096617	0.017721156	6.18E-05	GSE61635
0.024575242	0.05357	0.013424916	0.116266884	GSE61635
0.09140092	0.028457	0.03994401	0.029567639	GSE61635
0.021981702	0.011513	0.012926816	0.952777535	GSE61635
0.011979214	0.003207	0.006302213	0.040072827	GSE61635
0.139647114	0.30952	0.089007289	0.000132364	GSE61635
0.020741533	0.05151	0.011873423	0.001150762	GSE61635
0.065776677	0.193213	0.033835899	2.19E-21	GSE61635
0.014147423	0.000343	0.001492899	0.03226903	GSE61635
0.02843726	0.01698	0.017517762	0.66568057	GSE61635
0.007065876	0.000913	0.002064266	0.036974621	GSE61635
0.041755797	0.07011	0.022430819	0.000360063	GSE61635
0.028639914	0.02593	0.021048845	0.188167627	GSE61635
0.095503875	0.87016	0.040341581	0.000473608	GSE61635
0.003810648	0.00051	0.00159403	0.486718615	GSE61635
0.022144558	0.043103	0.014487723	0.218588804	GSE61635
0.040726813	0.009423	0.011104758	0.005332684	GSE61635
0.017643495	0.003317	0.006057374	0.000621892	GSE61635
0.020420246	0	0	2.89E-05	GSE61635
0.004248521	0.000203	0.000617829	0.025357598	GSE61635
0.092659874	0.14257	0.06648667	0.642701094	GSE61635
0.008297441	0.005353	0.004861441	1.87E-12	GSE61635
0.03355965	0.059577	0.022079959	1.06E-07	GSE61635
0.041019495	0.06738	0.047283411	6.90E-07	GSE61635
0.001649479	0	0	0.163493033	GSE61635
0.093248405	0.88439	0.041523764	0.000359285	GSE61635
0.000190957	0	0	0.58398475	GSE61635
0.124392895	0.182137	0.054807824	0.066977036	GSE61635
0.089019258	0.189367	0.045868931	0.004164073	GSE61635
0.023946969	0.0398	0.014979296	0.004747509	GSE61635
0.003762083	0.011283	0.004858841	5.32E-20	GSE61635
0.066330379	0.159593	0.032356697	2.15E-06	GSE61635
0.00731844	0.002027	0.00265017	0.035853359	GSE61635

0.052191006	0.136617	0.035974024	9.10E-08	GSE61635
0.078588008	0.23625	0.051374928	8.32E-06	GSE61635
0.106569968	0.026253	0.033115854	1.36E-20	GSE61635
0.068370606	0.164223	0.039860539	0.051542351	GSE61635
0.023002504	0.050543	0.028475394	3.42E-13	GSE61635
0.014430573	0.027747	0.008267457	0.022233969	GSE61635
0.038978699	0.028723	0.01997346	0.003516258	GSE61635
0.058964731	0.132197	0.034827372	0.017592934	GSE61635
0.025482468	0.068843	0.011770292	4.11E-06	GSE61635
0.018757507	0.02329	0.015438763	1.56E-05	GSE61635
0.002436932	0.005497	0.001863716	2.42E-12	GSE61635
0.004744361	0	0	0.249864438	GSE61635
0.042253206	0.041943	0.024322853	0.595681559	GSE61635
0.01275606	0.014227	0.009162402	0.987360477	GSE61635
0.030545614	0.10931	0.016856399	0.000525995	GSE61635
0.06405509	0.140823	0.037022227	0.32103688	GSE61635
0.034671645	0.09185	0.021277862	0.001521084	GSE61635
0.012351855	0	0	0.187886148	GSE61635

Supplementary Table S7: Immune cell enrichment of GSE121239.

	GSM342833	GSM342833	GSM342833	GSM342834	GSM342835	GSM342835	GSM342836	GSM342836
NK cells	0	0.121	0.0585	0	0	0.0196	0	0.0801
Microenvi	0.339	0.5727	0.5306	0.3605	0.287	0.4121	0.3583	0.4821
ImmuneSc	0.339	0.5417	0.4961	0.3264	0.287	0.3875	0.3583	0.4691
Osteoblas	0.1577	0.1766	0.1656	0.225	0.135	0.2976	0.2382	0.2225
Melanocyt	0.0168	0.0234	0.0152	0.0157	0.0095	0.0106	0.0155	0.0123
CD8+ naiv	0.0571	0	0.0058	0.0467	0.0134	0.0194	0.0438	0
naive B-c	0.0861	0.1638	0.1096	0.0165	0.031	0.0525	0.089	0.1068
Macrophag	0.0317	0	0	0.0352	0.0309	0.0468	0.0851	0
CD4+ naiv	0	0	0.0554	0.1422	0	0.0857	0.0148	0.0544
CMP	0.1308	0.0392	0.0329	0.0046	0.2844	0.019	0.0552	0.0122
MSC	0.1744	0.1282	0.2798	0.2784	0	0.2255	0.1469	0.2534
Preadipoc	0.0198	0.0657	0.0131	0.0491	0.0013	0.0459	0.02	0.0381
Adipocyte	0	0	0.0304	0.0093	0	0.0067	0	0.0206
HSC	0	0	0.0513	0.0272	0.0466	0.0192	0.0076	0.0412
Macrophag	0.0291	0.0185	0	0.0559	0.1001	0.0757	0.068	0
Chondrocy	0.042	0	0	0	0.1049	0	0.0743	0
cDC	0	0.116	0.0501	0.0865	0	0.0711	0.0314	0.0692
CD8+ Tem	0	0.0828	0.1022	0.0283	0	0.0458	0	0.0919
Smooth mu	0.0035	0.0665	0	0.0836	0	0.1434	0.0117	0.1104
Macrophag	0	0	0	0.0174	0.0233	0.035	0.0115	0.0124
Basophils	0.0229	0.0063	0	0	0.1495	0	0.0552	0
B-cells	0.1088	0.2225	0.1504	0.029	0	0.0729	0.1364	0.1595
CD4+ Tem	0	0	0.0692	0.0274	0	0.074	0.0129	0.0921
Myocytes	0	0.0025	0.0028	0	0	0	0.0164	0
Keratinoc	0.0138	0.0051	0.0324	0.0159	0	0	0.0034	0.0099
Hepatocyt	0	0	0	0.0037	0	0.0061	0	0.0077
Epithelia	0.0626	0.0341	0.0675	0.0441	0.0369	0.0277	0.0792	0.0338
pDC	0	0	0	0.0322	0	0.0155	0	0.0223
Plasma ce	0.0488	0.0388	0.0067	0.0623	0.0044	0.0917	0.0611	0.04
Mast cell	0.0077	0.0276	0.0192	0.0043	0	0	0	6.00E-04
Th2 cells	0.073	0.0488	0	0.0016	0.0689	0.0585	0.0595	0.0147
CD4+ Tcm	0.0178	0	0.0911	0.1143	0	0.0269	0	0.0807
iDC	0	0.0746	0.0639	0.0288	0	0.0057	0.0048	0.0634
DC	0	0.078	0.0073	0.0263	0	0.0436	0	0.0434
Neutrophi	0.0696	0.0041	0.0391	0	0.1026	0	0.0641	0
StromaSc	0	0.031	0.0346	0.0341	0	0.0246	0	0.013
Eosinophi	0.2083	0.2303	0.1808	5.00E-04	0.2278	0.0229	0.2009	0.1339
CD8+ T-ce	0.0416	0.0535	0.1035	0.1747	0	0.1518	0.053	0.1013
Memory B-	0.009	0.0835	0.0507	0	0	0.0068	0.0603	0.0531
Tregs	0.0816	0.0623	0.0668	0.0376	0	0.0427	0	0.0579
Monocytes	0	0	0	0	0	0	0	0
GMP	0	0	0	0	0.0793	0.0329	0.0387	0
aDC	0	0.0472	0	0.0192	0	0.0458	0	0.039
NKT	0.3508	0.1504	0.1652	0.1816	0.1453	0.0638	0.3754	0.0969
pro B-cel	0.0311	0.0138	0.0552	0.0239	0.0564	0.0163	0	0.0439
CLP	0.0239	0.0982	0.0778	0.1033	0.0414	0.1114	0.0335	0.0935
Fibroblas	0	0.0609	0.0042	0.0262	0	0	0	0.004
CD4+ memc	0.0743	0.141	0.2389	0.2222	0.0144	0.2144	0.0694	0.242
Erythrocy	0	0.0719	0.1256	0.1398	0	0.1063	0.0105	0.0401

