

S1 Table 1: Morphological and biochemical characterization of gram-positive bacteria isolated from environmental samples at Tikur Anbessa Specialized Teaching Hospital, Ethiopia, 2018.

code	Gram rxn & Shape	MSA	Catalase	Coagulase		DNases	Salt tolerance	Bile esculin	CAMP	Bacitracin disk	Optochin disk	Isolates
				Slide	Tube							
06TS	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
09TS	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
12TS	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
13TS	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
15TS	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	CoNS
07TP	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
08TP	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
10TP	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
11TP	+(cocci)	+	-	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
15TP	+(cocci)	NT	-	NT	NT	NT	+	+	-	R	R	<i>Enterococcus spp</i>
05TM	+(cocci)	-	+	+	+	+	-	NT	NT	R	NT	CoNS
07TM	+(cocci)	-	+	+	+	+	-	NT	NT	R	NT	CoNS
08TM	+(cocci)	-	+	+	+	+	-	NT	NT	R	NT	CoNS
09TM	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
13TM	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
16TM	+(cocci)	NT	-	NT	NT	NT	+	+	-	R	R	<i>Enterococcus spp</i>
17TM	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
02TMS	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
03TMS	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
04TMS	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
05TMS	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
07TMS	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	CoNS
08TMS	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
09TMS	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
10TMS	+(cocci)	NT	-	NT	NT	NT	-	-	+	R	R	<i>GBS (Mauve)*</i>

10TMS	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
12TMS	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
13TMS	+(cocci)	NT	-	NT	NT	NT	NT	-	+	R	R	<i>GBS (Mauve)*</i>
13TMS1	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
15TMS	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
01TOE	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
02TOE	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
03TOE	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
04TOE	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
05TOE	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
06TOE	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
07TOE	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
08TOE	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
09TOE	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
10TOE	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
11TOE	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
12TOE	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
01TON	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
02TON	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
03TON	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
04TON	+(Rod)	NT	+	NT	<i>Bacillus spp (spore)</i>							
05TON	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
06TON	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
07TON	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
11TON	+(cocci)	+	-	NT	NT	NT	NT	-	+	R	R	<i>GBS (Mauve)*</i>
12TON	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
13TON	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
14TON	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
15TON	+(Rod)	NT	+	NT	<i>Bacillus spp(spore)</i>							
01TOER	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
08TOER	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>

09TOER	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
11TOER	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
14TOER	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
01GO	+(cocci)	-	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
02GO	+(cocci)	-	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
03GO	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
05GO	+(Rod)	NT	<i>Bacillus spp(spore)</i>									
06GO	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
07GO	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
09GO	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
11GO	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
12GO	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
14GO	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
03PO	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
04PO	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
05PO	+(cocci)	NT	-	NT	NT	NT	+	+	-	R	R	<i>Enterococcus spp</i>
06PO	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
07PO	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
08PO	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
09PO	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
12PO	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
13PO	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
14PO	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
16PO	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
01CV	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
02CV	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
03CV	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
04CV	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
05CV	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
07CV	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
08CV	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>

09CV	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
10CV	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
11CV	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
13CV	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
14CV	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
01GI	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
03GI	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
05GI	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
07GI	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
08GI	+(Rod)	NT	+	NT	<i>Bacillus spp (spore)</i>							
09GI	+(cocci)	-	+	-	-	-	NT	NT	NT	R	NT	<i>CoNS</i>
10GI	+(Rod)	NT	+	NT	<i>Bacillus spp(spore)</i>							
11GI	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
12GI	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>
13GI	+(Rod)	NT	+	NT	<i>Bacillus spp (spore)</i>							
14GI	+(cocci)	+	+	+	+	+	NT	NT	NT	R	NT	<i>S. aureus</i>

Key: MSA: Manitol Salt Agar; *Mauve colony color on Chromagar TM Strep B base; + (Positive) ; - (Negative); NT: Not tested

S 1Table 2: Morphological and biochemical characterization of gram-negative bacteria isolated from environmental samples at Tikur Anbessa Specialized Teaching Hospital, Ethiopia, 2018