CD4+ T-ce	0.0434	0.0571	0.1853	0.1989	0	0.1948	0.015	0.1848
MPP	0.2229	0.0879	0.0584	0.052	0.3745	0.0141	0.1608	0.0258
Th1 cells	0.0937	0.1801	0.1939	0.2243	0.1756	0.2248	0.1549	0.2549
CD8+ Tcm	0.0097	0.0357	0.039	0.0944	0	0.1206	0	0.0706
Megakaryc	0.168	0.1389	0.0494	0.1412	0.1698	0.082	0.1101	0.1054
ly Endoth	0.0642	0.0414	0.0898	0.0811	0.0212	0.0696	0	0.0246
MEP	0	0	0	0.0815	0	0	0	0
Platelets	0.1351	0.0923	0.0287	0.102	0.0813	0.0739	0.0614	0.0814
Tgd cells	0	0	0	0	0	0.0045	0	0
Class-swi	0.1661	0.1776	0.2018	0.0993	0.0101	0.0853	0.1026	0.171
Neurons	0	0	0	0.0031	0	0.0041	0	0
mv Endoth	0.0258	0.0221	0.0848	0.0609	0.0204	0.0514	5.00E-04	0.048
Skeletal	0.0095	0.0068	0.0219	0.01	0	0	0.0114	0.0068
Mesangial	0.0038	0.0116	0.0193	0.0115	0.005	0	0	0.0241
Sebocytes	0.0024	0.0012	0.0055	0.0054	0	0.0035	0	0.0018
Pericytes	0.0333	0.0337	0.0526	0.0257	0.0041	0.0296	0.0105	0.029
Endotheli	0	0.001	0.0345	0.0327	0	0.0424	0	0.0015
Astrocyte	0	0	0	0	0	0	0	0

GSM342837	GSM342837	GSM342837	GSM342838	GSM342838	GSM342839	GSM342840	GSM342840	GSM342840
0	0.0597	0.0546	0.0436	0.0911	0.0203	0.0872	0.0867	0
0.3801	0.4739	0.5068	0.5174	0.599	0.3269	0.5053	0.4502	0.5038
0.3422	0.4696	0.4945	0.4974	0.5766	0.3269	0.4955	0.4159	0.4869
0.1515	0.2351	0.2626	0.2039	0.2375	0.094	0.2025	0.2344	0.2248
0.0116	0.012	0.0139	0.0065	0	0.0178	0.0227	0.0157	0.0182
0.0029	0.0328	0	0.021	0.0714	0.0489	0.0657	0.0539	0
0	0.1458	0.1567	0.1165	0.1733	0	0.1141	0.1507	0.1115
0.0524	0	0.0678	0.0196	0	0.0566	0.0301	0.0235	0.0373
0	0.0992	0.0722	0.0737	0.1175	2.00E-04	0.0052	0.1001	0.0545
0.0603	0.0409	0.0435	0.0153	0	0.2402	0.0758	0.0179	0.1714
0.1902	0.0938	0.2261	0.1412	0.0851	0.1358	0.1134	0.1035	0.1153
0	0.0639	0.034	0.0405	0.0771	0.0054	0.0448	0.0719	0.0293
0	0.0041	0.0071	0	0.0182	0	0.0063	0.012	0.0211
0.0288	0.0756	0.0011	0.0111	0.0151	0	0	0.0439	0
0.0684	0.0089	0.0749	0	0	0.0754	0.0534	0	0.0745
0.0332	0	0	0.022	0.0058	0.0236	0.0198	0	0.0123
0.022	0.1238	0.0646	0.0413	0.0733	0	0	0.0456	0
0	0.0687	0.0954	0.0288	0.064	0	0.0763	0.022	0
0	0.1867	0.0808	0.098	0.1277	0.0232	0.1318	0.129	0.0603
0.0095	0.0033	0.0323	0	0	0.0149	0.0165	0	0.017
0.03	0	0.1031	0.0467	0.0018	0.082	0.08	0	0
0	0.1711	0.2003	0.1217	0.2266	0	0.111	0.1693	0.1462
0	0.0285	0.0012	0.0155	0.073	0	0.0574	0	0.0318
0.0034	0	0	0	0.001	0.0018	0	0	0
0.0216	0	0.0047	0.0052	0.0052	0.0067	0	0.0125	0
0	0.0149	0.0094	0	0.0029	0	0.0019	0.0029	0.0022
0.0464	0.0016	0.0184	0.0451	0.0261	0.0499	0.0283	0.0608	0.0336
0	0.0148	0.0365	0	0	0	0	0	0
0.0408	0.0581	0.0198	0	0	0.032	0	0	0.062
0	0.0114	0.0159	0.0204	0.017	0.0239	0.0192	0.0102	0.0018
0.0354	0.0486	0.0444	0	0.0435	0.0812	0.0553	0.0022	0.038
0.0247	0.0531	0	0	0.0517	0	0.006	0.0389	0.0685
0.0016	0.0309	0.053	0.1023	0.0718	0.0086	0.0212	0.0285	0.0131
0	0.0519	0.0361	0.0487	0.0158	0	0	0.0262	0
0.1184	0.0049	0	0.0358	1.00E-04	0.0695	0.0348	0	0.1033
0.0379	0.0043	0.0122	0.02	0.0224	0	0.0098	0.0344	0.017
0.2576	0.0361	0.0491	0.2791	0.1513	0.249	0.1855	0.1122	0.2197
0.0096	0.163	0.179	0.08	0.17	0.0141	0.1318	0.0732	0.0401
0	0.0706	0.0757	0.0295	0.0901	0	0.0137	0.0642	0.0229
0.0732	0.0872	0.0509	0.0861	0.0443	0.0534	0.0545	0.0977	0.0986
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0.0054	0.0535	0	0.0011	0.0837	5.00E-04	0.0028	0.0064
0.0196	0.0493	0.0376	0	0	0	0	0.0292	0.0235
0.2592	0.1329	0.092	0.1743	0.0722	0.2379	0.0875	0.1813	0.1857
0.0113	0.0265	0.0151	0	0.0141	0	0	0	0.0407
0.0242	0.1189	0.0816	0.0777	0.1128	0.0582	0.0833	0.085	0.0749
0.0328	0	0	0.0201	0.0023	0	0.0027	0.0491	0
0.0878	0.2431	0.194	0.1494	0.2438	0.0794	0.1602	0.2007	0.1632
0.0551	0.0589	1.00E-04	0.062	0.0612	0.0148	0.0676	0.0786	0

GSM342841	GSM342841	GSM342841	GSM342842	GSM342842	GSM342842	GSM342843	GSM342844	GSM342844
0.0364	0.0533	0.0046	0.036	0.1358	0.1125	0.0068	0.0346	0.0864
0.3681	0.4843	0.4121	0.538	0.488	0.5088	0.4604	0.4662	0.6044
0.3586	0.4215	0.4113	0.4795	0.4488	0.5043	0.4509	0.4461	0.5765
0.1485	0.0675	0.2221	0.1768	0.2083	0.2382	0.2275	0.1381	0.219
0.0018	0.0221	0	0.0038	0.0155	0.0177	0.0086	0.021	0.0217
0.0685	0.025	0.0703	0.0153	0.012	0.0395	0.0651	0.0134	0.0248
0	0.1769	0.1328	0.0926	0.0677	0.1797	0.2177	0.1175	0.0839
0.0842	0.0625	0.0924	0.0222	0.0136	0.0072	0.0312	0	0
0	0	0.0384	0.0217	0.0181	0.0654	0	0.0503	0.0012
0.0672	0.0588	0	0.1006	0.0293	0.0035	0.0733	0.0429	0.0455
0.1379	0.0593	0.2704	0.1424	0	0.1014	0.161	0.0993	0.1479
1.00E-04	0.0359	0.0085	0.0535	0.0913	0.07	0.0034	0	0.0155
0.0026	0.0238	0.0017	0.0338	0	0	0	0	0
0	0.0277	0	0.0446	0	0.0085	0	0.0095	0.0076
0.0418	0	0.0314	0.0616	0.0401	0	0.0444	0.0332	0.0291
0.0275	0.0027	0	0	0	0	0	0	0
0.0423	0.027	0.0368	0.075	0.0092	0.0736	0.0658	0.0125	0.0645
0.0297	0.0274	0.0435	0.0566	0.0929	0.1198	0	0.0306	0.1155
0.0763	0.1097	0.0572	0.0823	0.2341	0.2098	0.1036	0.0656	0.1127
0	0	0	0.0118	0.0289	0.0254	0.0219	0.0096	0.0063
0	0.0368	0.0343	0	0	0	0.0117	0.0321	0
0	0.216	0.14	0.1274	0.1551	0.2628	0.2776	0.1406	0.1382
0.0229	0.0761	0.0756	0	0	0.005	0.0797	0.0322	0.0268
0.0082	0.0014	0	0	0	0	0	0	0
0	0.0305	0.0111	0.0067	0.0126	0	0.0017	0.0036	0
0.0133	0.0076	0.0161	0.0086	0.0022	0.0141	0.0169	0.0055	0.008
0.0455	0.069	0.0676	0.0258	0.0464	0.0011	0.0348	0.0529	0.0393
0	0	0	0	0	0.0374	0.0215	0	0
0	0.0056	0	0.0457	0.1393	0.0963	0.0542	0.0474	0.051
0.0163	0.0202	0.0084	0.0045	0	0	0.0195	0	0.0182
0.053	0.0367	0	0.0515	0.123	0.0599	0.0298	0.0103	0.0106
0.0084	0.071	0.0894	0	0	0.0423	0.0575	0.0161	0.0091
0.008	0.0531	0.0256	0.0477	0	1.00E-04	0.0363	0.0054	0.0855
0.0189	0.0596	0.0083	0.0418	0	0.0139	0.0266	0.0084	0.0519
0.0482	0.0503	0.0663	0.0398	0	0	0.0464	0.066	0
0.0095	0.0628	8.00E-04	0.0586	0.0392	0.0044	0.0095	0.0202	0.0278
0.1813	0.0412	0.1481	0.2257	0.0632	0	0.0713	0.1644	0.2608
0.1046	0.0477	0.0888	0.0875	0.1174	0.1867	0.0386	0.1388	0.161
0	0.1028	0.0683	0.0311	0.0205	0.1046	0.113	0.0403	0.0256
0.0245	0.1111	0.0056	0.0474	0.0544	0.0579	0.0781	0.0388	0.1094
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0222	0.0065	0	0.0199	0.0495	0	0.0044	0	0.0263
0	0.0597	0	0.0111	0.0216	0.044	0.0095	0.0248	0
0.2255	0.2491	0.3181	0.1996	0.0236	0	0.1404	0.3158	0.1385
0	0	0.0033	0	0.0094	0.0379	0.0354	0.0168	0
0.0725	0.0771	0.0417	0.1095	0.1093	0.1224	0.0921	0.0655	0.095
0	0.0793	0	0.0411	0.0469	0	0	0.0163	0.0408
0.1465	0.1996	0.1712	0.1535	0.2434	0.2525	0.2103	0.1021	0.172
0.1159	0.0454	0.0726	0.0329	0.0571	0.0768	0.0207	0.0589	0.0157