Code	Gram rxn & shape	Lactose	Indole	Urea	Glucose	Mannitol	Catalase	Citrate	H ₂ S	Cracks/Gas	Motility	LDC	Malonate	Oxidase	Identified Organism
01TS	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	+	-	-	+	<i>P. aeruginosa</i>
02TS	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
03TS	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
04TS	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
05TS	Rod (-)	+	-	+	+	+	+	+	+	+	-	+	+	-	<i>K. pneumoniae</i>
07TS	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
08TS	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
10TS	Rod (-)	+-	-	+	+/-	+	+	+	-	-/+	+	+	-	+	<i>S. marcescens</i>
11TS	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
13TS	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	+	-	-	+	<i>P. aeruginosa</i>
14TS	Rod (-)	+	+	-	+	+	+	-	-	+	+	+	-	-	<i>E. coli</i>
01TP	Rod (-)	-	-	+	+	+	+	+	-	+	-	+	-	+	<i>P. aeruginosa</i>
02TP	Rod (-)	+	+	+	+	+	+	+	-	+	-	+	-	-	<i>K. oxytoca</i>
02TP	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	+	-	-	+	<i>A. baumannii</i>
03TP	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	+	-	-	+	<i>P. aeruginosa</i>
04TP	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
04TP	Rod (-)	+	+	+	+	+	+	+	-	+	-	+	-	-	<i>K. oxytoca</i>
05TP	Rod (-)	+	+	-	+	+	+	-	-	+	+	+	-	-	<i>E. coli</i>
07TP	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
08TP	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
09TP	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
10TP	Rod (-)	+	+	-	+	+	+	-	-	+	+	+	-	-	<i>E. coli</i>
11TP	Rod (-)	+-	-	-	+/-	+	+	+	-	-/+	+	+	-	+	<i>P. aeruginosa</i>
12TP	Rod (-)	+	-	+	+	+	+	+	+	+	-	+	+	-	<i>K. pneumoniae</i>
12TP	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	+	-	-	+	<i>P. aeruginosa</i>
13TP	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
13TP	Rod (-)	+	-	+	+	+	+	+	+	+	-	+	+	-	<i>K. pneumoniae</i>
15TP	Rod (-)	+	+	-	+	+	+	+	-	-	+	+	+	-	<i>E. coli</i>
16TP	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
17TP	Rod (-)	+	+	-	+	+	+	-	-	+	+	+	-	-	<i>E. coli</i>
02TM	Rod (-)	+	-	+	+	+	+	+	+	+	-	+	+	-	<i>K. pneumoniae</i>
02TM	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
04TM	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>

05TM	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
07TM	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
08TM	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
09TM	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	+	<i>P. aeruginosa</i>
11TM	Rod (-)	+	+	+	+	+	+	+	+	-	+	-	+	-	-	-	<i>K. oxytoca</i>
12TM	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
13TM	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
14TM	Rod (-)	+	+	-	+	+	+	+	-	-	+	+	+	-	-	-	<i>E. coli</i>
14TM	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
15TM	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
17TM	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>Acinetobacter</i> <i>spp</i>
18TM	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	+	-	-	-	+	<i>P. aeruginosa</i>
01TMS	Rod (-)	+	-	-	+	-	-	+	-	-	-	+	+	-	-	-	<i>E. cloacae</i>
02TMS	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
03TMS	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
03TMS	Rod (-)	+	+	+	+	+	+	+	+	-	+	-	+	-	-	-	<i>K. oxytoca</i>
04TMS	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
04TMS	Rod (-)	+	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	-	<i>K. pneumoniae</i>
05TMS	Rod (-)	+	+	-	+	+	+	+	+	-	-	+	+	+	-	-	<i>E. coli</i>
07TMS	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
07TMS	Rod (-)	+	+	-	+	+	+	+	-	-	+	+	+	+	-	-	<i>E. coli</i>
09TMS	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
10TMS	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
11TMS	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
12TMS	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
13TMS	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
13TMS	Rod (-)	+	+	-	+	+	+	+	-	-	+	+	+	-	-	-	<i>E. coli</i>
15TMS	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
15TMS	Rod (-)	+	-	-	+	-	+	+	-	-	-	+	+	-	-	-	<i>E. cloacae</i>
08TON	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	+	-	-	-	+	<i>P. aeruginosa</i>
01TOER	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
02TOER	Rod (-)	+	-	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	+	-	-	<i>K. pneumoniae</i>
05TOER	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	+	-	-	-	+	<i>P. aeruginosa</i>
05TOER	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
06TOER	Rod (-)	+-	-	-/+	+/-	+	+	+	+	-	-/+	+	+	-	-	+	<i>S. marcescens</i>
07TOER	Rod (-)	+	-	-	+	+	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	<i>Klebsiella</i> <i>rhino.</i>
08TOER	Rod (-)	-	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
08TOER	Rod (-)	+-	-	-/+	+/-	+	+	+	+	-	-/+	+	+	-	-	-	<i>S. marcescens</i>