GSM342844	GSM342845	GSM342845	GSM342846	GSM342846	GSM342847	GSM342847	GSM342847	GSM342848
0.0376	0.0435	0.0948	0.0038	0	0.1168	0	0.067	0.0564
0.404	0.4248	0.4817	0.4319	0.3022	0.5635	0.3984	0.5164	0.4389
0.3904	0.388	0.4643	0.3781	0.2907	0.5513	0.3638	0.4972	0.4283
0.2155	0.2815	0.166	0.2295	0.1688	0.2346	0.2725	0.2157	0.2264
0.0237	0.0151	0.0147	0.0091	0.0214	0.0211	0.0264	0.0084	0.0238
0.0478	0.0092	0	0.0317	0.0321	0.0024	0.0269	0	0
0.1677	0.0973	0.1127	0.0746	0	0.1131	0.0409	0.1703	0.1262
0.0476	0.0242	0.0097	0.0282	0.051	0	0.0525	0.0164	0.0407
0.0448	0.0502	0.0223	0.0379	0.0218	0.0362	0.0349	0.0352	0.0402
0.0214	0.0212	0.0585	0.0745	0.0752	0.0803	0.047	0	0.013
0.2692	0.1116	0.1733	0.1386	0.1642	0.1552	0.2095	0.2769	0.1484
0.0122	0.055	0.0484	0.0163	0	0.0192	0.0274	0.0221	0.0383
0	0.0148	0.0103	0.0488	0	0.007	0.0114	0.0169	0
0.0016	0.0068	0	0.0133	0.014	0	0	0	0
0	0.0839	0.0291	0.0435	0.0629	0.0138	0.0611	0.0202	0.0274
0	0	0	0	0.0545	0.0041	0.0028	0	0.0108
0.0577	0.0494	0.0201	0.0591	0	0	0.0102	0.0568	0.0436
0.0455	0.0643	0.0667	0.0369	0.011	0.1043	0	0.089	0.0889
0.089	0.1566	0.1618	0.0759	0	0.0236	0.0147	0	0.0477
0	0.0348	0.0229	0.0194	0.0193	0	0.0255	0	0.0022
0.0282	0	0	0.0073	0.0579	0.067	0	0	0
0.2056	0.0723	0.154	0.1142	0	0.1649	0.0297	0.2301	0.1516
0.0492	0.0896	0.0233	0.0071	0.0076	0.0643	0.0457	0.044	0.0963
0	0	0.0074	0	0.004	0	0	0	0
0.0127	0.0044	0	0.0157	0.0188	0.0124	0.0139	0.0025	0.0138
0.0072	0.0057	0.0135	0.0161	0	0	9.00E-04	0.0099	0
0.0436	0.043	0.0527	0.0441	0.0635	0.0466	0.056	0.0507	0.0846
0.0562	0.013	0	0	0	0	0	0.0025	0
0.0618	0.022	0.0901	0.0568	0.0548	0.0768	0.0033	0.0368	0.0318
0.0074	0.0014	0.0048	0.0158	0.0077	0.0192	0	0	0.0084
0.0278	0.0364	0.1384	0.0192	0.0338	0.0402	0.0132	0.0339	0.0299
0.0276	0.0561	0	0.0285	0	0.0499	0.0132	0	0.0417
0.031	0.001	0.0229	0.0239	0.0201	0.0222	0.0317	0.0267	5.00E-04
0.0168	0.0114	0.0141	0.0126	0	0	0.0175	0.025	0.0029
0.0476	0.0185	0.0304	0.0277	0.0948	0.0437	0.0504	0.0677	0.0615
0.0136	0.0368	0.0174	0.0538	0.0115	0.0122	0.0346	0.0192	0.0106
0.0329	0.0557	0.1617	0.1605	0.1889	0.2165	0.2328	0.1108	0.1003
0.1215	0.1298	0.0948	0.0958	0.0566	0.1128	0.0604	0.1218	0.0944
0.0826	0.034	0.0354	0.0299	0	0.0415	0	0.0951	0.0612
0.0339	0.0548	0.0522	0.0436	0	0.0818	0.0418	0.0625	0.0682
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0.0125	0.0053	0.0214	0	0.0112	0	0	0
0.0146	0.0367	0.0015	0.0065	0.0086	0	0.0108	0.0287	0.0132
0.2268	0.132	0.1664	0.1839	0.3919	0.2343	0.2796	0.222	0.2501
0.0298	0	0.0286	0.0113	0	0.0126	0	0.0294	0.0155
0.049	0.0976	0.1286	0.0655	0	0.0483	0.0447	0.0681	0.0411
0	0.0287	0	0.007	0	0.0029	0.0253	0	0.0039
0.1613	0.2325	0.1656	0.1288	0.0216	0.1789	0.1159	0.1427	0.18
0.0679	0.1277	0.0151	0.054	0.1156	0.1139	0.0849	0.0213	0.042

GSM342848	GSM342849	GSM342849	GSM342850	GSM342850	GSM342851	GSM342851	GSM342851	GSM342852
0	0.0467	0.1196	0.1014	0	0	0	0	0.0473
0.4513	0.3117	0.6319	0.5482	0.4072	0.4698	0.3255	0.3416	0.4605
0.4399	0.3057	0.6117	0.5263	0.3648	0.4514	0.3255	0.3279	0.4347
0.223	0.0972	0.2784	0.2283	0.1429	0.2116	0.2006	0.1319	0.2387
0.0151	0.0139	0.0022	0.0136	0.0096	0.0224	0.0322	0.0249	0.0066
0.0358	0.0132	0	0	9.00E-04	0.0218	0	0	0.0573
0.0703	0	0.1505	0.1082	0.1141	0.1121	0	0.0164	0.0806
0.0387	0.0269	0	0	0.0507	0	0.1122	0.0529	0.0488
0.0603	0	0.1194	0.0654	0.0482	0.0725	0	0.0074	0.051
0.0604	0.0938	0.0143	0	0.0468	0.0231	0.168	0.1429	0
0.3026	0.3092	0.2591	0.2915	0.283	0.1522	0.3529	0.134	0.1607
0	0	0.0354	0.0125	0.0085	0.0469	0	0.0083	0.0256
0	0.0089	0.0077	0.02	0.0031	0.0089	0	0.0128	0.0123
0	0	0	0	0.0397	0	0	0.0175	0
0.036	0.0857	0	0.0049	0.033	0.016	0.1045	0.0854	0.0822
0	0.0173	0	0	0.0151	0	0	0.0443	0
0.0276	0	0.0387	0.0771	0.0202	0	0.0061	0	0
0.0218	0.0657	0.1689	0.1758	0	0.0317	0	0	0.0872
0	0	0.0653	0.038	0	0.093	0	4.00E-04	0.0631
0	0.0103	0	0	0	0.0109	0.0278	0.0132	0.0063
0.002	0.044	0	0.0592	0	0	0	0.039	0.0275
0.0881	0.0054	0.1611	0.1394	0.1131	0.1672	0	0.0469	0.0951
0.0431	0	0.0789	0.098	0.0023	0.0258	0	0	0.0585
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0058	0.0199	0.0029	0.018	0.0253	0.0095	0.0329	0.0103	3.00E-04
0	0	0	0.0044	0.0109	0.0047	0	0	0.0048
0.0663	0.0506	0.0441	0.0628	0.074	0.0601	0.0554	0.0561	0.0622
0	0	0	0	0	0	0.0121	0	0
0.0145	0.0775	0.0219	0.0399	0	0.1019	0.0582	0.0475	0.0225
0.0159	0.0134	0.0112	0.0133	0.0129	0.014	0	0	0.0156
0	0.0452	0.0609	0.0165	0	0.0959	0	0.0699	0.0219
0.0245	0	0.0734	0	0.0587	0.0568	0	0	0.0063
0.029	0	0.0876	0.0618	0.0387	0.0129	0.0012	0	0.0238
0.0013	0	0.0336	0.0549	0.0297	0.0142	0.0069	0	0.0026
0.0574	0.072	0	0.0114	0.1	0.0236	0.0985	0.0911	0.0568
0.0114	0.006	0.0202	0.0218	0.0424	0.0184	0	0.0137	0.0258
0.2855	0.1778	0.2011	0.1598	0.1748	0.1833	0.2595	0.256	0.1805
0.0964	0.037	0.1919	0.1672	0.0057	0.0783	0	0	0.0924
0.0419	0	0.0567	0.0465	0.0603	0.0269	0	0	0.024
0.0106	0	0.0068	0.0348	0.0943	0.0702	0	0.0124	0
0	0	0	0	0	0	0.0188	0	0
0	0	0	0	0	0	0.0296	0.0539	0.0098
0	0.0013	0.0173	0.0396	0.018	0.0465	0.0303	0.0217	0.0102
0.3154	0.2202	0.1086	0.1267	0.2753	0.1434	0.3043	0.2268	0.2708
0.0126	0.029	0.0131	0.024	0.0249	0.0187	0.012	0.0374	0
0.0464	0	0.0827	0.0802	0.0197	0.0765	0.0116	0.0614	0.0691
0	0	0	0	0.0333	0.0253	0	0	0
0.0594	0.0043	0.2294	0.1607	0.1017	0.2209	0	0.0648	0.1216
0.0242	0.1966	0.073	0.0076	0.1432	0.1425	0	0	0.093

GSM342852GSM342853GSM342853GSM342853GSM342854GSM342854GSM342854GSM342855GSM342855

0.0688	0.0494	0.1536	0.0957	0	0	0	0.117	0.111
0.3083	0.4867	0.5226	0.4361	0.3287	0.479	0.475	0.5324	0.4423
0.3083	0.4779	0.4835	0.4217	0.3219	0.4524	0.4399	0.4955	0.4205
0.0968	0.2403	0.2714	0.1945	0.081	0.1535	0.1479	0.1891	0.1337
0.0193	0.0084	0	0.0165	0.0229	0.0248	0.0016	0.0132	0.0023
0.0261	0.0577	0.0415	0	0.048	0.084	0.0423	0.0342	0.0697
0	0.201	0.1093	0.1065	0.1789	0.2033	0.0431	0.1366	0
0.0645	0.0319	0	0.1136	0.0185	0	0.0415	0.0168	0.0617
0.0138	0.0326	0.0653	0.0104	0.0186	0.1298	0.0369	0.0269	0.091
0.1432	0	0.0208	0.054	0	0.0027	0.0329	0.0405	0
0.1289	0.1077	0.0408	0.1586	0.1138	0.08	0	0.0214	0.0989
0	0.0386	0.0703	0.0115	0.0417	0.0727	0.0661	0.0751	0.0815
0	0	0.0121	0	0	0.0021	0.0259	0	0.0084
0	0.0064	0	0.0172	0.0743	0.0313	0.0335	0.0062	0.0701
0.0236	0.0042	0.0246	0.0669	0.0319	0	0.0538	0.0093	0
0.0492	0	0	0.0258	0.0741	0	0.0484	0	0
0	0.0508	0.0976	0.0383	0.0272	0.0088	0.03	0.0074	0.0788
0.0468	0.0279	0.1414	0.0228	0	0	0	0.0586	0.0876
0	0.152	0.1678	0.1233	0.093	0.1624	0.157	0.1796	0.2161
0	0.0035	0.0024	0.0311	0.0089	0.0118	0	0.0173	0
0.0786	0.0158	0	0.0454	0.0188	0	0	0.1028	0
0	0.2237	0.1363	0.1641	0.2432	0.2546	0.0647	0.1554	0
0	0.0803	0.0778	0	0.0877	0.0431	0.0131	0.0175	0.0155
0.0034	0	0	0	0.0089	0	0.0122	0.0041	0.0128
0.0285	0	0	0.0192	0.0235	0.0051	0.003	0.0014	0
0	0	0	0.0061	0.0012	0.0158	0	0.0057	0.014
0.0426	0.03	0.0293	0.054	0.0597	0.0358	0.041	0.049	0.0233
0	0	0	0.0011	0	6.00E-04	0	0	0
0	0	0.0775	0.0724	0.0412	0.0212	0	0.0719	0
0.0136	9.00E-04	0	0.0052	0.0029	0.0191	0.007	0.0179	0.0252
0.0667	0.0301	0.0701	0.0462	0.0191	0.0076	0.057	0.0598	0.0127
0	0	0.0513	0	0.0164	0.1104	0	0	0.0711
0	0.0311	0.028	0	0.0089	0	0	0.0053	0.0536
0	0.0305	0.0346	0.0049	0.0167	0.0083	0	0.0259	0.0592
0.1082	0.0223	0.0045	0.0252	0.0661	0.0142	0.0435	0	0
0	0.0088	0.039	0.0144	0.0068	0.0266	0.035	0.0369	0.0218
0.1883	0.1554	0.0596	0.1081	0	0	0.247	0.1348	0.066
0.0318	0.0808	0.1623	0.064	0.05	0.1577	0.0958	0.1051	0.1359
0	0.0828	0.0413	0.0425	0.1046	0.1121	0.0081	0.0309	0
0.0244	0.0914	0.0273	0.0837	0.051	0.0768	0.0751	0.0919	0.0563
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0045	0	0.0015	0.0286	0	0.0416	0.0131	0.0399	0
0.0118	0	0.0101	0.0492	0.0279	0.0575	0	0.0252	0.0541
0.2921	0.1496	0.1334	0.1282	0.278	0.0736	0.1212	0	0
0.0385	0.016	7.00E-04	0.0271	0.0364	0.0184	0	0	0
0.0138	0.0948	0.1028	0.0927	0.0509	0.0815	0.0776	0.0896	0.1202
0	0	0.0368	0.0063	0	0.051	0.0157	0.0374	0.0352
0.0158	0.2159	0.2332	0.1282	0.135	0.2677	0.1966	0.2456	0.312
0.0485	0.0231	0.0866	0	0.0862	0.142	0.0364	0.0633	0.1572