11TOER	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
12TOER	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	+	-	-	-	+	<i>P. aeruginosa</i>
12TOER	Rod (-)	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	-	<i>Shigella spp</i>
12PO	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
08CV	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
12CV	Rod (-)	+-	-	-/+	+/-	+	+	+	-	-/+	+	+	-	-	-	-	<i>S. marcescens</i>
02GI	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	-	-	-	-	-	<i>A. baumannii</i>
04GI	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	+	-	-	-	+	<i>P. aeruginosa</i>
14GI	Rod (-)	-	-	-	-	-	+	+	-	-	-	+	-	-	-	+	<i>P. aeruginosa</i>

Key: SIM Medium : for Sulfide, Indole and Motility; + (Positive); - (Negative); LDC: Lysine Decarboxylase; Mac: MacConkey agar ; +/- (variable)

S1 Table 3: Data description

variable	Value & label
Name of Hospital	1=TASH (Tikur Anbessa Specialized Hospital)
Ward	1=ICU; 2= OT
Type of Intensive care unit	6=Medical; 7=Medical-Surgical; 9=Pediatric ICU; 11=Surgical
Type of Operation theatre	1=Cardo-Vs; 2 =Emergency; 3=Endo-Renal; 4= GIT 8=Neurology; 5=Gyn-obs; 10=Pediatrics OR
Sample type	1=surface swab
Spot collect (sampling point)	1=Anastasia machine; 2=Bed;; 3= corroder;4= door knob;5= floor; 6= Laparoscopy; 7= Monitor; 8=OR-Light; 9= Sink; 10= Suction machine; 11= Trowel; 12= wall; 13= linens; 14= lobby/furniture (chair, table & locker); 15= oxygen cylinder ; 16= Ventilator; 17= work station (telephone, apron)
Isolate	1= <i>Acinetobacter</i> spp; 2= <i>Bacillus</i> spp; 3= <i>CONS</i> ; 4= <i>E. coli</i> ; 5= <i>Enterobacter</i> spp; 6= <i>Enterococcus</i> spp; 7= <i>GBS</i> ; 8= <i>Klebsiella oxytoca</i> ; 9= <i>Klebsiella pneumoniae</i> ; 10= <i>Klebsiella rhino.</i> ; 11 = <i>Pseudomonas</i> spp; 12= <i>S. aureus</i> ; 13= <i>Serratia</i> spp; 14= <i>Shigella</i> spp
Gram reaction	1=negative; 2=positive

variable	Value & label
Drug/Antimicrobials	1=Ampicillin; 2=Aztreonam; 3=Cefotaxime; 4=Ceftriaxone; 5=Ceftazidime; 6=Cefoxitin; 7= Cefuroxime ; 8=Cefepime; 9=Amoxicillin- clavulanic acid; 10=Piperacillin-Tazobactam; 11= Meropenem ; 12=Amikacin; 13=Gentamycin; 14=Ciprofloxacin; 15=Chloramphenicol; 16= sulfamethoxazole-trimethoprim; 17=Vancomycin; 18=Erythromycin; 19= Azithromycin; 20=Clindamycin; 21=Doxycycline; 22=Penicillin
Susceptibility pattern	1=Susceptible; 2= Resistance; 3= Intermediate