GSM342856GSM342856GSM342857GSM342857GSM342858GSM342858GSM342859GSM342859GSM342860

0.0992	0	0.062	0.0727	0.0595	0.092	0.0115	0.0731	0.0852
0.4706	0.5026	0.4157	0.4402	0.5135	0.3532	0.3766	0.4325	0.4534
0.4284	0.4589	0.3823	0.4048	0.4734	0.3389	0.3633	0.429	0.4383
0.1815	0.2288	0.1864	0.1977	0.1913	0	0.1346	0.2225	0.2087
0.0166	0.0018	0.0029	0.0079	0.0188	0.0142	0.0172	0.0325	0
0.0066	0.0421	0.0387	0.0382	0.0238	0.0242	0.0408	0.0049	0.0396
0.1788	0.1032	0.1025	0.1303	0.1666	0.0221	0.107	0.1867	0.1498
0.0746	0.0059	0.0337	0.0692	0	0.0151	0.0543	0.0722	0.0042
0	0.0263	0.0214	0.0343	0.0767	0	0.018	0.0804	0.0125
0	0.0249	0.0241	0	0	0.1924	0.0161	0	0.0294
0.0443	0.0186	0.1394	0.1838	0.0609	0	0.1047	0.286	0
0.0604	0.0666	0.0436	0.065	0.0688	0.0289	0.0048	0.0434	0.0459
0	0.0286	0	0	0.03	0.0287	0.0032	0	0.0016
0.0316	0.0515	0.0356	0	0.034	0	0.0301	0.0083	0
0.0661	0.0102	0.0326	0.0414	0	0.0562	0.0401	0.0455	0.0564
0	0	0	0	0	0.0231	0.1181	0.0187	0.0255
0.0838	0.0455	0.0547	0.0856	0.041	0	0.0017	0.0202	0.0039
0.0658	0	0.0393	0.0486	0.0556	0.0763	0.0043	0.0414	0.0445
0.1688	0.1476	0.0911	0.1167	0.1901	0.0907	0	0.0568	0.0851
0.0389	0	0.0116	0	0.0098	0.0268	0.0127	0.0265	0.0112
0.0157	0.0128	0	0	0	0.0842	0.1425	0.071	0.018
0.2264	0.1215	0.1278	0.1428	0.1969	0.0064	0.1183	0.2284	0.1587
0	0.0323	0.0449	0.0337	0.0194	0	0.0517	0.0087	0
0	0	0	0.0011	0	0	0.0013	0	0
0	0.0208	0.0071	0.0025	0.0032	0.0054	0.0241	0.0165	0
0.0033	0	0	0.0062	0.013	0.0039	0.0045	0	0
0.0398	0.0697	0.0229	0.0328	0.0298	0.0375	0.0425	0.057	0.0316
0.0344	0	0.0056	0	0.0284	0	0	0.0272	0
0.0671	0	0.0181	0.047	0.0338	0.0669	0	0	0.0014
0.0202	0.0252	0.0058	0	0.002	0.0144	0.0103	0.0082	0.0076
0.0616	0.0401	0.0578	0.0356	0.073	0.1467	0.023	0.0046	0.0532
0	0.0752	0.0382	0.024	0.0215	0	0	0	0
0.0055	0.0469	0.0304	0.025	0	0	0.0187	0.0092	0
0.0384	0.0299	0.0178	0.0203	0.0284	0	0	0.0154	0
0	0.0555	0.0469	0.0415	0.0212	0.0646	0.0863	0.0069	0.0732
0.0422	0.0438	0.0334	0.0354	0.0402	0.0144	0.0133	0.0035	0.015
0.0163	0.2349	0.1281	0.0135	0.0664	0.128	0.1375	0.0729	0.1709
0.0674	0.0496	0.049	0.0977	0.1438	0.0571	0.0639	0.0869	0.0436
0.0764	0.035	0.0343	0.0339	0.0726	0	0.0278	0.1016	0.0452
0.0373	0.1088	0.0577	0.1247	0.0932	0.0015	0.0514	0.0159	0.0473
0	0	0	0	0	0	0	0	0
0.028	0.0456	0.0071	0	0.0114	0.0621	0	0	0.0241
0.0547	0.0081	0	0.0063	0.0356	0.0148	0	0.0435	0
0.1399	0.1214	0.2249	0.1066	0.0348	0.0822	0.209	0.2126	0.2165
0.0306	0	0.0248	0	0.0126	0.0302	0	0	0.0297
0.0806	0.0777	0.1043	0.1073	0.1113	0.0599	0.0509	0.08	0.0506
0.0425	0.0315	0.0667	0.0233	0.0044	0	0	0	0
0.1602	0.2246	0.1794	0.2507	0.2484	0.1485	0.1298	0.1306	0.1209
0.0691	0.0481	0.0973	0	0.0678	0.1098	2.00E-04	0.0366	0

GSM34286C	GSM34286I	GSM34286I	GSM34283I	GSM34283I	GSM34283I	GSM34283I	GSM34283I	GSM34283I	GSM34283I
0	0.0475	0.1029	0.049	0.1043	0.0595	0.1458	0.0667	0.0796	
0.2632	0.4399	0.5051	0.5073	0.6089	0.5642	0.5986	0.5401	0.4904	
0.2434	0.4399	0.4877	0.4811	0.5873	0.5472	0.5843	0.5178	0.4396	
0	0.12	0.2381	0.2643	0.2874	0.2985	0.2836	0.3041	0.2291	
0.014	0.0309	0.0127	0.012	0.0076	0	0	0	0.01	
0	0	0.0416	0.0166	0	0.0691	0	0.0032	0.0583	
0	0.082	0.1452	0.1301	0.1498	0.1399	0.1764	0.097	0.1559	
0.0655	0.0068	0.0158	0.0258	0.0238	0.0252	0.0119	0.0373	0	
0	0.0269	0.1124	0.0785	0.0664	0.0983	0.0654	0.0834	0.0235	
0.0609	0.1947	0	0	0	0.025	0	0.0248	0.0175	
0.006	0.1779	0.0879	0.1523	0.2023	0.1322	0.1895	0.2046	0.0014	
0	0	0.1066	0.0289	0.0229	0.0319	0.0274	0.0303	0.0661	
0	0	0.0033	0.0099	0.0121	0	0.0107	0.0323	0.0192	
0	0	0.024	0	0	0	0	0	0.0159	
0.0378	0.0525	0	0.0122	0.0317	0.033	0.0114	0.0467	0.0177	
0.099	0.0473	0.026	0	0	0.0017	0	0.0156	0	
0	0	0	0.046	0.0537	0.0515	0.1052	0.0268	0.0597	
0	0.0456	0.1206	0.056	0.086	0.0326	0.1119	0.0811	0.0229	
0.1071	0	0.1817	0.0707	0.0602	0.0705	0.0979	0.0432	0.1217	
0	0.0205	0.0037	0	0.002	0.0043	0.0013	0.0039	0	
0.135	0.131	0	0	0	0.019	0.0249	0.0419	0.0181	
0.0373	0.13	0.1565	0.1434	0.1962	0.1598	0.1946	0.1079	0.1579	
0.0251	0.0306	0.074	0.0381	0.0678	0.0368	0.0746	0.0796	0.0435	
0	0	0	0	0	0	0	0	0.0112	
0.0311	0.0161	0.0131	0.0176	0.0064	0	0.0206	0	0	
0	0	0	0	0.0128	0.0046	0.005	0	0	
0.0914	0.0685	0.0169	0.0517	0.0518	0.0244	0.0305	0.0404	0.0365	
0	0	0.0084	0	0	0	0.0089	0	0	
0.0564	0	0.0403	0.0394	0.037	0	0.0043	0.0071	0.0409	
0	0.0174	0.0021	0	0	0.013	0.0111	0.0111	0.0205	
0.0796	0.0106	0.0512	0.0052	0.0573	0.0409	0.0161	0	0.0214	
0	0	0.0349	0.0304	0.0359	0.0509	0.0297	0.0042	0	
1.00E-04	0	0.0454	0.0401	0.0525	0.0409	0.0294	0.0428	0	
0	0	0.0042	0.0106	0.0256	0.0224	0.0385	0.0073	0.0179	
0.0924	0.0744	0	0.0451	0.0341	0.0129	0.0511	0.0354	0.063	
0.0198	0	0.0174	0.0262	0.0216	0.017	0.0142	0.0224	0.0508	
0.1976	0.1833	0.0662	0.241	0.2047	0.2424	0.1349	0.3036	0.1451	
0	0.0739	0.1766	0.1149	0.1167	0.1286	0.1445	0.0879	0.0566	
0	0.0195	0.044	0.0269	0.0514	0.0387	0.0805	0.0206	0.0438	
0.0364	0.0676	0.1074	0.0095	0.0664	0.0275	0.0734	0.0478	0.0401	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	
0	0.0452	0	0	0	0.0205	0	0.0214	0	
0	0.0117	0.0016	0	0	0	0.0352	0	0	
0.3402	0.3283	0.018	0.2607	0.1305	0.1365	0.1179	0.2186	0.2631	
0.0036	0.0354	0.0125	0.0136	0.0475	0.0316	0.0333	0	0.0081	
0.0187	0.0425	0.0956	0.0739	0.0694	0.0686	0.0955	0.0626	0.0762	
0	0	0.013	0.0047	0	0.001	0	0	0.0363	
0.0185	0.0947	0.3059	0.1215	0.2006	0.1803	0.1909	0.1305	0.1376	
0.0775	0	0.0188	0.0439	0.0363	0.0492	0.0176	0.0482	0.1052	

GSM342831	GSM342831	GSM342831	GSM342831	GSM342832	GSM342832	GSM342832	GSM342832	GSM342832
0.1437	0.1689	0.0878	0.1414	0.1556	0.0619	0.1063	0.1577	0.1542
0.5122	0.5564	0.5583	0.6058	0.502	0.553	0.5117	0.584	0.5278
0.4917	0.5064	0.53	0.605	0.4775	0.5267	0.4926	0.5547	0.5055
0.218	0.2444	0.2247	0.1895	0.2745	0.2494	0.2212	0.2491	0.2734
0.0052	0.0045	0.0035	0.0054	0	0.0036	0.0117	0.0075	0.0078
0.0789	0.0462	0.0862	0.0979	0.0456	0.0741	0.0506	0.0581	0.0609
0.1391	0.1698	0.175	0.118	0.1388	0.1624	0.1613	0.1954	0.1765
0.0035	0.033	0	0	0	0	0	0	0
0.0581	0	0.0772	0.068	0.0798	0.0696	0.0894	0.079	0.0525
0	0	0.0328	0.0197	0.0072	0	0.012	0	0.011
0	0.0063	0	0.055	0.0715	0.0643	0.1425	0	0.0377
0.074	0.0508	0.0816	0.0525	0.0505	0.0375	0.0485	0.0811	0.0552
0.0125	0.0342	0.0329	0.0016	0.0096	0.0251	0.0158	0	0.0114
0.035	0	0	0	0	0	0	0	0
0.0029	0.0535	0.0285	0.0042	0.0233	0.0336	0	0.0065	0.033
0	0.0092	0	0	0	0	0	0	0
0.0679	0.0965	0.0334	0.0087	0.1113	0.0625	0.0483	0.0637	0.0516
0.0836	0.0773	0.0398	0.0828	0.0934	0.0618	0.0791	0.0778	0.1228
0.1858	0.1566	0.1951	0.1252	0.1754	0.1157	0.1073	0.1874	0.1617
0	0.019	0.0024	0	0	0.0403	0	0	0.0125
0	0	0	0	0	0	0.0105	0	0
0.1284	0.1818	0.1768	0.1184	0.1954	0.1833	0.1879	0.2413	0.1802
0.038	0.0469	0.038	0.0275	0.0485	0.0494	0.0068	0.0564	0.0132
0.0088	0.0045	0.0058	0.0052	0.0019	0	0.0014	0.0056	0.0035
0	0	0	0	0.01	0.0017	0.0168	0	0
0	0.0091	0	0	0.0021	0	0	0	9.00E-04
0.0318	0.0221	0.0386	0.0327	0.0358	0.0486	0.0476	0.0359	0.036
0	0	0	0	0.0011	0	0	0.0033	0
0.0185	0.0175	0.0121	0.0092	0.0363	0.016	0.0379	0.0592	0.0369
0.0147	0.0054	0.0235	0.013	0.013	0.0254	0.0281	0.0114	0.0143
0.0461	0.0264	0.0392	0.0472	0.0241	0.0299	0	0.0655	0.0304
0	0	8.00E-04	0	0	0	0.0108	0	0.0049
0.034	0.0568	0.0197	0.0559	0.0358	0.014	0.0154	0.0077	0.0432
0.0537	0.0585	0.0131	0.0351	0.0328	0.061	0.0098	0.0253	0.022
0.0083	0.0634	0.0267	0.0498	0.0109	0.0229	0	0.0133	0.019
0.0206	0.05	0.0283	8.00E-04	0.0245	0.0263	0.0191	0.0294	0.0223
0.1637	0.0877	0.1706	0.2757	0.0734	0.1884	0.1755	0.0989	0.1077
0.0947	0.0424	0.1206	0.1427	0.0989	0.11	0.1147	0.1336	0.1189
0.0299	0.0794	0.0566	0.0196	0.0764	0.0612	0.0707	0.0725	0.0455
0.0364	0.0176	0.0507	0.0215	0.0228	0.0597	0.0658	0.0485	0.0273
0	0.0297	0	0	0	0	0	0	0
0.0021	0	0.0129	0	0.0173	0.0201	0.0115	0.0142	0
0	0	0	0.0394	0.0095	0.0905	0.0081	0	0
0.0716	0.1992	0.0956	0.0963	0.195	0.2319	0.1924	0.0945	0.1119
0.022	9.00E-04	0.0096	0.0085	0.0275	0.0115	0.0273	0.0244	0.0373
0.0937	0.1012	0.0893	0.0777	0.1061	0.0473	0.0762	0.095	0.0903
0.023	0.0345	0.0086	0	0.0269	7.00E-04	0.0051	0.0466	0.0202
0.2036	0.1386	0.2024	0.1821	0.1614	0.1345	0.1589	0.2077	0.1736
0.1009	0	0.0906	0.0657	0.065	0.0726	0.1167	0.0456	0.1343

GSM342832	GSM342832	GSM342832	GSM342832	GSM342832	case	control
0.1652	0.0975	0.1139	0.0881	0.1338	0.049404688	0.043778448 0.114045
0.5776	0.545	0.5552	0.5015	0.5322	0.44559375	0.08230126 0.54661
0.528	0.4983	0.5409	0.4795	0.4952	0.424535938	0.077757091 0.519465
0.2222	0.2488	0.2285	0.2672	0.2363	0.188332813	0.061635416 0.25071
0.0079	0.0126	0.003	0.0125	0.0113	0.01436875	0.0082931 0.006305
0.064	0.0626	0.0691	0.0383	0.0444	0.027471875	0.023756566 0.051205
0.1908	0.1586	0.1368	0.1288	0.1434	0.100865625	0.06132184 0.15219
0	0	0	0.0272	0.002	0.034075	0.02966077 0.009485
0.0985	0.0988	0.0626	0.0902	0.0777	0.039682813	0.036342308 0.070845
0	0	0.0188	0.0078	0.0032	0.053776563	0.062214908 0.00899
0.0089	0.0012	0.0576	0.2668	0.0812	0.1480375	0.089630202 0.083765
0.0698	0.0775	0.0419	0.0211	0.0618	0.033735938	0.026518872 0.050565
0.0205	0.0169	0.0159	0.005	0.0183	0.00814375	0.010941038 0.015195
0.0078	0.007	0.004	0	0	0.0154625	0.020482734 0.003485
0.0041	0.0402	0.0185	0.0128	0	0.037923438	0.029292947 0.02069
0	0	0	0	0	0.016346875	0.027806171 0.001325
0.0297	0.0813	0.0397	0.0496	0.0297	0.036617188	0.032823088 0.05584
0.0908	0.0512	0.0573	0.0632	0.0662	0.048225	0.04328688 0.07188
0.1589	0.1533	0.1248	0	0.1337	0.085034375	0.065567351 0.122255
0	0.0017	0	0.0104	0	0.011290625	0.011326409 0.00489
0	0	0	0.0603	0	0.029626563	0.040766724 0.008735
0.2022	0.1692	0.1263	0.1456	0.1381	0.127478125	0.077258501 0.166735
0.0703	0.0574	0.0427	0.0545	0.0614	0.03306875	0.031496127 0.04757
0.01	0	0.0011	0	0.0043	0.001448438	0.003398645 0.003165
0.0044	0.0048	0	0.0227	0	0.00983125	0.009630571 0.00525
0.0055	0	0	0	0.0031	0.004621875	0.005357815 0.002155
0.0282	0.0328	0.0484	0.0745	0.0287	0.046610938	0.017877929 0.03885
0	0	0	0	0	0.005645313	0.012208388 0.000665
0.0124	0.0143	0.0072	0.0339	0.0381	0.037484375	0.03253431 0.02391
0	0.0141	0.0193	0.0139	0.0187	0.009846875	0.008160006 0.013525
0.0316	0.0103	0.0363	0	0.0433	0.041978125	0.032307159 0.02856
0.0514	0.0097	4.00E-04	0.0192	0.0267	0.026754688	0.031900256 0.01375
0.0612	0.0141	0.0835	0.0239	0.0266	0.02393125	0.025649851 0.034875
0.0396	0.0172	0.0345	0.0026	0	0.018445313	0.019248541 0.026375
0.0153	0.0271	0.0272	0.0334	0.0425	0.043176563	0.034609737 0.03007
0.0496	0.0466	0.0143	0.022	0.037	0.021059375	0.015499408 0.02715
0.1302	0.0923	0.2872	0.2248	0.1484	0.1460625	0.081190922 0.17481
0.0939	0.1119	0.0731	0.0843	0.099	0.08881875	0.051768115 0.104395
0.0785	0.0608	0.0268	0.0571	0.0363	0.041264063	0.034290317 0.05166
0.0309	0.0533	0.0689	0.0339	0.0736	0.053275	0.032480935 0.04378
0	0	0	0	0	0.00029375	0.00235 0.001485
0	0	0.0405	0.0027	0.0075	0.014523438	0.021048921 0.008535
0.0315	0.0351	0.0023	0	0	0.018704688	0.018608331 0.01258
0.1085	0.0775	0.1579	0.2995	0.09	0.18490625	0.094960316 0.157455
0.0109	0.035	0.022	0.0188	0.0304	0.01646875	0.015450884 0.02101
0.0682	0.0938	0.0813	0.0493	0.072	0.071607813	0.03190988 0.07938
0.0504	0.0544	0.0118	0.0267	0.0346	0.014123438	0.02017693 0.019275
0.2065	0.2476	0.1638	0.1338	0.2151	0.158370313	0.073699367 0.17455
0.0821	0.0884	0.0312	0.104	0.1091	0.060323438	0.047695312 0.07033

0.1415	0.178	0.1113	0.1137	0.1623	0.115348438	0.059788824	0.127055
0.007	0.0995	0.1095	0.0677	0.0602	0.084290625	0.08856768	0.070145
0.1801	0.1606	0.1646	0.1911	0.1496	0.1696375	0.056101033	0.178375
0.0664	0.0846	0.0454	0.0467	0.0625	0.059184375	0.041438412	0.06538
0.1344	0.0833	0.1303	0.0467	0.1093	0.108425	0.053427355	0.099775
0.0482	0.0291	0.0577	0.0579	0.0609	0.054535938	0.029823318	0.05094
0	0	0	0	0.0628	0.009178125	0.020013983	0.007175
0.0927	0.0724	0.0935	0.0398	0.0683	0.073520313	0.033309125	0.07009
0.0069	0.02	0.0155	0	0.0125	0.007842188	0.014700651	0.00663
0.0983	0.0908	0.0904	0.1168	0.0922	0.113520313	0.048738421	0.116635
0.0059	0.0033	0	4.00E-04	0	0.001785938	0.002844201	0.0016
0.0501	0.0333	0.0204	0.0694	0.0325	0.048335938	0.029756324	0.047165
0	0	0.007	0.0196	0.0032	0.005110938	0.005430955	0.00492
0.0205	0.0182	0.0067	0.028	0.0104	0.0090875	0.010937535	0.008985
0.004	0.0055	0.0019	0.0041	0.0032	0.002326563	0.001772474	0.00231
0.0185	0.0193	0.0322	0.038	0.0246	0.028901563	0.015954981	0.028835
0.0284	0.022	9.00E-04	0.0124	0.0212	0.019851563	0.015286273	0.01984
0	0	0	0	0	0	0	0

0.039095719 7.72E-08
0.036157825 9.05E-07
0.041633859 1.35E-06
0.030342066 3.88E-05
0.004451194 7.97E-05
0.027945181 0.000343
0.024792718 0.000478
0.013466929 0.000576
0.024447397 0.000577
0.010600839 0.002004
0.084058985 0.005702
0.019975914 0.010715
0.010219356 0.012506
0.008462753 0.012983
0.016137465 0.014121
0.003945534 0.018724
0.026665874 0.01954
0.024863598 0.022772
0.052737827 0.023254
0.009785322 0.025594
0.016677381 0.028705
0.033530619 0.030527
0.01888528 0.054887
0.003644358 0.056034
0.007835983 0.056536
0.003590994 0.057786
0.012140298 0.073735
0.002083336 0.07414
0.016215843 0.076786
0.007934195 0.080313
0.019139306 0.08232
0.017593794 0.086036
0.020696678 0.086104
0.0177707 0.105594
0.018071702 0.108817
0.013410699 0.117802
0.069651228 0.157524
0.026645479 0.20086
0.02072363 0.203647
0.019854407 0.220657
0.006641122 0.224913
0.011081244 0.227028
0.023172048 0.229776
0.069848358 0.236032
0.012898262 0.23753
0.016209309 0.29917
0.018612386 0.313406
0.034767748 0.346695
0.03599911 0.390576

0.026853021 0.399672
0.037726432 0.49052
0.025193209 0.502562
0.016616973 0.517329
0.061107514 0.543168
0.016055312 0.607975
0.016058278 0.684415
0.040198113 0.703227
0.008942865 0.728504
0.02633953 0.785659
0.002128751 0.788387
0.027204668 0.875931
0.006130304 0.894457
0.00923137 0.969887
0.001669195 0.970603
0.012159479 0.986367
0.012212608 0.997546
0 #DIV/0!